

(19) 日本国特許庁(JP)

再公表特許(A1)

(11) 国際公開番号

W02003/033532

発行日 平成17年2月3日(2005.2.3)

(43) 国際公開日 平成15年4月24日(2003.4.24)

(51) Int. Cl.⁷

C 1 2 N 15/09
 A O 1 H 5/00
 A O 1 N 63/00
 A 6 1 K 38/00
 A 6 1 P 31/04

F I

C 1 2 N 15/00 Z N A A
 A O 1 H 5/00 A
 A O 1 N 63/00 A
 A 6 1 P 31/04
 C O 7 K 14/435

審査請求 未請求 予備審査請求 有 (全 28 頁) 最終頁に続く

出願番号	特願2003-536270 (P2003-536270)	(71) 出願人	000003986
(21) 国際出願番号	PCT/JP2002/010651		日産化学工業株式会社
(22) 国際出願日	平成14年10月15日(2002.10.15)		東京都千代田区神田錦町3丁目7番地1
(31) 優先権主張番号	特願2001-317255 (P2001-317255)	(71) 出願人	501167644
(32) 優先日	平成13年10月15日(2001.10.15)		独立行政法人農業生物資源研究所
(33) 優先権主張国	日本国(JP)		茨城県つくば市観音台2丁目1-2
(81) 指定国	AP (GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), EP (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, SK, TR), OA (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, B R, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NO, N Z, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW	(74) 代理人	100062007
			弁理士 川口 義雄
		(74) 代理人	100113332
			弁理士 一入 章夫
		(74) 代理人	100114188
			弁理士 小野 誠
		(74) 代理人	100103920
			弁理士 大崎 勝真

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 抗微生物蛋白質、それをコードする遺伝子及びそれらの利用法

(57) 【要約】

幅広い抗菌スペクトルを有し、農業、医薬、工業において有用な耐熱性の抗微生物活性を有する蛋白質、病原菌に対して抵抗性を示す植物を提供する。

配列番号1乃至5の何れかに記載の塩基配列からなるDNA及び該DNAにコードされる抗微生物活性を有する蛋白質、該抗微生物活性を有する蛋白質を有効成分とする殺菌剤、抗菌剤及び工業用抗菌・抗カビ剤。

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

以下の (a) または (b) の蛋白質；

(a) 配列番号 6 乃至 10 の何れかに記載のアミノ酸配列からなる蛋白質；

(b) 配列番号 6 乃至 10 の何れかのアミノ酸配列において、1 以上のアミノ酸が欠失、置換もしくは付加されたアミノ酸配列からなり、かつ抗微生物活性を有する蛋白質。

【請求項 2】

請求項 1 に記載の蛋白質をコードする DNA。

【請求項 3】

以下の (a) または (b) の DNA；

(a) 配列番号 1 乃至 5 の何れかに記載の塩基配列からなる DNA；

(b) 配列番号 1 乃至 5 の何れかの DNA とストリンジェントな条件でハイブリダイズし、かつ抗微生物活性を有する蛋白質をコードする、請求項 2 に記載の DNA。

【請求項 4】

請求項 2 または請求項 3 に記載の DNA を含む組換えベクター。

【請求項 5】

請求項 4 に記載の組換えベクターにより形質転換された形質転換細胞。

【請求項 6】

形質転換細胞が植物由来である、請求項 5 に記載の形質転換細胞。

【請求項 7】

請求項 6 に記載の形質転換細胞を再生して得られる病原微生物に抵抗性を示す植物体又はその子孫。

【請求項 8】

請求項 5 又は請求項 6 に記載の形質転換細胞を培養し、培地または細胞抽出物から目的の抗微生物活性を有する蛋白質を回収することを特徴とする、請求項 1 に記載の蛋白質の製造方法。

【請求項 9】

請求項 1 に記載の蛋白質の何れかを有効成分とする殺菌剤、抗菌剤、又は工業用抗菌・抗カビ剤。

【請求項 10】

農園芸用、医薬用または工業用である、請求項 9 に記載の殺菌剤、抗菌剤又は工業用抗菌・抗カビ剤。

【発明の詳細な説明】

技術分野

本発明は、抗微生物活性を有する新規な蛋白質、上記蛋白質をコードする遺伝子、並びに上記蛋白質および上記遺伝子の利用法に関する。

背景技術

昆虫由来の抗微生物蛋白質は、多くの種類の昆虫より 150 種類近くが見つかっている。この中で糸状菌に対して活性のあるものとしては、双翅目昆虫の *Drosomycin* [*J. Biol. Chem.*, 1994; 269(52): 33159-33163] や鱗翅目昆虫の *Helioomicin* (*J. Biol. Chem.* 1999; 274(14): 9320-9326)] や半翅目昆虫の *Thanatin* (*Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 1996; 93: 9320-9326) などが報告されている。一方、鞘翅目昆虫であるタイワンカブトムシ (*Oryctes rhinoceros*) からは抗細菌ペプチドとして、トリファシン (特開平 8-283291)、オリクチン (特開平 8-283292)、ライナサラシン (特開平 8-283294)、*Defensin* [*Eur. J. Biochem.* 1999; 266: 616-623] が報告されているが、糸状菌に活性を示す抗微生物蛋白質はいまだ知られていない。

近年、昆虫より得られた抗微生物蛋白質遺伝子を植物に導入し、病害抵抗性を付与する試みが行われている。センチクバエより得られた *Sarcotoxin IA* を導入した

10

20

30

40

50

タバコ [Mol. Plant. Microbe. Interact. 2000; 13(8) 860-868]、カイコより得られた Cecropin B を導入したイネ (FEB S Letters 2000; 484: 7-11) などが報告されているが、実用化には至っていない。その理由の一つとして、導入した遺伝子が、植物に多大な被害を与える植物病原系状菌に対して活性のある蛋白質の遺伝子として得られたものではなかったことが考えられる。従って、従来抗微生物蛋白質より系状菌に対して活性のある抗微生物蛋白質およびその遺伝子を同定して、利用することが望まれている。

また、工業用抗菌・抗カビ剤としては、これまでに有機窒素系化合物、有機窒素イオウ系化合物、有機ハロゲン系化合物、含窒素脂肪族ポリマー及び重金属配位化合物等が使用されている。しかしこれらは刺激性があり労安法上問題になる薬剤、使用薬量が多く環境保護の観点から問題になる薬剤、ホルマリン或いはハロゲンを遊離し、人体への影響及び環境汚染が懸念される薬剤及び重金属による環境汚染が懸念される薬剤を含んでおり、工業用抗菌・抗カビ剤全体が、好ましい薬剤のみで構成されているとは言えない。

一方、医薬分野において、メチシリンやバンコマイシン等の抗生物質に耐性を示す多剤耐性細菌が問題となっており、これらの多剤耐性菌に対して効果がある有効な薬剤が望まれている。

発明の開示

本発明は、比較的低濃度で様々な植物病原菌の生長を抑止できる新規な抗微生物蛋白質を探索、同定し、さらに該蛋白質をコードする遺伝子をクローニングしてその塩基配列を特定し、本発明の遺伝子を適当な宿主生物(微生物、動物または植物など)に導入して形質転換体を作成し、本発明の遺伝子の利用を図ることである。また、本発明の別の目的は、本発明の抗微生物蛋白質を含む農園芸用殺菌剤、医薬品又は工業用抗菌・抗カビ剤を提供することである。

課題を解決するための手段

本発明者らは、先ず、イネ紋枯病菌 (*Rhizoctonia solani*) に対する *in vitro* の抗微生物活性を検定するためのアッセイ系を確立した。次いで、タイワンカブトムシ体液から蛋白質成分を抽出し、各種カラムクロマトグラフィーを組み合わせ、各画分を上記アッセイ系に供試することにより、抗微生物蛋白質画分を同定し、抗微生物蛋白質を単離・精製することに成功した。

さらに本発明者らは、精製蛋白質の部分アミノ酸配列を決定し、このアミノ酸配列に基づき合成したオリゴヌクレオチドをプライマーとして使用する RT-PCR 法により当該蛋白質をコードする完全長の cDNA を単離し、全塩基配列を決定した。上記の通り、本発明者らは、タイワンカブトムシ由来の新規な抗微生物蛋白質の単離とそれをコードする DNA のクローニングに成功し、また当該蛋白質のアミノ酸配列と当該 DNA の塩基配列を決定して、本発明を完成するに至った。

(DNA)

本発明の DNA は、後述する 5 種類の抗微生物活性を有する蛋白質をそれぞれコードする DNA である。

該 DNA は、タイワンカブトムシの幼虫から抽出した DNA 及び RNA から単離同定することもできるが、本明細書に開示された配列を基に、一般的なハイブリダイゼーション等の遺伝子工学的手法を用いたクローニングやホスホアミダイト法などの化学合成的手法により調製される DNA であってもよい。その形態としては cDNA、ゲノム DNA の他、化学合成 DNA などが含まれるが、特に制限はない。また、本発明の DNA は 1 本鎖であっても、それに相補的な配列を有する DNA や RNA と結合して 2 重鎖、3 重鎖を形成していても良い。また、当該 DNA は、ホースラディッシュペルオキシダーゼ (HRPO) などの酵素や放射性同位体、蛍光物質、化学発光物質等で標識されていてもよい。

本発明の DNA の塩基配列が提供されれば、これより導かれる RNA の配列や、相補的な DNA および RNA の配列などは一義的に決定されるので、本発明は、本発明の DNA に対応する RNA あるいは本発明の DNA と相補的な配列を有する DNA および RNA もまた提供するものと理解すべきである。

10

20

30

40

50

さらに、本発明のDNAには、配列番号1乃至5に記載の各塩基配列からなるDNAの何れかとストリンジेंटな条件でハイブリダイズするDNAをも含むものである。

配列番号1乃至5に記載の塩基配列からなるDNAに対しては、これとストリンジेंटな条件でハイブリダイズし、かつ該DNAにコードされる蛋白質が抗微生物活性を保持する範囲内において、塩基配列のバリエーションが許容される。例えば、いわゆるコドン縮重による同一アミノ酸残基をコードする複数のコドンの存在や、種々の人為的処理例えば部位特異的変異導入、変異剤処理によるランダム変異、制限酵素切断によるDNA断片の変異・欠失・連結等により、部分的にDNA配列が変化したものであっても、これらDNA変異体が配列番号1乃至5に記載のDNAのいずれかとストリンジेंटな条件下でハイブリダイズし、かつ抗微生物活性を有する蛋白質をコードするDNAであれば、配列番号1乃至5に示したDNA配列との相違に関わらず、本発明の範囲内のものである。

上記のDNA変異の程度は、配列番号1乃至5に記載のDNA配列と70%以上、好ましくは80%以上、更に好ましくは90%以上の相同性を有するものであれば許容範囲内である。また、ハイブリダイズする程度としては、通常の条件下、例えばDIG DNA Labeling kit (ベーリンガー・マンハイム社製Cat No. 1175033)でプローブをラベルした場合に、32 DIG Easy Hyb溶液(ベーリンガー・マンハイム社製Cat No. 1603558)中でハイブリダイズさせ、室温で0.5xSSC溶液(0.1%(w/v)SDSを含む)中でメンブレンを洗浄する条件(1xSSCは0.15M NaCl、0.015M クエン酸ナトリウムである)でのザンハイブリダイゼーションで、配列番号1乃至5に記載の核酸の何れかにハイブリダイズする程度であればよい。

本発明のDNAは、適当なベクターに組換えることによって、それらにコードされる抗微生物活性を有する蛋白質の遺伝子組換え手法による好適な組換えベクター、好ましくは発現ベクターとすることができる。該組換えベクターは環状、直鎖状等いかなる形態のものであってもよい。また、該組換えベクターは、本発明のDNAに加え、必要ならば他の塩基配列を有していてもよい。他の塩基配列とは、エンハンサー配列、プロモーター配列、リボゾーム結合配列、コピー数の増幅を目的として使用される塩基配列、シグナルペプチドをコードする塩基配列、他のポリペプチドをコードする塩基配列、ポリA付加配列、スプライシング配列、複製開始点、選択マーカーとなる遺伝子の塩基配列等のことである。遺伝子組み換えに際しては、適当な合成DNAアダプターを用いて翻訳開始コドンや翻訳終止コドンを本発明のDNAに付加したり、あるいは塩基配列内に適当な制限酵素切断配列を新たに発生させあるいは消失させることも可能である。これらは当業者が通常行う作業の範囲内であり、本発明のDNAを基に任意かつ容易に加工することができる。

また本発明のDNAを保持するベクターは、使用する宿主に応じた適当なベクターを選択して使用すればよく、プラスミドの他にバクテリオファージ、パキユロウイルス、レトロウイルス、ワクシニアウイルス等の種々のウイルスを用いることも可能であり、特に制限はない。

本発明の配列番号1乃至5の何れかに記載のDNAにハイブリするヌクレオチド配列からなるオリゴヌクレオチド、例えば配列番号12乃至18の何れかに記載のオリゴヌクレオチドは、タイワンカブトムシ幼虫の脂肪体のcDNAを鋳型にしてRT-PCRを行うときのプライマーとなる。このPCR法により、本発明の抗菌蛋白質をコードする完全長cDNAクローンを単離することが容易となり、本発明の遺伝子の単離方法が提供される。(抗微生物活性を有する蛋白質)

本発明の蛋白質は、配列番号6乃至10に示されるアミノ酸配列からなる、抗微生物活性を有する蛋白質である。ここにいう抗微生物活性とは、種々の糸状菌及び種々の細菌に及ぶ、幅広い微生物の生育を抑制あるいは死滅させる活性を意味する。特に、農業上重大な被害を与える植物病原糸状菌や細菌、医学上重篤な感染症を引き起こす糸状菌や細菌、産業上重大な被害を与える糸状菌や細菌に対して、生育抑制あるいは死滅活性を意味する。本発明の蛋白質は、植物病原菌に対して抗菌効果のあるタイワンカブトムシ幼虫、特に3齢幼虫の体液から調製することができるが、本明細書に記載した特徴を有する限り、その

10

20

30

40

50

起源、製法などは限定されない。即ち、天然由来の蛋白質、遺伝子工学的手法により組換えDNAから発現させた蛋白質、あるいは化学合成蛋白質の何れでもよい。

配列番号6に記載の蛋白質は全長66アミノ酸残基からなる蛋白質である。この蛋白質がプロセッシングを受けてN末端及び/又はC末端が切断されることにより、配列番号7に示される全長36アミノ酸残基からなる蛋白質(SP4080)、配列番号8に示される全長38アミノ酸残基からなる蛋白質(SP4266)、配列番号9に示される全長38アミノ酸残基からなる蛋白質(SP4337)、配列番号10に示される全長40アミノ酸残基からなる蛋白質(SP4523)が、それぞれ生じていると想定される。この様に、配列番号7乃至10に示されるアミノ酸配列は、すべて配列番号6に示されるアミノ酸配列の部分配列に相当する。

10

本発明の抗微生物活性を有する蛋白質のアミノ酸配列について、公知の蛋白質データベースに対して相同性検索を行った結果、50%を超える高い相同性を示す公知のアミノ酸配列は確認できなかった。このことから、本発明の抗微生物活性を有する蛋白質は、これまでにない特徴的なアミノ酸配列からなる蛋白質であると考えられる。

配列番号6乃至10の蛋白質は、いずれも100、10分間の熱処理を行った後も、植物病原菌に対して抗微生物活性を有する蛋白質である。

本発明の蛋白質は、植物病原菌であるイネ紋枯病菌(*Rhizoctonia solani*)、イネいもち病菌(*Pyricularia oryzae*)、コムギ葉枯病菌(*Septoria tritici*)、シバブラウンパッチ病菌(*Rhizoctonia solani*)、トマト疫病菌(*Phytophthora infestans*)、衛生病原菌である黄色ブドウ球菌(*Staphylococcus aureus*)、大腸菌(*Escherichia coli*)などの、糸状菌から細菌にわたる幅広い菌種に対して生育抑制あるいは死滅活性を示すものである。特に、イネ紋枯病菌、シバブラウンパッチ病菌、黄色ブドウ球菌及び大腸菌に対して顕著な抗微生物活性を示す。

20

なお、上記の抗微生物活性を有する限り、配列番号6乃至10に示す蛋白質のアミノ酸配列において、1以上のアミノ酸が置換、欠失、および/若しくは付加したアミノ酸配列からなるポリペプチドあるいは蛋白質も本発明の範囲内である。

蛋白質の構成要素となるアミノ酸残基側鎖は、疎水性、電荷、大きさなどにおいてそれぞれ異なるが、実質的に蛋白質全体の3次元構造(立体構造とも言う)に影響を与えないという意味で保存性の高い幾つかの関係が知られている。例えば、アミノ酸残基の置換については、グリシン(Gly)とプロリン(Pro)、Glyとアラニン(Ala)またはバリン(Val)、ロイシン(Leu)とイソロイシン(Ile)、グルタミン酸(Glu)とグルタミン(Gln)、アスパラギン酸(Asp)とアスパラギン(Asn)、システイン(Cys)とスレオニン(Thr)、Thrとセリン(Ser)またはAla、リジン(Lys)とアルギニン(Arg)、等が挙げられる。また、上述の意味の保存性を損なう場合でも、なおその蛋白質の本質的な機能、本発明においては抗微生物活性を有する、を失わない変異も当業者に多く知られている。さらに、異なる生物種間に保存される同種の蛋白質が、幾つかのアミノ酸が集中あるいは分散して欠失あるいは挿入されていてもなお本質的な機能を保持している例も多く認められている。

30

従って、配列番号6乃至10に示したアミノ酸配列上の置換、挿入、欠失等による変異蛋白質であっても、その変異が本発明の本質的な機能である抗微生物活性を有する蛋白質であれば、これらは本発明の範囲内にあるものと言うことができる。

40

このようなアミノ酸の改変は、遺伝子多形等によって生ずる変異の様に自然界において認められる他、当業者に公知の方法、例えばNTGなどの変異誘発剤を用いた突然変異誘発法や種々の組換え遺伝子手法を用いた部位特異的変異法を利用して、人為的に行うことができる。アミノ酸の変異部位および個数は、変異蛋白質が抗微生物活性を保持する限り特に制限はないが、変異個数は通常十数アミノ酸以内、好ましくは10アミノ酸以内である。

(形質転換植物)

本発明の形質転換植物は、植物細胞内で機能しうる適当なプロモーターの制御下に置いた本発明の遺伝子を用い、これをそのままあるいは適当なベクターに組み込んで形質転換し

50

た宿主植物細胞を基に再生した、本発明の抗微生物活性を有する蛋白質を発現することにより植物病原菌等に耐性を示す植物体あるいはその子孫である。

本発明の形質転換植物は、その植物体中に本発明である抗微生物活性を有する蛋白質を発現することができる。

本発明の形質転換植物には全ての植物種が含まれるが、例えば、単子葉植物ではイネ科、ヤシ科、ユリ科、ラン科、サトイモ科等が挙げられる。

イネ科植物としては、イネ、コムギ、オオムギ、ライムギ、シバ、ヨシ、サトウキビ、トウモロコシ、アワ、ヒエ等が挙げられる。

ユリ科植物としては、ネギ、ユリ、チューリップ等が挙げられる。

双子葉植物では、ブナ科、サポテン科、ツバキ科、アオイ科、ウリ科、アブラナ科、バラ科、マメ科、トウダイグサ科、ブドウ科、ミカン科、セリ科、ナス科、シソ科、キク科、サクラソウ科等が挙げられる。

ツバキ科植物としては、チャ等が挙げられる。

アオイ科植物としては、ワタ等が挙げられる。

ウリ科植物としては、キュウリ、メロン、カボチャ等が挙げられる。

アブラナ科植物としては、アブラナ、シロイヌナズナ、ダイコン、ワサビ、キャベツ等が挙げられる。

バラ科植物としては、ウメ、モモ、リンゴ、ナシ、バラ等が挙げられる。

マメ科植物としては、ダイズ、アズキ、エンドウ、ソラマメ、ラッカセイ等が挙げられる

。

ナス科植物としては、タバコ、ナス、ジャガイモ、トマト等が挙げられる。

キク科植物としては、キク、シュンギク、ヒマワリ、レタス等が挙げられる。

サクラソウ科植物としては、サクラソウ、シクラメン等が挙げられる。

また、スギ科、マツ科、ヒノキ科等の裸子植物に属する植物体も含まれる。

(抗菌剤、殺菌剤、工業用抗菌・抗カビ剤)

本発明の抗菌剤、殺菌剤、又は工業用抗菌・抗カビ剤は、抗微生物活性を有する蛋白質を有効成分として、そのままあるいはこれと適当な賦形剤等を組合せることで調製されるものである。有効成分である抗微生物活性を有する蛋白質の広範な抗菌スペクトルを有するという特性から、農園芸用殺菌剤、医薬用抗菌剤、工業用抗菌・抗カビ剤としての使用に好適である。

何れの場合でも、本発明の抗微生物蛋白質を単独で使用してもよく、また必要により、他の公知の農薬、医薬、工業用抗菌・抗カビ成分、防虫活性成分等と組み合わせて使用することは差し支えない。更に、本発明において有効成分として使用する抗微生物活性を有する蛋白質は、単一の蛋白質或いは数種類の蛋白質の混合物から構成されていてもよい。

本発明の農園芸用殺菌剤の対象となる植物病害は極めて多岐に渡り、イネのいもち病 (*Pyricularia oryzae*)、ごま葉枯病 (*Cochliobolus miyabeanus*)、紋枯病 (*Rhizoctonia solani*)、ムギ類のうどんこ病 (*Erysiphe graminis* f. *S.P. hordei*, f. *S.P. tritici*)、斑葉病 (*Pyrenophora graminea*)、網斑病 (*Pyrenophora teres*)、赤かび病 (*Gibberella zeae*)、さび病 (*Puccinia striiformis*, *P. graminis*, *P. recondita*, *P. hordei*)、雪腐病 (*Typhula* *S.P.*, *Micronectriella nivais*)、裸黒穂病 (*Ustilago tritici*, *U. nuda*)、アイスポット (*Pseudocercospora herpotrichoides*)、雲形病 (*Rhynchosporium secalis*)、葉枯病 (*Septoria tritici*)、ふ枯病 (*Leptosphaeria nodorum*)、カンキツの黒点病 (*Diaporthe citri*)、そうか病 (*Elsinoe fawcetti*)、果実腐敗病 (*Penicillium digitatum*, *P. italicum*)、リンゴのモニリア病 (*Sclerotinia mali*)、腐らん病 (*Valsa mali*)、うどんこ病 (*Podospheera*

10

20

30

40

50

leucotricha)、斑点落葉病 (*Alternaria mali*)、黒星病 (*Venturia inaequalis*)、ナシの黒星病 (*Venturia nasicola*)、黒斑病 (*Alternaria kikuchiana*)、赤星病 (*Gymnosporangium haraeaeum*)、モモの灰星病 (*Sclerotinia cinerea*)、黒星病 (*Cladosporium carpophilum*)、フオモプシス腐敗病 (*Phomopsis* sp.)、ブドウのべと病 (*Plasmopara viticola*)、黒とう病 (*Elsinoe ampelina*)、晩腐病 (*Glomerella cingulata*)、うどんこ病 (*Uncinula necator*)、さび病 (*Phakopsora ampelopsidis*)、カキの炭そ病 (*Gloeosporium kaki*)、落葉病 (*Cercospora kaki*、*Mycosphaerella nawae*)、ウリ類のべと病 (*Pseudoperenospora cubensis*)、炭そ病 (*Colletotrichum lagenarium*)、うどんこ病 (*Sphaerotheca fuliginea*)、つる枯病 (*Mycosphaerella melonis*)、トマトの疫病 (*Phytophthora infestans*)、萎ちょう病 (*Fusarium oxysporum*)、輪紋病 (*Alternaria solani*)、葉かび病 (*Cladosporium fulvam*)、ナスの褐紋病 (*Phomopsis vexans*)、うどんこ病 (*Erysiphe cichoracoarum*)、アブラナ科野菜の黒斑病 (*Alternaria japonica*)、白斑病 (*Cercospora brassicae*)、ネギのさび病 (*Puccinia alli*)、ダイズの紫斑病 (*Cercospora kikuchii*)、黒とう病 (*Elsinoe glycines*)、黒点病 (*Diaporthe phaseololum*)、インゲンの炭そ病 (*Colletotrichum lindemuthianum*)、ラッカセイの黒渋病 (*Mycosphaerella personatum*)、褐斑病 (*Cercospora arachidicola*)、エンドウのうどんこ病 (*Erysiphe pisi*)、ジャガイモの夏疫病 (*Alternaria solani*)、イチゴのうどんこ病 (*Sphaerotheca humuli*)、チャの網もち病 (*Exobasidium reticulatum*)、白星病 (*Elsinoe leucospila*)、タバコの赤星病 (*Alternaria longipes*)、うどんこ病 (*Erysiphe cichoracearum*)、炭そ病 (*Colletotrichum tabacum*)、テンサイの褐斑病 (*Cercospora beticola*)、バラの黒星病 (*Diplocarpon rosae*)、うどんこ病 (*Sphaerotheca pannosa*)、キクの褐斑病 (*Septoria chrysanthemiindici*)、白さび病 (*Puccinia horiana*)、ベントグラスのブラウンパッチ (*Phizoctonia solani*)、ピシウムブライト (*Pythium* spp.)、ダラースポット (*Sclerotinia homoeocarpa*)、各種雪腐病 (*Typhula* spp、*Fusarium nivale*、*Sclerotinia borealis*)、ヘルミントスポリウム病 (*Helminthosporium sorokinianum*、*H. erythrospilum*)、ノシバ、コウライシバの各種ピシウム病 (*Pythium periplocum*、*P. graminicola*、*P. venterpoolii*)、葉腐病 (*Rhizoctonia solani*)、種々の作物の灰色かび病 (*Botrytis cinerea*)、菌核病 (*Sclerotinia sclerotiorum*) 等が挙げられる。従って、本発明の抗微生物活性を有する蛋白質は、畑地、水田、芝生地、果樹園、牧草地、温室その他非耕地の植物病害防除剤の有効成分として用いることができる。本発明の医薬用抗菌剤は、黄色ブドウ球菌、大腸菌、アスペルギルス症発病菌 (*Aspergillus* 属菌)、カンジダ症発病菌 (*Candida* 属菌)、ムコール症発病菌 (*Mucor* 属菌、*Absidia* 属菌)、クリプトコッカス症発病菌 (*Cryptococcus* 属菌)、北アメリカ分芽菌症発病菌 (*Blastomyces* 属菌)、パラコクシジオイデス症発病菌 (*Paracoccidioides* 属菌)、コクシジオイデス症

発病菌 (Coccidioides 属菌)、スポロトリコーシス発病菌 (Sporothrix 属菌)、クロモミコーシス発病菌 (Phialophora 属菌)、ヒストプラズマ症発病菌 (Histoplasma 属菌)、皮膚糸状菌症発病菌 (Trichophyton 属菌、Microsporum 属菌、Epidermophyton 属菌)、その他の病原微生物に抗菌効果を示す点で有用である。

本発明の工業用抗菌・抗カビ剤において有効成分として使用する抗微生物活性を有する蛋白質は、適当な担体及び補助剤、例えば、結合剤、安定剤などと配合して混合し、常法によって液剤、水和剤、乳剤、ゾル剤 (フロアブル剤) 及びその他の適当な剤形に製剤化して使用される。

本発明の抗微生物活性を有する蛋白質を有効成分として含む工業用抗菌・抗カビ剤は、水性の塗料、接着材、ラテックス、アクリル等のエマルジョン製品、デンプン、顔料、炭酸カルシウム等のスラリー製品及びジョイントセメントの中の細菌、真菌の生長抑制; 建材 (建築建材、土木建材等) の木材の防腐; 工場の製造設備及びビル空調等における冷却塔、パルプ及び製紙工場等の殺菌及びスライム生成防止; 繊維、織物及び皮革への噴霧または浸漬処理による抗菌・抗カビ処理; 塗料皮膜、特に外装塗料の塗料皮膜が風雨に曝されている間に発生する細菌・真菌による攻撃からの防御; 塩化ビニル、ポリウレタン、ポリエチレン、ポリプロピレン、シリコン、変性シリコン、ナイロン、エポキシ等の樹脂から成る内装・外装材 (住宅用、医療施設用)、建材 (建築建材、土木建材等)、家電製品、家庭用雑貨、スポーツ用品等の抗菌・抗カビ; サトウキビ及びテンサイ糖の製造装置へのスライム堆積の防護; エアウオッシャー、スクラッパーシステム及び工業用淡水供給システムにおける微生物蓄積及び堆積の防止; 食品工場等の衛生環境保持; 製造設備の洗浄時、下水処理場、し尿処理場等の消臭殺菌; 紙被覆材及び被覆加工における細菌及び真菌の生育防止; 化粧品及びトイレタリー製品の微生物汚染の防止; プール、冷却水等の微生物の生育防止; 農業用配合物、電着システム、診断及び薬剤製品、医療機器等の微生物汚染の防止; 写真処理における微生物蓄積の防止; などに使用することができる。

製剤化された本発明の工業用抗菌・抗カビ剤は、各種の製剤をそのまま、又は水若しくは適当な有機溶媒で希釈して、各種の工業用原材料中にまたは製品中に添加混合する方法、各種の工業用原材料や製品の表面に塗布または噴霧する方法または各種の工業用原材料や製品を本発明の工業用抗菌・抗カビ剤の希釈液中に浸漬する方法、等を含め、これまでに一般的に行われてきた工業用抗菌・抗カビ剤の使用方法に従って各種の方法により使用できるが、いずれの特定の方法のみに限定されるものではない。

以上に述べた本発明の殺菌剤、抗菌剤、工業用抗菌・抗カビ剤の剤形は、溶液剤、懸濁剤、乳濁剤などを混合して調製した剤形であってもよく、例えば、錠剤、丸剤、散剤、顆粒剤、液剤、水和剤、乳剤、注射剤、塗布剤、座剤、エアゾール剤、ゾル剤 (フロアブル剤) などの剤形を挙げることができる。

発明の実施の形態

(DNA)

本発明のDNAは、本発明の実施例に従ってタイワンカブトムシ幼虫、特に3齢幼虫から抽出したDNA又はRNAを基にクローニングすることが可能であり、本発明によって開示された塩基配列またはその一部を利用して、ハイブリダイゼーションやPCRという遺伝子工学の基本的手法を用いて、他の生物種からも同様の抗微生物活性を有する蛋白質をコードする遺伝子を単離することができる。また、DNA合成機を用いて一部あるいは全てを化学合成することも可能である。

タイワンカブトムシ以外の生物由来の相同遺伝子をスクリーニングするためのハイブリダイゼーション条件は、特に限定されないが、一般的にはストリンジেন্টな条件が好ましく、例えば、 $6 \times SSC$ 、 $5 \times Denhardt's$ 、 $0.1\% SDS$ 、 $25 \sim 68$ などのハイブリダイゼーション条件を使用することが考えられる。ホルムアミド濃度、塩濃度及び温度などのハイブリダイゼーション条件を適宜設定することにより、ある一定の相同性以上の相同性を有する塩基配列を含むDNAをクローニングできることは当業者に周知である。

10

20

30

40

50

上記のようなハイブリダイゼーションを使用してクローニングされる相同遺伝子は、配列番号1乃至5に記載の塩基配列に対して少なくとも70%以上、好ましくは80%以上、より好ましくは90%以上の相同性を有するものが好ましい。

また、配列番号12~18の何れかに記載のヌクレオチド配列を有するオリゴヌクレオチドも、DNA合成機を用いて合成することができる。このプライマーは、配列番号6及び10のアミノ酸配列に基づいて、各々の蛋白質をコードする遺伝子断片のクローニングのためのPCR用プライマーとして設計すればよく、当該アミノ酸をコードすることが可能な全ての塩基をミックスしたプライマーとしても使用することができる。これらのプライマーを用いて、大腸菌を接種して免疫したタイワンカブトムシ幼虫脂肪体cDNAを鋳型としてPCRを行うことにより、本発明の配列番号1乃至5の何れかのDNAを増幅させ、単離することができる。

10

本発明の組換えベクターは、例えばSambrook、J.ら、Molecular Cloning、A Laboratory Manual、second edition、Cold Spring Harbor Laboratory、1.53(1989)に記載の方法などにより、適当なプラスミドなどのベクターに本発明の遺伝子のDNA断片を組み込むことで調製することができる。

ベクターは、簡便には当業界において入手可能な組換え用ベクター(例えば、プラスミドDNAなど)に所望の遺伝子を常法により連結することによって調製することができる。用いられるベクターの具体例としては、大腸菌由来のプラスミドとして、例えば、pBluescript、pUC18、pUC19、pBR322などが例示されるがこれらに

20

限定されない。所望の蛋白質を生産する目的においては、いわゆる発現ベクターが有用である。発現ベクターの種類は、原核細胞および/または真核細胞の各種の宿主細胞中で所望の遺伝子を発現し、所望の蛋白質を生産する機能を有するものであれば特に限定されないが、例えば、大腸菌用発現ベクターとして、pQE-30、pQE-60、pMAL-c2、pMAL-P2、pSE420などが好ましく、酵母用発現ベクターとしてpYES2(サッカロマイセス属)、pPIC3.5k、pPIC9k、pAO815(以上ピキア属)、昆虫用発現ベクターとしてpBacPAK8/9、pBK283、pVL1392、pBieBac4.5などが好ましい。

宿主細胞として酵母、植物細胞、動物細胞または昆虫細胞を用いて本発明の蛋白質を生産する場合には、一般に発現ベクターは、少なくともプロモーター、開始コドン、所望の抗微生物蛋白質をコードする遺伝子、終止コドン、ターミネーターを含んでいることが好ましい。またシグナルペプチドをコードするDNA、エンハンサー配列、所望の遺伝子の5'側および3'側の非翻訳領域、選択マーカー領域または複製可能単位などを適宜含んでいてもよい。

30

本発明のベクターにおいて、好適な開始コドンとしては、メチオニンコドン(ATG)が例示される。また、終止コドンとしては、常用の終止コドン(例えば、TAG、TGA、TAAなど)が例示される。

複製可能単位とは、宿主細胞中でその全DNA配列を複製することができる能力をもつDNAを意味し、天然のプラスミド、人工的に修飾されたプラスミド(天然のプラスミドから調製されたプラスミド)および合成プラスミド等が含まれる。好適なプラスミドとしては、E.coliではプラスミドpQE30、pETまたはpCALもしくはそれらの人工的修飾物(pQE30、pETまたはpCALを適当な制限酵素で処理して得られるDNAフラグメント)が、酵母ではプラスミドpYES2もしくはpPIC9kが、また昆虫細胞ではプラスミドpBacPAK8/9等があげられる。

40

使用するプロモーターは、宿主及び発現の目的に応じて適宜選択すればよく、例えば宿主が大腸菌である場合にはT7プロモーター、lacプロモーター、trpプロモーター、PLプロモーターなどが、宿主が酵母である場合にはPHO5プロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーター等が、宿主が動物細胞である場合にはSV40由来プロモーター、レトロウィルスプロモーター等を例示できるが、当然ながらこれらには限定さ

50

れない。また、エンハンサー配列、ターミネーター配列については、例えば、それぞれSV40に由来するもの等、当業者において通常使用されるものを用いることができる。選択マーカーとしては、通常使用されるものを常法により用いることができる。例えばテトラサイクリン、アンピシリン、またはカナマイシンもしくはネオマイシン、ハイグロマイシンまたはスペクチノマイシン等の抗生物質耐性遺伝子などが例示される。

発現ベクターは、少なくとも、上述のプロモーター、開始コドン、所望の抗微生物蛋白質をコードする遺伝子、終止コドン、およびターミネーター領域を連続的かつ環状に適当な複製可能単位に連結することによって調製することができる。またこの際、所望により制限酵素での消化やT4DNAリガーゼを用いるライゲーション等の常法により適当なDNAフラグメント（例えば、リンカー、他の制限酵素部位など）を用いることができる。

DNAをベクターに導入する方法は公知である（J. Sambrookなど、Molecular Cloning, a Laboratory Manual 2nd ed., Cold Spring Harbor Laboratory, ニューヨーク（New York）, 1989年、参照）。すなわち、DNAとベクターをそれぞれ適当な制限酵素で消化し、得られたそれぞれの断片を、DNAリガーゼを用いてライゲーションさせればよい。

このようにして得られる組換えベクター、好ましくは組換えプラスミドは、適当な宿主細胞に組み込むことができる。用いられる宿主細胞としては、本発明の発現ベクターに適合し、形質転換され得るものであれば特に制限はなく、本発明の技術分野において通常使用される天然の細胞、または人工的に樹立された組換え細胞など種々の細胞を用いることが可能である。宿主細胞としては、大腸菌、酵母または昆虫細胞が好ましく、具体的には、大腸菌ではM15、JM109、BL21など、酵母ではINVScl（サッカロマイセス属）、GS115、KM71（以上ピキア属）など、昆虫細胞ではBmN4、カイコ幼虫などが例示される。また、動物細胞としてはマウス由来、アフリカツメガエル由来、ラット由来、ハムスター由来、サル由来またはヒト由来の細胞若しくはそれらの細胞から樹立した培養細胞株などが例示される。さらに、植物細胞に関しては、細胞培養が可能であれば特に限定されないが、例えば、タバコ、アラビドプシス、イネ、トウモロコシ、コムギ由来の細胞などが例示される。

形質転換体は、所望の発現ベクターを宿主細胞に導入することにより調製することができる。DNAを宿主細胞に導入する方法としては、Sambrook, J.ら、Molecular Cloning, A Laboratory Manual, second edition, Cold Spring Harbor Laboratory, 1.74 (1989)に記載の塩化カルシウム法または塩化カルシウム/塩化ルビジウム法、エレクトロポレーション法、エレクトロインジェクション法、PEGなどの化学的な処理による方法、遺伝子銃などを用いる方法などが挙げられる。

特に、細菌（E. coli、Bacillus subtilis等）の場合は、例えばCohenらの方法（Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1972; 69: 2110）、プロトプラスト法（Mol. Gen. Genet. 1979; 168: , 111）やコンピテント法（J. Mol. Biol. 1971; 56: 209）によって、Saccharomyces cerevisiaeの場合は、例えばHinnenらの方法（Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 1978; 75: 1927）やリチウム法（J. Bacteriol. 1983; 153: 163）によって、植物細胞の場合は、例えばリーフディスク法（Science, 1985; 227: 129）、エレクトロポレーション法（Nature, 1986; 319: 791）によって、動物細胞の場合は、例えばGrahamの方法（Virology, 1973; 52: 456）、昆虫細胞の場合は、例えばSummersらの方法（Mol. Cell. Biol. 1983; 3: 2156 - 2165）によってそれぞれ形質転換することができる。

（形質転換植物）

本発明の形質転換植物は、植物細胞内で機能しうる適当なプロモーターの制御下に置いた本発明の遺伝子を用い、これをそのままあるいは適当なベクターに組み込んで形質転換し

10

20

30

40

50

た宿主植物細胞を基に再生した、植物病原菌等に耐性を示す植物体あるいはその子孫である。

本発明の形質転換植物は、その植物体中に本発明である抗微生物活性を有する蛋白質を発現することができる。

本発明の遺伝子を植物細胞に形質転換する方法に使用し得る発現ベクターとしては、pUC系ベクター（例えばpUC118、pUC119）、pBR系ベクター（例えばpBR322）、pBI系ベクター（例えばpBI112、pBI221）、pGA系ベクター（pGA492、pGAH）、pNC（日産化学社製）などが挙げられる。また、この他にもウイルスベクターなども挙げるができる。また、連結するターミネーター遺伝子としては、35Sターミネーター遺伝子やNosターミネーター遺伝子が挙げられる。

10

構築した発現ベクターの植物への導入方法としては、間接導入法及び直接導入法が挙げられる。間接導入法としては、たとえばアグロバクテリウムを用いた方法が挙げられる。直接導入法としては、たとえばエレクトロポレーション法、パーティクルガン法、ポリエチレングリコール法、マイクロインジェクション法、シリコンカーバイド法等があげられる。

形質転換させた植物細胞から植物固体を再生させる方法は、従来知られた手法を用いればよく、特別な制限はない。

（抗微生物活性を有する蛋白質）

本発明の蛋白質は、例えば後述の実施例に従って、種々のカラムクロマトグラフィー（C18、C8、ゲル濾過、イオン交換）などの蛋白質精製および単離のために慣用される方法を適宜組み合わせることで製造することができる。特に、タイワンカブトムシ幼虫の体液を100、10分間の熱処理を行うことにより、より容易に精製を行うことができる。

20

この様に、本発明の蛋白質は、天然に発現しているタイワンカブトムシから調製することができるが、ペプチド合成機（例えば、ペプチドシンセサイザー430A型、パーキンエルマージャパン（株）製）を使用した化学合成法でも、また原核生物あるいは真核生物から選択される適当な宿主細胞を用いた組換え方法によっても調製することができる。その純度の面から、化学合成蛋白質あるいは遺伝子工学的な手法による生産ならびに組換え型蛋白質が好ましい。

汎用されるペプチド合成装置を用いて、配列番号6乃至10のアミノ酸配列からなる蛋白質を合成するには、格別の工夫は必要とせず、一般的な合成条件に従って行えばよい。

30

また、配列番号1乃至5のDNA配列の何れかを有し、先に例示したような所望の宿主で増幅可能な発現ベクターを用いて大腸菌、酵母、昆虫あるいは動物細胞を形質転換させ、該形質転換細胞を適当な培養条件で培養することにより、当該蛋白質を組換え体として大量に得ることができる。

形質転換体の培養は、一般的な方法で行うことができる。形質転換体の培養については各種の成書（例えば、「微生物実験法」社団法人日本生化学会編、株式会社東京化学同人、1992年、参照）があるので、それらを参考にして行うことができる。

培養混合物から本発明の蛋白質を精製する方法としては、蛋白質の精製に通常使用されている方法の中から適切な方法を適宜選択して行うことができる。すなわち、塩析法、限外濾過法、等電点沈澱法、ゲル濾過法、電気泳動法、イオン交換クロマトグラフィー、疎水性クロマトグラフィーや抗体クロマトグラフィー等の各種アフィニティークロマトグラフィー、クロマトフォーカシング法、吸着クロマトグラフィーおよび逆相クロマトグラフィー等、通常使用され得る方法の中から適切な方法を適宜選択し、必要によりHPLCシステム等を使用して適当な順序で精製を行えば良い。

40

また、本発明の蛋白質を他の蛋白質やタグ（例、グルタチオンSトランスフェラーゼ、プロテインA、ヒキサヒスチジンタグ、FLAGタグその他）との融合蛋白質として発現させることも可能である。発現させた融合型は、適当なプロテアーゼ（例、トロンピンその他）を用いて切り出すことが可能であり、ときとして蛋白質の調製をより有利に行うことが可能となる。本発明の蛋白質の精製は当業者に一般的な手法を適宜組み合わせれば

50

よく、特に融合蛋白質の形態で発現させたときは、その形態に特徴的な精製法を採用することが好ましい。

また、組換えDNA分子を利用して無細胞系の合成方法(J. Sambrook, et al.: Molecular Cloning 2nd ed. (1989年))で得る方法も、遺伝子工学的に生産する方法の1つである。

この様に本発明の蛋白質は、それ単独の形態でも別種の蛋白質との融合蛋白質の形態でも調製することができるが、これらの中に制限されるものではなく、本願発明の蛋白質を更に種々の形態へと変換させることも可能である。例えば、蛋白質に対する種々の化学修飾、ポリエチレングリコール等の高分子との結合、不溶性担体への結合など、当業者に知られている多種の手法による加工が考えられる。また、用いる宿主によっては糖鎖の付加の有無あるいはその程度にも違いが認められる。かかる場合にあっても、抗微生物活性を有する蛋白質として機能する限りにおいて、なお、本発明の思想下にあるというべきである。

10

(殺菌剤、抗菌剤、工業用抗菌・抗カビ剤)

本発明の抗菌剤、殺菌剤又は工業用抗菌・抗カビ剤は、本発明の蛋白質を単独で、あるいは必要に応じて、溶液剤、懸濁剤、乳濁剤などを混合して、調製することができる。水性または非水性の溶液剤、懸濁剤としては、一つまたはそれ以上の活性物質が、少なくとも一つの不活性な希釈剤として混合される。水性の希釈剤としては、例えば蒸留水、食塩水などが挙げられる。非水性の希釈剤としては、例えばプロピレングリコール、ポリエチレングリコール、オリーブ油のような植物油、エタノールのようなアルコール類などが挙げられる。

20

このような組成物は、さらに防腐剤、湿潤剤、乳化剤、分散剤または安定化剤(例えばアルギニン、アスパラギン酸など)などの補助剤を含んでいてもよい。これらは、必要に応じてバクテリア保留フィルターを通す濾過、別の殺菌剤の配合または照射によって無菌化される。これらはまた、例えば凍結乾燥法などによって無菌の固体組成物の形態で製造し、使用前に無菌の蒸留水または他の溶媒に溶解して使用することもできる。

このようにして得られる抗菌剤、殺菌剤または工業用抗菌・抗カビ剤の剤形としては、使用する用途に応じて決めればよく、上記のような添加物と混合し、錠剤、丸剤、散剤、顆粒剤、液剤、乳剤等の形態により散布することができる。

本発明の抗微生物活性を有する蛋白質を有効成分とする農園芸用の殺菌剤等は、真菌類あるいは細菌が関与する植物の疾患予防及び治療などに利用することが可能である。本発明の殺菌剤等は通常、植物の全身または局所的に散布することができる。

30

抗微生物活性を有する蛋白質の植物病害防除剤としての施用薬量は、適用場面、施用時期、施用方法、栽培作物等により差異はあるが、一般には有効成分量として1ha当たり0.001~10kg程度、好ましくは0.001~5kg程度が適当である。散布は、植物の種類、生育段階、症状、散布方法、処理時間、散布する蛋白質の種類(全長の蛋白質、該蛋白質の一部を置換、欠失、挿入及び/又は付加したクンパク質など)、生育している場所の気候、生育している場所の土壌などにより異なるが、一日一回から複数回散布することができる。

本発明の医薬用の抗菌剤等は、本発明の蛋白質を単独で、あるいは必要に応じて医薬として許容される賦形剤、活性成分、補充剤などと混合して所望の剤形に調製することができる。剤形としては、注射剤(皮下、静脈内、筋肉内、腹腔内注射)、液状塗布剤、ゲルおよび軟膏剤、座剤、エアゾール剤などによる非経口投与剤形、錠剤、カプセル剤、顆粒剤、丸剤、シロップ剤、液剤、乳剤、懸濁液剤等による経口投与剤形を挙げることができる。

40

経口投与用の錠剤、カプセル剤、顆粒剤、丸剤の調製には、例えば白糖、乳糖、ブドウ糖、澱粉、マンニットなどの賦形剤、例えばシロップ、アラビアゴム、ゼラチン、ソルビット、トラガント、メチルセルロース、ポリビニルピロリドンなどの結合剤、例えば澱粉、カルボキシメチルセルロース又はそのカルシウム塩、微結晶セルロース、ポリエチレングリコールなどの崩壊剤、例えばタルク、ステアリン酸マグネシウム又はカルシウム、シリ

50

かなどの潤沢剤、例えばラウリル酸ナトリウム、グリセロールなどの潤滑剤、等が使用される。

注射剤、液剤、乳剤、懸濁剤、シロップ剤及びエアゾール剤の調製には、例えば水、エチルアルコール、イソプロピルアルコール、プロピレングリコール、1,3-ブチレングリコール、ポリエチレングリコールなどの活性成分の溶剤、例えばソルビタン脂肪酸エステル、ポリオキシエチレンソルビタン脂肪酸エステル、ポリオキシエチレン脂肪酸エステル、水素添加ヒマシ油のポリオキシエチレンエーテル、レシチンなどの界面活性剤、例えばカルボキシメチルセルロースナトリウム塩、メチルセルロース等のセルロース誘導體、トラガント、アラビアゴム等の天然ゴム類などの懸濁剤、例えばパラオキシ安息香酸のエステル、塩化ベンザルコニウム、ソルビン酸塩などの保存剤、等が使用される。

10

経皮吸収型製剤である軟膏の調製には、例えば白色ワセリン、流動パラフィン、高級アルコール、マクロゴール、水性ゲル基剤等が用いられる。座剤の調製には、例えばポリエチレングリコール、ラノリン、ココナット油等が使用される。

本発明の抗微生物活性を有する蛋白質を含有する上記の医薬組成物は、全組成物の重量に対して、本蛋白質を約0.1~99.5%、好ましくは約0.5~95%を含有する。本蛋白質又は本蛋白質を含有する組成物に加えて、他の薬学的に活性な化合物を含ませることができ、本発明の蛋白質の複数を含ませてもよい。

本蛋白質の臨床的投与量は、年齢、体重、患者の感受性、症状の程度等により異なるが、通常効果的な投与量は、成人一日0.003~1.5g好ましくは0.01~0.6g程度である。しかし、必要により上記の範囲外の量を用いることもできる。

20

本発明の工業用抗菌・抗カビ剤を調製する場合には、有効成分である本蛋白質は液剤、水和剤、乳剤、ゾル剤及びその他の適当な製剤が調製できる限りにおいて濃度に上限はないが、これら製剤の重量に対し、1-90質量%、好ましくは3-40質量%の割合で配合される。

使用できる担体としては、工業用抗菌・抗カビ剤に常用されるものであれば固体又は液体のいずれも使用でき、特定のものに限定されるものではない。固体担体の例としては、鉱物質粉末、例えばカオリン、ベントナイト、クレー、モンモリロナイト等が挙げられる。液体担体の例としては、水、アルコール類、例えばメチルアルコール、エチルアルコール、ニトリル類、例えばアセトニトリル、プロピオニトリル等が挙げられる。

また、これらの他に、ポリビニルアルコール(PVA)、カルボキシメチルセルロース(CMC)、アラビアゴム、ザンサンガム、ヒドロキシプロピルセルロース等の増粘剤及び各種補助剤を配合することができる。さらに必要に応じて紫外線吸収剤等のような安定化剤を適量加えることができる。

30

以下の実施例により本発明をさらに具体的に説明するが、本発明は実施例によって限定されることはない。

実施例

実施例1：抗微生物活性を有する蛋白質の精製

1) タイワンカブトムシ幼虫からの体液採取

タイワンカブトムシの3齢幼虫に大腸菌(JM109、 10^6 cell/頭)を接種し、抗微生物活性を有する蛋白質の発現を誘導した後、15時間後にプロテアーゼインヒビターを溶解した生理食塩水に体液を採取した。得られた体液を100で10分間熱処理し、遠心分離により不溶物を除き、熱処理体液とした。

40

2) カラムクロマトグラフィーによる抗微生物蛋白質の精製

後述する抗糸状菌活性評価法を用いて、抗微生物蛋白質の単離を行った。

熱処理体液を0.05%トリフルオロ酢酸(TFA)で平衡化したSep-pak Vac C18(Waters)に透過し、抗微生物蛋白質を吸着させた。Sep-pakカラムを0.05%TFAで洗浄した後、20、40、60%アセトニトリル(0.05%TFA)で抗微生物蛋白質を溶出した。各溶出画分を遠心エバポレーターで濃縮しアセトニトリルを除去した後、抗糸状菌活性評価を行った。最も強い活性を示した40%溶出画分について、AKTA(Pharmacia)に接続したResource RPC 1

50

mlカラム (Pharmacia) に透過させた後、20 - 40% アセトニトリル (0.05% TFA) のグラジエント、1 ml/min の流速で抗微生物蛋白質の溶出を行った。この条件下で26 ~ 32% で溶出される活性画分について回収を行い、遠心エバポレーターで濃縮を行った。この得られた活性画分を、Waters HPLC (600E System controller、486 Tunable Absorbance Detector、626 Pump) に接続した Senshupak VP-318 4.6 x 250 mm (Senshu) に透過し、20 - 26% アセトニトリル (0.05% TFA) のグラジエント、1 ml/min の流速で抗微生物蛋白質の溶出を行った。220 nm の吸収でモニターリングしながらピークごとに分取を行い、各ピークについて抗系状菌活性評価を行った。22 - 23% アセトニトリルで溶出される活性ピークについて、さらに Waters HPLC に接続した Senshupak VP-318 4.6 x 250 mm (Senshu) に透過し、30 - 40% アセトニトリル [0.05% heptafluorobuthanoic acid (HFBA)] のグラジエント、1 ml/min の流速で抗微生物蛋白質の溶出を行った。220 nm の吸収でモニターリングしながらピークごとに分取を行い、各ピークについて抗系状菌活性評価を行った。24 - 27% アセトニトリルで溶出される活性ピークについて、SMART (Pharmacia) に接続した Sephasil C8 SC 2.1/10 カラム (Pharmacia) に透過し、20 - 26% アセトニトリル (0.05% TFA) のグラジエント、0.1 ml/min の流速で溶出した。220 nm の吸収でモニターリングしながらピークごとに分取を行い、各ピークについて抗系状菌活性評価を行った (第1図)。活性の確認されたピークについて、Matrix-assisted Laser Desorption Ionization Time-of-flight Mass Spectrometry (MALDI-TOF MS、Voyager Biospectrometry Workstation、Perseptive Biosystems) での分析を行った。得られた画分は分子量 4080 Da の成分をメイン (第1成分) として含み、分子量 4266 Da (第2成分) も含んでいた (第2図)。これらの成分については種々のカラムを用いて精製を試みたが、分離することは困難であった。

3) 抗系状菌活性評価系

イネ紋枯病菌をポテトデキストロース (PD) 培地 (Difco) を用いて、25、5 日間培養した後、ホモジナイザーで菌糸を細断した。得られた菌糸細断溶液より菌糸塊を除いた後、遠心分離で菌糸を回収し、PD 培地を用いて菌糸 10^5 個/ml に調整した。菌糸溶液 250 μ l に溶解させた PDA 培地を添加し 5 ml にした後、シャーレ (直径 8.4 cm) に広げた。培地が固まった後、活性評価用試料 1 μ l をスポットし、24 時間、25 で培養した後、スポットした地点の周りにできた阻止円の大きさを計測した。

実施例 2 : 抗微生物ペプチドの cDNA の単離

1) 抗微生物蛋白質のアミノ酸分析

実施例 1 の 2) の第 1、第 2 の両成分を含む活性画分についてプロテインシーケンサー (492cLC Protein Sequenser、PE Applied Biosystems) を用いたエドマン分解法により N 末端のアミノ酸配列の解析を行った。その結果、第 1 成分の N 末端配列は E L P K L P D D K V L I R S R S N X P K であり、第 2 成分は D A E L P K L P D D であった。分子量の違いおよび N 末端の 10 残基目までのアミノ酸配列より、第 2 成分は第 1 成分の N 末端に 2 残基アミノ酸がついた蛋白質であることが推測された。

さらにアミノ酸配列を解析するため、エンドプロテアーゼ Arg-C (ベーリンガー・マンハイム) を用いて抗微生物蛋白質を部分消化し、アミノ酸配列の解析を行った。その結果、21 残基目以降は G K V W D G F であり、N 末端より 27 残基目までのアミノ酸配列を決定することができた。

2) 3' - RACE 用ディジェネレートプライマーの設計

上記で決定されたアミノ酸配列を基に、考えられる全ての塩基がミックスされたプライマーを 3 つ合成した (T_m は 50 ~ 55)。P4080-1 (5-aarytnccng

a y g a y a a r g t - 3 ') (配列番号 1 2)、P 4 0 8 0 - 2 (5 ' - c c n g a y g a y a a r g t n y t n a t - 3 ') (配列番号 1 3)、P 4 0 8 0 - 3 (5 ' - g a y g c n g a r y t n c c n a a - 3 ') (配列番号 1 4)、(ただし、r は a または g、y は c または t、n は a または t または c または d、をそれぞれ示す)。

3) タイワンカブトムシ幼虫脂肪体からの cDNA の合成

大腸菌接種 6 時間後のタイワンカブトムシ 3 齢幼虫の脂肪体より mRNA を ISOGEN (ニッポンジーン) を用いて抽出し、このうち 3 μg を First-strand cDNA synthesis kit (Amashamphalmasia) に供試し cDNA の合成を行った。すべての手順はキット添付の説明書に従った。

4) 3' - RACE

上記で合成したプライマーおよびキット添付の NotI-dt プライマーを用いて 2) で合成した cDNA を鋳型に PCR を行い、抗微生物蛋白質の 3' 領域のスクリーニングを行った。増幅した断片について、ゲル精製を行った後、TA Cloning kit (Invitrogen) を用いてクローニングを行った。増幅断片の DNA 配列を DNA シーケンサー (377 DNA Sequencer、PE Applied Biosystems) により決定した。DNA 配列より推測されるアミノ酸配列が、プロテインシーケンサーより得られた配列と一致する増幅断片を得、抗微生物蛋白質の 3' 領域の DNA 配列を決定した。

5) 5' - RACE 用ディジェネレートプライマーの設計

3' - RACE で決定した DNA 配列を基に 5' - RACE 用のプライマー 3 つを合成した (T_m は 50 ~ 65)。P 4 0 8 0 - 4 (5 ' - c g a t a t a c a a g c a t c a a t g c - 3 ') (配列番号 1 5)、P 4 0 8 0 - 5 (5 ' - g c g a a c g g t g a t t t a c a g t c a a a t c c a t t c - 3 ') (配列番号 1 6) および P 4 0 8 0 - 6 (5 ' - g c c t t t t g g a c a g t t a c t c c t a c t t c t a a t - 3 ') (配列番号 1 7)。

6) 5' - RACE

上記の脂肪体より回収した mRNA について、上記合成のプライマーを用いて 5' RACE System for Rapid Amplification of cDNA End Reagent Assembly (GIBCO BRL) を用いて 5' 領域の cDNA を合成した。

2 つのプライマーとキット添付の Universal Amplification Primer を用いて、上記で合成した 5' 領域の cDNA のスクリーニングを行った。増幅した断片についてクローニングを行い、DNA 配列の決定を行った。DNA 配列より推測されるアミノ酸配列が、プロテインシーケンサーより得られた配列と一致する増幅断片を得、抗微生物蛋白質の 5' 領域の DNA 配列を決定した。

7) 完全長 cDNA の取得

5' RACE より得られた上流配列を基にプライマーを合成し (P 4 0 8 0 - 7、5' - a a g g g a c g a t c a a a a t g a a a - 3') (配列番号 1 8)、NotI-dt プライマーとともに上記で合成した cDNA のスクリーニングを行った。増幅した断片についてクローニングを行い、DNA 配列の決定を行った。3'、5' - RACE で得られた DNA 配列と完全に一致する完全長 cDNA を得た。その結果、本発明のタイワンカブトムシ幼虫体液由来の抗微生物蛋白質をコードする cDNA は全長 201 塩基からなり、66 個のアミノ酸をコードしていた。また、アミノ酸配列と DNA 配列についてデータベース (SWISS PROT) の相溶性検索 (BLAST) を行うと、高い相溶性のある配列は存在していないことから、本蛋白質は新規な蛋白質であると考えられた。

なお、上記した 4080 Da の配列中で唯一決定されなかった第 18 番目のアミノ酸は、その部分に相当する cDNA 配列からシステイン (Cys) であることが明らかとなった。エドマン分解では、システインは解析できないためアミノ酸シーケンシングの際に検出不能であったと思われる。

また、完全長 cDNA より推定される蛋白質と、タイワンカブトムシ幼虫体液より得られ

10

20

30

40

50

た蛋白質の分子量に258Daの差があることより、天然蛋白質のC末端の解析をSeq u a z y m e C - p e p t i d e S e q u e n c e k i t (P e r s e p t i v e B i o s y s t e m s) およびMALDI-TOF MSを用いて行った。その結果、タイワンカブトムシ幼虫体液より精製によって得られた抗微生物蛋白質は、C末端よりセリン(Ser)、フェニルアラニン(Phe)、アラニン(Ala)であると推定され、cDNAより予想される成熟蛋白質のC末端のリジン(Lys)の2残基が切れていることがわかった。

実施例3：合成蛋白質の活性評価

1) 蛋白質の合成

cDNAより推定されるアミノ酸配列を基に成熟蛋白質と思われる4種類の蛋白質(SP 4080、SP4266、SP4337、SP4523)の合成を蛋白質自動合成機(9050 Plus Pepsynthesizer、Perseptive Biosystems)を用いて、F-mok法で行った。

2) ジスルフィド結合の形成

合成によって得られた蛋白質約30mgを、90mlの10mM Tris-HCl(pH8.0)に溶解した後、5mMの2,2'-bipyridyl disulfide 5mlを添加し、室温で10分間攪拌してジスルフィド結合を形成させた。

3) 合成蛋白質の精製

ジスルフィド結合を形成させた溶液を、AKTAに接続したμBondasphere 20x150mm(Waters)カラムに透過し、25-32%アセトニトリル(0.05%TFA)グラジエント、流速12ml/minで溶出を行った。220nmの吸収でモニターリングしながらピークごとに分取を行い、各ピークについてMALDI-TOF MS分析を行った。目的の分子量を示すピークを含む画分について、遠心エバポレーターでアセトニトリルを除いた後、AKTAに接続したμBondasphere 20x150mm(Waters)カラムに透過し、35-40%アセトニトリル(0.05%HFBA)グラジエント、流速12ml/minで溶出を行った。220nmの吸収でモニターリングしながらピークごとに分取を行い、各ピークについてMALDI-TOF MS分析を行い目的の分子量を示すピークを回収した。得られた画分をAgilent 1100 Series(Hewlett Packard)に接続したPEGASIL ODS 4.6x250mmカラム(Senshu)、20-30%アセトニトリルグラジエントで分析し、90%以上の純度を示すことを確認した。また得られた合成蛋白質について、プロテインシーケンサーでアミノ酸配列を確認し、cDNAより推測される蛋白質と同じことを確認した。

4) 合成蛋白質の抗微生物活性評価

上記の抗イネ紋枯病菌活性評価方法を用いて、4種類の合成蛋白質の活性評価を行った。その結果、いずれの蛋白質もほぼ同様の活性を示した(表1)。

表1 合成ペプチドの抗イネ紋枯病菌活性

	阻止円			
	SP4080	SP4266	SP4337	SP4523
イネ紋枯病菌	◎	◎	◎	◎

◎ ; 4mm以上の阻止円 ○ ; 4mmより小さい阻止円 × ; 活性無し

また、抗微生物蛋白質の活性スペクトラムを調べるため、イネいもち病菌、コムギ葉枯病菌、シバブラウンパッチ病菌、トマト疫病菌、黄色ブドウ球菌、大腸菌等の菌株を用いて活性評価を行った。

イネいもち病菌、ムギ葉枯病菌、シバブラウンパッチ病菌についてはイネ紋枯病菌と同様の方法で抗糸状菌活性評価を行った。トマト疫病菌は培地にV8ジュース培地を使用し、

10

20

30

40

50

20 で培養を行った。黄色ブドウ球菌、大腸菌は培地に Nutrient broth (NB) 培地 (Difco) を用いて 37 で 12 時間培養し、 $A_{595} = 0.01$ になるように調整後、菌溶液 500 μ l に溶解させた NBA 培地を全量が 5 ml になるように添加し、シャーレ (直径 8.4 cm) に広げ、活性評価用プレートとした。各菌株について抗微生物蛋白質 50 μ g をスポットして、その周りにできた生育阻止円を計測した (表 2)。

表 2 SP4080の抗菌活性

菌株	阻止円
イネいもち病菌	○
シバブラウンパッチ病菌	◎
コムギ葉枯病菌	○
トマト疫病菌	○
黄色ブドウ球菌	◎
大腸菌	◎

10

◎; 4mm以上の阻止円 ○; 4mmより小さい阻止円 ×; 活性無し

本抗微生物蛋白質はイネ紋枯病菌、シバブラウンパッチ病菌、黄色ブドウ球、大腸菌に対して 4 mm 以上の生育阻止円を形成する強い活性を示し、イネいもち病菌、コムギ葉枯病菌、トマト疫病菌に対しても活性を示した。

以上のことより、本発明のタイワンカブトムシ幼虫体液由来の抗微生物蛋白質は、種々の植物病原糸状菌および病原細菌に対して抗微生物活性を持つことが示された。

30

発明の効果

本発明の蛋白質を有効成分として含む製剤を作出すれば、強力かつスペクトラムの広い農園芸用殺菌剤または医薬用抗菌剤としての利用が期待できる。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

- <110> Nissan Chemical Industries, Ltd.
National Institute of Agrobiological Sciences
- <120> Antimicrobial Protein, A Gene Encoding therefor and Methods of Use thereof
- <130> NIS-31-PCT
- <150> JP 2001317255
- <151> 2001-10-15 10
- <160> 18
- <170> PatentIn Ver. 2.1
- <210> 1
- <211> 201
- <212> DNA
- <213> *Oryctes rhinoceros* 20
- <400> 1
- ```

atgaaaacgt taacgtttta tactctatta ctatgtgctg ctctttatag taatttcttc 60
gattgtaaag ccggtgcgga tgcggaattg ccgaaattac cagatgacaa agttttgatt 120
agaagtagga gtaactgtcc aaaaggcaaa gtatggaatg gatttgactg taaatcaccg 180
ttcgcattta gcaaaaagtg a 201

```
- <210> 2
- <211> 108 30
- <212> DNA
- <213> *Oryctes rhinoceros*
- <400> 2
- ```

gaattgccga aattaccaga tgacaaagtt ttgattagaa gtaggagtaa ctgtccaaaa 60
ggcaaagtat ggaatggatt tgactgtaaa tcaccgttog catttagc 108

```
- <210> 3 40
- <211> 114
- <212> DNA
- <213> *Oryctes rhinoceros*

<400> 3

gatgcggaat tgccgaaatt accagatgac aaagttttga ttagaagtag gagtaactgt 60
 ccaaaaaggca aagtatggaa tggatttgac tgtaaatacac cgttcgcatt tagc 114

<210> 4

<211> 114

<212> DNA

<213> *Oryctes rhinoceros*

10

<400> 4

gaattgccga aattaccaga tgacaaagtt ttgattagaa gtaggagtaa ctgtccaaaa 60
 ggcaaagtat ggaatggatt tgactgtaaa tcaccgttog catttagcaa aaag 114

<210> 5

<211> 120

<212> DNA

<213> *Oryctes rhinoceros*

20

<400> 5

gatgcggaat tgccgaaatt accagatgac aaagttttga ttagaagtag gagtaactgt 60
 ccaaaaaggca aagtatggaa tggatttgac tgtaaatacac cgttcgcatt tagcaaaaag 120

<210> 6

<211> 66

<212> PRT

<213> *Oryctes rhinoceros*

30

<400> 6

Met Lys Thr Leu Thr Phe Tyr Thr Leu Leu Leu Cys Ala Ala Leu Tyr
 1 5 10 15
 Ser Asn Phe Phe Asp Cys Lys Ala Val Ala Asp Ala Glu Leu Pro Lys
 20 25 30
 Leu Pro Asp Asp Lys Val Leu Ile Arg Ser Arg Ser Asn Cys Pro Lys
 35 40 45
 Gly Lys Val Trp Asn Gly Phe Asp Cys Lys Ser Pro Phe Ala Phe Ser

40

50
Lys Lys
65

55

60

<210> 7
<211> 36
<212> PRT
<213> *Oryctes rhinoceros*

10

<400> 7
Glu Leu Pro Lys Leu Pro Asp Asp Lys Val Leu Ile Arg Ser Arg Ser
1 5 10 15
Asn Cys Pro Lys Gly Lys Val Trp Asn Gly Phe Asp Cys Lys Ser Pro
20 25 30
Phe Ala Phe Ser
35

20

<210> 8
<211> 38
<212> PRT
<213> *Oryctes rhinoceros*

<400> 8
Asp Ala Glu Leu Pro Lys Leu Pro Asp Asp Lys Val Leu Ile Arg Ser
1 5 10 15
Arg Ser Asn Cys Pro Lys Gly Lys Val Trp Asn Gly Phe Asp Cys Lys
20 25 30
Ser Pro Phe Ala Phe Ser
35

30

<210> 9
<211> 38
<212> PRT
<213> *Oryctes rhinoceros*

40

<400> 9

Glu Leu Pro Lys Leu Pro Asp Asp Lys Val Leu Ile Arg Ser Arg Ser
 1 5 10 15
 Asn Cys Pro Lys Gly Lys Val Trp Asn Gly Phe Asp Cys Lys Ser Pro
 20 25 30
 Phe Ala Phe Ser Lys Lys
 35

<210> 10

<211> 40

<212> PRT

<213> Oryctes rhinoceros

10

<400> 10

Asp Ala Glu Leu Pro Lys Leu Pro Asp Asp Lys Val Leu Ile Arg Ser
 1 5 10 15
 Arg Ser Asn Cys Pro Lys Gly Lys Val Trp Asn Gly Phe Asp Cys Lys
 20 25 30
 Ser Pro Phe Ala Phe Ser Lys Lys
 35 40

20

<210> 11

<211> 310

<212> DNA

<213> Oryctes rhinoceros

30

<400> 11

aagggacgat caaaatgaaa acgttaacgt tttatactct attactatgt gctgctcttt 60
 atagtaatth cttcgattgt aaagccgttg cggatgcgga attgccgaaa ttaccagatg 120
 acaaagtttt gattagaagt aggagtaact gtccaaaagg caaagtatgg aatggatttg 180
 actgtaaadc accgttcgca tttagcaaaa agtgaagaat ttttagcatt gatgcttgta 240
 tatkgtatat gtagtacgta tataggacga agctaataaa tattatgtaa tttctaaaaa 300
 aaaaaaaaaa 310

40

<210> 12

<211> 20

<212> DNA

<213> Synhtetic DNA		
<400> 12		
aarytnccng aygayaargt	20	
<210> 13		
<211> 20		
<212> DNA		10
<213> Synthetic DNA		
<400> 13		
ccngaygaya argtnytnat	20	
<210> 14		
<211> 17		
<212> DNA		20
<213> Synthetic DNA		
<400> 14		
gaygengary tncnaa	17	
<210> 15		
<211> 20		
<212> DNA		30
<213> Synthetic DNA		
<400> 15		
cgatatacaa gcatcaatgc	20	
<210> 16		
<211> 30		
<212> DNA		40
<213> Synthetic DNA		
<400> 16		
gcgaacggtg atttacagtc aaatccattc	30	

<210> 17
 <211> 30
 <212> DNA
 <213> Synthetic DNA

<400> 17
 gccttttgga cagttactcc tacttctaataat 30

10

<210> 18
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Synthetic DNA

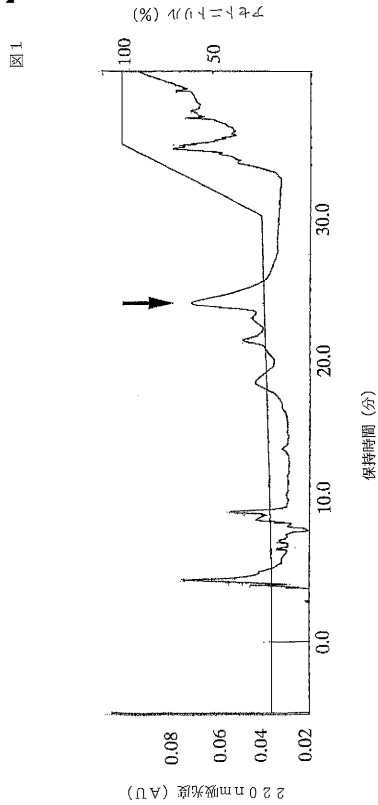
<400> 18
 aagggacgat caaaatgaaa 20

20

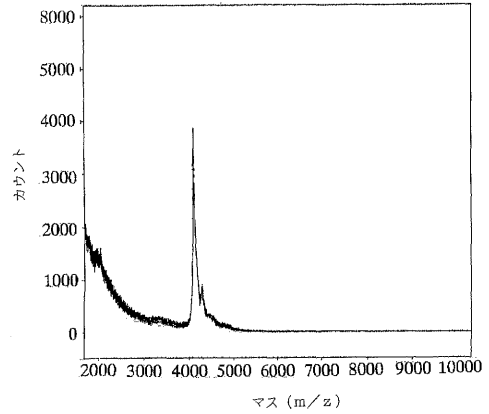
【 図面の簡単な説明 】

図 1 は、タイワンカブトムシ幼虫体液からの抗微生物蛋白質の最終精製のチャートを表す。
 図 2 は、タイワンカブトムシ幼虫体液から精製した抗微生物蛋白質のMALDI-TOF MS分析を表す。

【 図 1 】



【 図 2 】



【 国際調査報告 】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No. PCT/JP02/10651
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER Int.Cl. ⁷ C07K14/435, C12N15/12, C12N5/10, C12N15/63, C12P21/02, A01H5/00, A61K38/17, A61P31/04, A01N17/34 According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) Int.Cl. ⁷ C07K14/435, C12N15/12, C12N5/10, C12N15/63, C12P21/02, A01H5/00, A61K38/17, A61P31/04, A01N17/34 Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) SwissProt/PIR/GeneSeq, Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI (DIALOG), BIOSIS(DIALOG)		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Jun YANO et al., Isolation, cDNA cloning and gene expression of an antibacterial protein form larvae of the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> . Eur. J. Biochem. 1998, Vol.255, No.3, pages 734 to 738	1-10
A	Seiichi FURUKAWA et al., Partial nucleotide sequence of a cDNA encoding 18S ribosomal RNA from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> Linnaeus. Appl. Entomol. Zool. 1998, Vol.33, No.1, pages 175 to 178	1-10
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search 25 December, 2002 (25.12.02)		Date of mailing of the international search report 14 January, 2003 (14.01.03)
Name and mailing address of the ISA/ Japanese Patent Office		Authorized officer
Facsimile No.		Telephone No.

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (July 1998)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP02/10651

C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Jun ISHIBASHI et al., Purification, cDNA cloning and modification of a defensin from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> . Eur. J. Biochem. 1999, Vol.266, No.2, pages 616 to 623	1-10

国際調査報告		国際出願番号 PCT/JP02/10651										
<p>A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC)) Int.Cl¹ C07K14/435, C12N15/12, C12N5/10, C12N15/63, C12P21/02, A01H5/00, A61K38/17, A61P31/04, A01N47/34</p>												
<p>B. 調査を行った分野 調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC)) Int.Cl¹ C07K14/435, C12N15/12, C12N5/10, C12N15/63, C12P21/02, A01H5/00, A61K38/17, A61P31/04, A01N47/34</p>												
<p>最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの</p>												
<p>国際調査で使用了電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語) SwissProt/PIR/GeneSeq, Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, WPI (DIALOG), BIOSIS (DIALOG)</p>												
<p>C. 関連すると認められる文献</p> <table border="1"> <thead> <tr> <th>引用文献の カテゴリー*</th> <th>引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示</th> <th>関連する 請求の範囲の番号</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>A</td> <td>Jun YANO et al. Isolation, cDNA cloning and gene expression of an antibacterial protein from larvae of the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i>. Eur. J. Biochem. 1998, Vol. 255, No. 3, p. 734-738</td> <td>1-10</td> </tr> <tr> <td>A</td> <td>Seiichi FURUKAWA et al. Partial nucleotide sequence of a cDNA encoding 18S ribosomal RNA from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> Linnaeus. Appl. Entomol. Zool. 1998, Vol. 33, No. 1, p. 175-178</td> <td>1-10</td> </tr> </tbody> </table>				引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号	A	Jun YANO et al. Isolation, cDNA cloning and gene expression of an antibacterial protein from larvae of the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> . Eur. J. Biochem. 1998, Vol. 255, No. 3, p. 734-738	1-10	A	Seiichi FURUKAWA et al. Partial nucleotide sequence of a cDNA encoding 18S ribosomal RNA from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> Linnaeus. Appl. Entomol. Zool. 1998, Vol. 33, No. 1, p. 175-178	1-10
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号										
A	Jun YANO et al. Isolation, cDNA cloning and gene expression of an antibacterial protein from larvae of the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> . Eur. J. Biochem. 1998, Vol. 255, No. 3, p. 734-738	1-10										
A	Seiichi FURUKAWA et al. Partial nucleotide sequence of a cDNA encoding 18S ribosomal RNA from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> Linnaeus. Appl. Entomol. Zool. 1998, Vol. 33, No. 1, p. 175-178	1-10										
<p><input checked="" type="checkbox"/> C欄の続きにも文献が列挙されている。 <input type="checkbox"/> パテントファミリーに関する別紙を参照。</p>												
<p>* 引用文献のカテゴリー 「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す) 「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献 「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願日の後に公表された文献 「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの 「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの 「&」 同一パテントファミリー文献</p>												
国際調査を完了した日		国際調査報告の発送日										
25.12.02		14.01.03										
国際調査機関の名称及び先 日本国特許庁 (ISA/JP) 郵便番号 100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号		特許庁審査官 (権限のある職員) 本間 夏子 (印) 4N 9637 電話番号 03-3581-1101 内線 3488										

国際調査報告		国際出願番号 PCT/JP02/10651
C (続き) 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
A	Jun ISHIBASHI et al. Purification, cDNA cloning and modification of a defensin from the coconut rhinoceros beetle, <i>Oryctes rhinoceros</i> . Eur. J. Biochem. 1999, Vol. 266, No. 2, p. 616-623	1-10

フロントページの続き

(51) Int. Cl. ⁷		F I		
C 0 7 K	14/435	C 1 2 N	1/15	
C 1 2 N	1/15	C 1 2 N	1/19	
C 1 2 N	1/19	C 1 2 N	1/21	
C 1 2 N	1/21	C 1 2 P	21/02	C
C 1 2 N	5/10	C 1 2 N	5/00	A
C 1 2 P	21/02	A 6 1 K	37/02	

(74)代理人 100124855

弁理士 坪倉 道明

(72)発明者 富江 哲也

埼玉県南埼玉郡白岡町大字白岡 1 4 7 0 日産化学工業株式会社 生物科学研究所内

(72)発明者 田川 道人

埼玉県南埼玉郡白岡町大字白岡 1 4 7 0 日産化学工業株式会社 生物科学研究所内

(72)発明者 山川 稔

茨城県牛久市ひたち野東 7 3 - 1 2

(72)発明者 石橋 純

茨城県つくば市松代 5 - 1 6 公務員住宅 5 2 2 棟 4 0 5 号室

(注) この公表は、国際事務局 (W I P O) により国際公開された公報を基に作成したものである。なおこの公表に係る日本語特許出願 (日本語実用新案登録出願) の国際公開の効果は、特許法第 1 8 4 条の 1 0 第 1 項 (実用新案法第 4 8 条の 1 3 第 2 項) により生ずるものであり、本掲載とは関係ありません。