

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11) 特許出願公開番号

特開2007-209350

(P2007-209350A)

(43) 公開日 平成19年8月23日(2007.8.23)

(51) Int. Cl.		F I		テーマコード (参考)
C 1 2 N 15/09	(2006.01)	C 1 2 N 15/00	Z N A A	4 B O 2 4
C O 7 K 14/47	(2006.01)	C O 7 K 14/47		4 H O 4 5
C O 7 K 16/18	(2006.01)	C O 7 K 16/18		

審査請求 有 請求項の数 8 O L (全 25 頁)

(21) 出願番号	特願2007-126587 (P2007-126587)	(71) 出願人	503360115
(22) 出願日	平成19年5月11日 (2007.5.11)		独立行政法人科学技術振興機構
(62) 分割の表示	特願平11-265963の分割		埼玉県川口市本町4丁目1番8号
原出願日	平成11年9月20日 (1999.9.20)	(74) 代理人	100102668
(31) 優先権主張番号	特願平10-265126		弁理士 佐伯 憲生
(32) 優先日	平成10年9月18日 (1998.9.18)	(74) 代理人	100113332
(33) 優先権主張国	日本国 (JP)		弁理士 一入 章夫
		(72) 発明者	遠藤 仁
			神奈川県相模原市由野台1-23-7
		(72) 発明者	関根 孝司
			東京都立川市栄町1-10-47
		(72) 発明者	楠原 洋之
			東京都文京区千駄木5-49-17-102

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 脳型有機アニオントランスポーターとその遺伝子

(57) 【要約】

【課題】 本発明は、脳における有機アニオン性物質の取り込み排出の制御をする蛋白質として有用な脳型有機アニオントランスポーターOAT3、それをコードする塩基配列を有する核酸、及び、それに対する抗体を提供する。

【解決手段】 本発明は、脳型有機アニオントランスポーターOAT3、それをコードする塩基配列、及び、それに対する抗体に関する。本発明の脳型有機アニオントランスポーターOAT3のアミノ酸配列及び塩基配列は、明細書中の配列表に示されている。

【選択図】 なし

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

脳型有機アニオントランスポーター O A T 3。

【請求項 2】

配列表の配列番号 2 又は 4 に示されるアミノ酸配列、又は、その一部のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する請求項 1 に記載の脳型有機アニオントランスポーター O A T 3。

【請求項 3】

配列表の配列番号 2 又は 4 に示されるアミノ酸配列、又は、その一部のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列からなるタンパク質をコードする核酸。

10

【請求項 4】

核酸が、配列表の配列番号 1 又は 3 で示される塩基配列を有する D N A である請求項 3 に記載の核酸。

【請求項 5】

配列表の配列番号 1 又は 3 で示される塩基配列を有する D N A の連続する少なくとも 1 4 塩基又はその相補鎖からなる核酸。

【請求項 6】

塩基の数が 2 0 以上である請求項 5 に記載の核酸。

【請求項 7】

請求項 1 又は 2 に記載の脳型有機アニオントランスポーター O A T 3 を認識し得る抗体。

20

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0001】

本発明は有機陰イオン（有機アニオン）輸送に関与する遺伝子と、その遺伝子がコードするポリペプチドに関する。

【背景技術】

【0002】

肝臓および腎臓は、生体異物や薬物の代謝および体外排出に関して重要な役割を果たしている。尿細管細胞および肝細胞は極性を有する上皮細胞でありアニオン性の物質の一部は、輸送担体（トランスポーター）により側底膜を介して腎臓および肝臓中に取り込まれ、また細胞内で代謝により産生された有機アニオンもトランスポーターにより排出されることが推測される。

30

尿細管細胞や肝細胞の側底膜を介した有機アニオンの取り込みについては、これまで摘出臓器灌流法や単離細胞膜小胞系などを用いた実験系により研究されてきた。

【0003】

しかし従来手法では、側底膜を介した有機アニオン輸送について詳細に解析することは困難であり、トランスポーターそのものを単離して詳細に解析することが望まれてきた。

一方、脳においても有機アニオン輸送がおこなわれていることも複数の実験結果から推測されている。脳における有機アニオン輸送は、主に内因性および外来性の有機アニオンの脳外への排泄に働いているものと考えられる。

40

脳における有機アニオン輸送は、内因性アニオンおよび外来性異物の脳からの排除という重要な役割を担っていると予想されているにも関わらず、生理的実験が困難なことから、腎臓や肝臓以上にその輸送の詳細は不明である。

【0004】

これらの背景をふまえ、有機アニオントランスポーターの分子実体の探索が 1 9 9 0 年代に入り積極的に行われた。この結果、肝臓の側底膜の有機アニオントランスポーターが昨年までに二つ単離された。（Hagenbuch, B.ら Proc Natl Acad Sci USA 88巻、10629-33 頁、1991年、Jacquemin, E.ら、Proc Natl Acad Sci USA、91巻、133-7頁、1994年）。

50

昨年、本発明者らは独自に、腎臓での有機アニオン輸送において最も重要な役割を果たしている有機アニオントランスポーターOAT1の単離に成功し (Sekine, T.ら、J Biol Chem 272巻, 18526-9頁、1997)、既に特許出願済みである。OAT1は化学構造の異なる多くの有機アニオンを輸送することの出来るトランスポーターであり、種々のアニオン性薬物の輸送も行っている。

【0005】

OAT1の発現は腎特異的で、腎以外では脳に極めてわずかな発現をみるのみである。

最近本発明者らはさらに、OAT1とアミノ酸レベルで40%台の弱い相同性を持つ肝特異的有機アニオントランスポーター(OAT2)を同定した (FEBS letter 429巻、179-182頁、1998年) (特願平10-169174号)。

10

OAT1およびOAT2の単離、同定は有機アニオントランスポーターがファミリーを形成することを示している。さらにOAT2が肝特異的に発現していることから、このファミリーが腎特異的ではなく、種々の臓器にも発現していることも示唆する。

【0006】

既に述べたように脳には有機アニオン輸送系が存在するものと考えられるが、脳でのOAT1の発現は極めてわずかであり、又、OAT2は存在しない。本発明者らは、これらの事実から脳における有機アニオン輸送を担う未知のトランスポーターの存在を予想した。

他方、肝臓の側底膜における有機アニオン輸送は複雑であり、特に肝細胞内で多量に産生される抱合体(その多くは有機アニオン)の血中への流出経路は未だ不明である。この肝臓での有機アニオン輸送についても、OAT2を含む上記有機アニオントランスポーターのみでは説明しきれず、さらなる未知のトランスポーターの存在が予想される

20

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

【0007】

本発明の目的は、脳および肝臓における有機アニオン輸送に関与する新規な有機アニオントランスポーター遺伝子およびその遺伝子がコードするポリペプチドである有機アニオントランスポーターを同定し、提供することにある。その他の目的については以下の記載より明白である。

【課題を解決するための手段】

30

【0008】

本発明者らは、腎臓での有機アニオン輸送において最も重要な役割を果たしている有機アニオントランスポーターOAT1を単離した (Sekine, T.ら、J Biol Chem 272巻, 18526-9頁、1997)。さらにOAT1との構造上の類似性から、肝特異的な有機アニオントランスポーター(OAT2)を同定した (Sekine, T.ら、FEBS letter 429巻、179-182頁、1998年)。さらにOAT1およびOAT2が、有機カチオントランスポーターOCT1 (Grundemann, D.ら、Nature, 372巻, 549-52頁、1994)とも弱い相同性があることを既に報告している (Sekine, T.ら、J Biol Chem 272巻, 18526-9頁、1997)。

【0009】

これらの事実をふまえ、OAT1、OAT2、OCT1に共通する配列を同定し、さらにその配列からデジェネレートプライマー (degenerate primer) を作成した。このデジェネレートプライマー (degenerate primer) を用い、ラット脳mRNAからRT (reverse transcript) - PCR (polymerase chain reaction) 法によって、OAT1、OAT2、OCT1と弱い相同性を有する新規cDNA断片を同定した。このcDNA断片を用いて、ラットcDNAライブラリーよりこれまでに報告のないcDNAを同定し、この蛋白質をOATファミリーの第三のメンバーとして脳型有機アニオントランスポーターOAT3 (Organic Anion Transporter 3) と命名した。

40

【0010】

本発明は、有機アニオントランスポーターOAT3に関し、本発明の有機アニオントランスポーターOAT3は、異なる化学構造を持った有機アニオンに対してこれらを輸送す

50

る（取り込む能力を有する）、広い範囲の基質選択性を有するトランスポーターであるが、代表的な有機カチオンである T E A（テトラエチルアンモニウム）を輸送しなかった。したがって、本発明の有機アニオントランスポーター O A T 3 は、有機アニオンに対する広い範囲の基質選択性を有するが、代表的な有機カチオンである T E A（テトラエチルアンモニウム）に対する基質選択性は実質的に有さず、主として脳、肝臓などの器官に選択的に分布する有機アニオントランスポーターである。

本発明のタンパク質は、前記した有機アニオントランスポーター O A T 3 である配列番号 2（ヒト）又は 4（ラット）で示されたアミノ酸配列を有するもののほか、例えば、配列番号 2 又は 4 で示されたアミノ酸配列において 1 もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換もしくは付加されたアミノ酸配列を有するものが挙げられる。アミノ酸の欠失、置換もしくは付加は、有機アニオン輸送活性が失われない程度であればよく、通常 1 ~ 約 1 1 0 個、好ましくは 1 ~ 約 5 5 個である。このようなタンパク質は、配列番号 2 又は 4 で示されたアミノ酸配列と通常、6 0 ~ 8 0 %、好ましくは 7 0 ~ 9 0 % のアミノ酸配列のホモロジーを有する。

10

【0011】

また、本発明は、前記した有機アニオントランスポーター O A T 3 を含む本発明のタンパク質をコードする核酸、好ましくは D N A 又は R N A に関する。本発明の核酸は、本発明のタンパク質をコードするもののほか、さらに前記核酸にストリンジントな条件下でハイブリダイゼーションし得る核酸を包含する。

本発明において、ストリンジントな条件下でのハイブリダイゼーションとは、通常、ハイブリダイゼーションを、5 × S S C 又はこれと同等の塩濃度のハイブリダイゼーション溶液中、3 7 ~ 4 2 の温度条件下、約 1 2 時間行い、5 × S S C またはこれと同等の塩濃度の溶液等で予備洗浄を行った後に、1 × S S C 又はこれと同等の塩濃度で洗浄を行うことにより実施できる。また、より高いストリンジエンスを得るためには、洗浄を 0 . 1 × S S C 又はこれと同等の塩濃度の溶液中で洗浄を行うことにより実施できる。

20

さらに、本発明は、本発明のタンパク質をコードする核酸の部分配列又は当該配列にストリンジントな条件下でハイブリダイズし得るヌクレオチドに関する。

また、本発明は、本発明のタンパク質または、これと免疫学的同等性を有するポリペプチドに対する抗体に関する。

30

【0012】

本発明の有機アニオントランスポーター遺伝子は、適当な哺乳動物の腎臓、脳などの臓器の組織や細胞を遺伝子源として用いてスクリーニングを行うことにより単離取得できる。哺乳動物としては、イヌ、ウシ、ウマ、ヤギ、ヒツジ、サル、ブタ、ウサギ、ラット、マウスなどの非ヒト動物のほか、ヒトが挙げられる。

遺伝子のスクリーニングおよび単離は、ホモロジースクリーニングおよび P C R スクリーニングなどにより好適に実施できる。得られた c D N A は、常法により塩基配列を決定し、翻訳領域を解析して、これにコードされるタンパク質、即ち O A T 3 のアミノ酸配列を決定することができる。

得られた c D N A が有機アニオントランスポーター遺伝子の c D N A であること、即ち c D N A にコードされた遺伝子産物が有機アニオントランスポーターであることは、例えば次のようにして検証することができる。即ち、得られた O A T 3 遺伝子から調製した c R N A を卵母細胞に導入して発現させ、有機アニオンを細胞内に輸送する（取り込む）能力を、適当な有機アニオンを基質とする通常の実験（Sekine, T.ら、J Biol Chem 272巻、18526-9頁、1997）により、細胞内への基質取り込みを測定することにより確認できる。

40

また、発現細胞に同様の取り込み実験を応用して、O A T 3 の輸送特性や基質特異性などを調べることができる。

【0013】

配列表の配列番号 3 にこのような方法により得られたラットの有機アニオントランスポーター O A T 3 の c D N A の塩基配列を示し、配列番号 4 にそのアミノ酸配列を示す。

50

【0014】

得られたOAT3遺伝子のcDNAを用いて、異なる遺伝子源で作製された適当なcDNAライブラリー又はゲノミックDNAライブラリーをスクリーニングすることにより、異なる組織、異なる生物由来の相同遺伝子や染色体遺伝子等を単離することができる。

配列表の配列番号1にこのような方法により得られたヒトの有機アニオントランスポーターOAT3のcDNAの塩基配列を示し、配列番号2にそのアミノ酸配列を示す。

【0015】

また、開示された本発明の遺伝子の塩基配列(配列番号1又は3)に示された塩基配列、もしくはその一部の情報に基づいて設計された合成プライマーを用い、通常のPCR法によりcDNAライブラリーから遺伝子を単離することが出来る。

cDNAライブラリー及びゲノミックDNAライブラリー等のDNAライブラリーは例えば、「Molecular Cloning; Sambrook, J., Fritsh, E.F.およびManiatis, T.著、Cold Spring Harbor Laboratory Pressより1989年に発刊」に記載の方法により調製することができる。あるいは、市販のライブラリーがある場合にはこれを用いてもよい。

【0016】

本発明の有機アニオントランスポーター(OAT3)は、例えば、有機アニオントランスポーターをコードするcDNAを用い、遺伝子組み換え技術により生産することができる。例えば、有機アニオントランスポーターをコードするDNA(cDNA等)を適当な発現ベクターに組み込み、得られた組み換えDNAを適当な宿主細胞に導入することができる。ポリペプチドを生産するための発現系(宿主ベクター系)としては、例えば、細菌、酵母、昆虫細胞および哺乳動物細胞の発現系等が挙げられる。このうち、機能タンパクを得るためには、昆虫細胞および哺乳動物細胞を用いることが望ましい。

【0017】

例えば、ポリペプチドを哺乳動物で発現させる場合には、本発明の有機アニオントランスポーターをコードするDNAを、適当な発現ベクター(例えば、レトロウイルス系ベクター、パピローマウイルスベクター、ワクシニアウイルスベクター、SV40系ベクター等)中の適当なプロモーター(例えばSV40プロモーター、LTRプロモーター、エロンゲーション1プロモーター等)の下流に挿入して発現ベクターを構築する。次に、得られた発現ベクターで適当な動物細胞を形質転換して、形質転換体を適当な培地で培養することによって、目的とするポリペプチドが生産される。宿主とする哺乳動物細胞としては、サルCOS-7細胞、チャイニーズハムスターCHO細胞、ヒトHeLa細胞または腎臓組織由来の初代培養細胞やブタ腎由来LLC-PK1細胞、フクロネズミ腎由来OK細胞等の細胞株が挙げられる。

【0018】

有機アニオントランスポーターOAT3をコードするcDNAとしては、例えば、配列番号1又は3に示される塩基配列を有するcDNAを用いることが出来るほか、前記のcDNAに限定されることなく、アミノ酸配列に対応するDNAを設計し、ポリペプチドをコードするDNAを用いることもできる。この場合、一つのアミノ酸をコードするコドンは各々1~6種類知られており、用いるコドンの選択は任意でよいが、例えば発現に利用する宿主のコドン使用頻度を考慮して、より発現の高い配列を設計することができる。設計した塩基配列をもつDNAはDNAの化学合成、前記cDNAの断片化と結合、塩基配列の一部改変等によって取得できる。人為的な塩基配列の一部改変、変異導入は、所望の改変をコードする合成オリゴヌクレオチドからなるプライマーを利用して部位変異導入法(site specific mutagenesis)「Mark, D.F.ら、Proc Natl Acad Sci USA 第18巻、5662-5666頁、1984年」等により実施できる。

【0019】

本発明の有機アニオントランスポーター遺伝子にストリンジェントな条件下でハイブリダイズするヌクレオチド(オリゴヌクレオチドもしくはポリヌクレオチド)は、有機アニオントランスポーター遺伝子を検出するためのプローブとして使用できるほか、有機アニオントランスポーターの発現を変調させるために、例えば、アンチセンスオリゴヌクレオ

10

20

30

40

50

チド、リボザイム、デコイとして使用することもできる。

また、本発明は、本発明のタンパク質をコードする核酸の部分配列又は当該配列にストリンジェントな条件下でハイブリダイズし得るヌクレオチドに関する。このようなヌクレオチドとしては、例えば、配列番号1又は3で示される塩基配列の中の通常、連続する14塩基以上の部分配列もしくはその相補的な配列を含むヌクレオチドを用いることができ、ハイブリダイズをより特異的とするためには、部分配列としてより長い配列、例えば20塩基以上あるいは30塩基以上の配列を用いても良い。これらのヌクレオチドは、必要に応じて放射性元素や、蛍光性物質又は化学発光物質などを用いて標識化することもできる。

本発明の配列番号1又は3で示される塩基配列の中の連続する14塩基以上の部分配列もしくはその相補的な配列を含むヌクレオチドは、本発明の有機アニオントランスポーター-OAT3をコードする塩基配列中の特異的な塩基配列を有するものが好ましく、必要により標識化されていてもよい。

10

【0020】

また、本発明の有機アニオントランスポーターまたは、これと免疫学的同等性を有するポリペプチドを用いて、その抗体を取得することが出来、抗体は、有機アニオントランスポーター検出や精製などに利用できる。抗体は、本発明の有機アニオントランスポーター、その断片、またはその部分配列を有する合成ペプチド等を抗原として用いて製造できる。ポリクロナール抗体は、宿主動物（たとえば、ラットやウサギ）に抗原を接種し、免疫血清を回収する通常の方法により製造することができ、モノクロナール抗体は、通常

20

【実施例】

【0021】

以下、実施例をもって本説明をさらに詳しく説明するが、これらの実施例は本発明を制限するものではない。

【0022】

なお下記実施例において、各操作は特に断りがない限り、「Molecular Cloning: Sambrook, J., Fritsh, E.F.およびManiatis, T. 著、Cold Spring Harbor Laboratory Pressより1989年に発刊」に記載の方法により行うか、または、市販のキットを用いる場合には市販品の指示書に従って使用した。

30

【0023】

実施例1

多選択性有機アニオントランスポーター3(OAT3)cDNAの単離とその解析

(1)OAT1、OAT2、OCT1の塩基配列情報を基にしたデジェネレートプライマー(degenerate primer)の作成

既に本発明者らが単離したOAT1、OAT2、および報告されているOCT1の塩基配列情報から、これら3つのトランスポーター間で共通するアミノ酸配列(OAT1のアミノ酸配列の267-275および447-452に相当部分)より、デジェネレートプライマー(degenerate primer)を作成した。

40

【0024】

ラット脳よりGITC法により全RNAを抽出し、さらにオリゴdT(oligo dT)カラムを用いてポリ(A)+RNAを精製した。このラット脳ポリ(A)+RNAより逆転写酵素(reverse transcriptase)を用いてcDNAを作成し、これを鋳型として上記デジェネレートプライマー(degenerate primer)によりPCRを行った。この結果、約550bpのPCR産物が得られた。

このPCR産物を、TAKAクローニングキット(インヴィトロゲン社製)を用いてクローン化し、そのいくつかの塩基配列を決定したところ、OAT1とアミノ酸レベルで50%台の相同性を有する新規cDNA(B10)が得られた。

【0025】

50

B10 cDNA を³²Pでラベルしたプローブを用いて、ラットの種々の臓器より抽出したポリ(A)+RNAによるノーザンハイブリダイゼーション(Northern hybridization)をおこなったところ、肝臓、腎臓、脳および目に陽性のバンドを検出した。

【0026】

既に本発明者らは、ラット腎の良好なcDNAライブラリーを持っていたため、このラット腎cDNAライブラリーをB10プローブ用いてスクリーニングした。ハイブリダイゼーションは、37℃のハイブリダイゼーション用溶液中で一昼夜行い、その後フィルター膜は、37℃で0.1×SSC/0.1%SDSで洗浄した。ハイブリダイゼーション溶液としては、50%ホルムアミド、5×標準クエン酸NaCl溶液(standard saline citrate(SSC))、3×デンハード液、0.2%SDS、10%硫酸デキストラン、0.2mg/ml変性サーモン精子DNA、2.5mMピロリン酸ナトリウム、25mM MES、0.01%Antifoam B(シグマ社製)を含むpH6.5の緩衝液を用いた。ZipLox中に単離されたクローンは、in vivo excision法によりプラスミドベクター-pZLにさらにサブクローン化した。この結果、有機アニオン輸送活性を持つ新規クローン(rkl411)が得られた(輸送機能解析については以下の実施例2参照)。

10

【0027】

上記により得られたクローン(rkl411)の塩基配列の決定は以下のようにして行った。まず、キークエンサー用デリベーションキット(タカラ社製)を用いて、rkl411を片側より約300bpづつ削除した複数のプラスミドDNAを得た。これらを自動キークエンサー(アプライドバイオシステム社製)を用いてその塩基配列を解析した。さらにrkl411に対する特異的オリゴヌクレオチドプライマーを合成し、自動キークエンサーを用いて逆方向からもその塩基配列を解析し、最終的にrkl411の全塩基配列を決定した。この塩基配列を配列表の配列番号3に記載する。また、このタンパク質のアミノ酸配列を配列表の配列番号4に記載する。

20

【0028】

実施例2(rkl411の機能の特定)

(1)上記により得られたクローン(rkl411)を含むプラスミドから、T7RNAポリメラーゼを用いて、インビトロでcRNA(cDNAに相補的なRNA)を調製した(Sekine, T., et al. J Biol Chem 272巻、18526-9頁、1997年参照)。

30

得られたcRNAを、既に報告されている方法に従い(Sekine, T., et al. J Biol Chem 272巻、18526-9頁、1997年)、アフリカツメガエルの卵母細胞に注入し、この卵母細胞について放射能標識された種々の有機アニオンおよび有機カチオンによる取り込み実験を行った。この結果、図1に示すようにrkl411を発現させた卵母細胞は¹⁴C-PAH(パラアミノ馬尿酸)、³H-オクラトキシニンA、³H-エストロン硫酸の取り込みを示すことが判明した。これに対して代表的な有機カチオンである¹⁴C-TEA(テトラエチルアンモニウム)を輸送しなかった。

【0029】

rkl411の有機アニオン輸送のミカエリス-メンテン動力学試験をおこなった。種々の濃度のPAH、エストロン硫酸、オクラトキシニンAのrkl411による取り込み量の変化を調べることにより、これらの基質のrkl411による輸送の濃度依存性を検討した。放射能標識されたPAH、エストロン硫酸、オクラトキシニンAの取り込み実験は、rkl411 cRNAを注入した卵母細胞を用い、前記記載の方法に準じて実施した。この結果(図2参照)、PAH、エストロン硫酸、オクラトキシニンAのKm値はそれぞれ4.7μM、2.3μMおよび0.74μMであった。結果を次の表1に示す。

40

【0030】

【表 1】

ミカエリス-メンテン動力学試験の結果

	K_m (μM)	V_{max} ($pmol/hr/oocyte$)	V_{max}/K_m ($\mu l/hr/oocyte$)
PAH	64.7 ± 10.0	23.3 ± 2.8	0.360
エストロンサルフェイト	2.34 ± 0.20	7.60 ± 0.44	3.24
オクラトキシンA	0.739 ± 0.178	3.08 ± 0.33	4.17

10

【0031】

(2) rkl411の基質選択性をさらに検討するために、rkl411 cRNAを注入した卵母細胞による³H-エストロン硫酸の取り込み実験系において、系へ各種アニオン性物質を添加し、その影響を調べた(阻害実験)。³H-エストロン硫酸の取り込み実験は、rkl411 cRNAを注入した卵母細胞を用い、前記記載方法に準じて実施した。1 mMの各種化合物(非標識)の存在下および非存在下で、³H-エストロン硫酸の取り込みを測定した。その結果、種々のアニオン性物質(タウロコール酸、コール酸、プロモサルフォフタレイン、プロベネシド、インドシアニグリン、プメタニド、セフォペラゾン、ピロキシカム、フロセミド、アジドチミジン、ベンジルペニシリンなど)はrkl411による³H-エストロン硫酸の輸送を有意に阻害した(図3参照)。一方、テトラエチルアンモニウム、グアニジン、キニジン、ペラパミルのようなカチオン性物質は阻害作用を示さなかった(図3参照)。以上の結果から、rkl411は多選択性トランスポーターであり、又、主に有機アニオンを認識することから、rkl411をOATファミリーの第三のメンバーとして、OAT3(organic anion transporter 3)と命名した。

20

【0032】

実施例 3

ラットの各組織におけるOAT3遺伝子の発現(ノーザンブロットィング)の解析を行った。OAT3 cDNAの全長を³²P-dCTPでラベルし、これをプローブとして用いてラットの種々の組織から抽出したRNAに対してノーザンブロットィングを以下のように行った。3 μg のポリ(A)+RNAを1%アガロース/ホルムアルデヒドゲルで電気泳動した後、ニトロセルロースフィルターに転写した。このフィルターを42℃で、³²P-dCTPでラベルしたOAT3 cDNA全長を含んだハイブリダイゼーション液で一晩ハイブリダイゼーションを行った。フィルターを65℃にて、0.1% SDSを含む0.1 x SSCで洗浄した。

30

ノーザンブロットの結果(図4参照)、腎臓、肝臓、脳において、2.4 Kb付近に強いバンドが検出された。また目に弱い発現が観察された。

【0033】

実施例 4

OAT3がOATファミリーのメンバーの中では最も強く脳に発現していたため、その脳での役割を推測する試みとして、神経伝達物質の種々の代謝物(主に有機アニオン)によるOAT3の輸送阻害実験を行った。図5に示すように、ノルアドレナリンやセロトニン代謝物はOAT3によるエストロン硫酸輸送を阻害し、それら自身がOAT3の基質となる可能性を示した。この事実は、OAT3の脳型での役割のひとつとして神経伝達物質の代謝物の脳外排出作用を示唆するものである。

40

【0034】

実施例 5

ヒト型多選択性有機アニオントランスポーター3(OAT3)cDNAの単離とその解析

既に本発明者らが単離したラットOAT3のcDNAを用いてEST(expressed sequ

50

ence tag) データベースを検索したところ、ラット O A T 3 と高い相同性を有するヒト E S T クローン (H 2 0 3 4 5) を同定した。このクローンの塩基配列の一部 (3 3 3 b p) を P C R 法を用いて合成した。この c D N A 断片を 32 P でラベルしたものをプローブとして用い、以下のようにスクリーニングを行った。

【 0 0 3 5 】

すでに本発明者らが保持していたヒト腎臓 c D N A ライブラリーを、上記プローブを用いてスクリーニングした。ハイブリダイゼーションは、37 °C のハイブリダイゼーション用溶液中で一昼夜行い、その後フィルター膜は、37 °C で 0 . 1 × S S C / 0 . 1 % S D S で洗浄した。ハイブリダイゼーション溶液としては、50 % ホルムアミド、5 × S S C (standard saline citrate)、3 × デンハード液、0 . 2 % S D S、10 % 硫酸デキストラン、0 . 2 m g / m l 変性サーモン精子 D N A、2 . 5 m M ピロリン酸ナトリウム、25 m M M E S、0 . 0 1 % A n t i f o a m (シグマ社製) を含む p H 6 . 5 の緩衝液を用いた。Z i p L o x 中に単離されたクローンは、インビトロエキサイション (i n v i t r o e x c i s i o n) 法によりプラスミドベクター - p Z L にさらにサブクローン化した。この結果、有機アニオン輸送活性を持つ h O A T 3 (human organic anion transporter 3 : ヒト型有機アニオントランスポーター 3) が得られた。このものの輸送機能の解析については以下の実施例 6 で説明する。

10

【 0 0 3 6 】

h O A T 3 の塩基配列は以下の方法により決定した。h O A T 3 に特異的なオリゴヌクレオチドプライマーを順次合成し、自動シーケンサー (アプライドバイオシステム社製) を用いて 5 ' および 3 ' 側の両方向から塩基配列の解析を行い、最終的に h O A T 3 の全塩基配列を決定した。決定された塩基配列を配列表の配列番号 1 に記載する。この c D N A 配列から h O A T 3 をコードするアミノ酸配列を配列表の配列番号 2 に記載する。

20

また、c D N A の塩基配列を表 2 ~ 6 に示し、そのアミノ酸配列を塩基配列と対応させて表 3 に示す。

【 0 0 3 7 】

【表 2】

10	20	30	40	50	60
CTGAGCTGCC	CTACTACAGC	AGCTGCCGGC	CCCTAGGACA	GAGCAGGGAC	CTCAACTACA
70	80	90	100	110	120
CTGATCAGCA	GCCCCATCGG	ATCCAGACCC	GGCCACCAGC	TCTGGCTCGT	CTTGCCCCAG
130	140	150	160	170	180
TGCCATGACC	TTCTCGGAGA	TCCTGGACCG	TGTGGGAAGC	ATGGGCCATT	TCCAGTTCCT
190	200	210	220	230	240
GCATGTAGCC	ATACTGGGCC	TCCCAGTCTT	CAACATGGCC	AACCACAACC	TGCTGCAGAT
250	260	270	280	290	300
CTTCACAGCC	GCCACCCCTG	TCCACCACTG	TCGCCCGCCC	CACAATGCCT	CCACAGGGCC
310	320	330	340	350	360
TTGGGTGCTC	CCCATGGGCC	CAAATGGGAA	GCCTGAGAGG	TGCCTCCGTT	TTGTACATCC
370	380	390	400	410	420
GCCCAATGCC	AGCCTGCCCA	ATGACACCCA	GAGGGCCATG	GAGCCATGCC	TGGATGGCTG
430	440	450	460	470	480
GGTCTACAAC	AGCACCAAGG	ACTCCATTGT	GACAGAGTGG	GACTTGGTGT	GCAACTCCAA
490	500	510	520	530	540
CAAACCTGAAG	GAGATGGCCC	AGTCTATCTT	CATGGCAGGT	ATACTGATTG	GAGGGCTCGT
550	560	570	580	590	600
GCTTGAGAC	CTGTCTGACA	GGTTTGGCCG	CAGGCCCATC	CTGACCTGCA	GCTACCTGCT
610	620	630	640	650	660
GCTGGCAGCC	AGCGGCTCCG	GTGCAGCCTT	CAGCCCCACC	TTCCCCATCT	ACATGGTCTT
670	680	690	700	710	720
CCGCTTCCTG	TGTGGCTTTG	GCATCTCAGG	CATTACCCTG	AGCACCGTCA	TCTTGAATGT
730	740	750	760	770	780
GGAATGGGTG	CCTACCCGGA	TGCGGGCCAT	CATGTGACCA	GCACTCGGGT	ACTGCTACAC
790	800	810	820	830	840
CTTTGGCCAG	TTCATTCTGC	CCGGCCTGGC	CTACGCCATC	CCCCAGTGGC	GTTGGCTGCA
850	860	870	880	890	900
GTAACTGTG	TCCATTCCCT	TCTTCGTCTT	CTTCCTATCA	TCCTGGTGGG	CACCAGAGTC
910	920	930	940	950	960
CATACGCTGG	TTGGTCTTGT	CTGGAAAGTC	CTCGGAGGCC	CTGAAGATAC	TCCGGCGGGT
970	980	990	1000	1010	1020
GGCTGTCTTC	AATGGCAAGA	AGGAAGAGGG	AGAAAGGCTC	AGCTTGGAGG	AGCTCAAAC
1030	1040	1050	1060	1070	1080
CAACCTGCAG	AAGGAGATCT	CCTTGGCCAA	GGCCAAGTAC	ACCGCAAGTG	ACCTGTTCCG
1090	1100	1110	1120	1130	1140
GATACCCATG	CTGCGCCGCA	TGACCTTCTG	TCTTTCCCTG	GCCTGGTTTG	CTACCGGTTT
1150	1160	1170	1180	1190	1200
TGCCTACTAT	AGTTTGGCTA	TGGGTGTGGA	AGAATTTGGA	GTCAACCTCT	ACATGCTCCA
1210	1220	1230	1240	1250	1260
GATCATCTTT	GGTGGGGTGC	ATGTCCCAGC	CAAGTTCATC	ACCATCCTCT	CCTTAAGCTA
1270	1280	1290	1300	1310	1320
CCTGGGCCGG	CATACCACTC	AGGCCGCTGC	CCTGCTCCTG	GCAGGAGGGG	CCATCTTGGC
1330	1340	1350	1360	1370	1380
TCTCACCTTT	GTGCCCTTGG	ACTTGACAGC	CGTGAGGACA	GTATTGGCTG	TGTTTGGGAA

10

20

30

40

【表 3】

1390	1400	1410	1420	1430	1440
GGGATGCCTA	TCCAGCTCCT	TCAGCTGCCT	CTTCCTCTAC	ACAAGTGAAT	TATACCCCAC
1450	1460	1470	1480	1490	1500
AGTCATCAGG	CAAACAGGTA	TGGGCGTAAG	TAACTGTGG	ACCCGCGTGG	GAAGCATGGT
1510	1520	1530	1540	1550	1560
GTCCCCGCTG	GTGAAAATCA	CGGGTGAGGT	ACAGCCCTTC	ATCCCCAATA	TCATCTACGG
1570	1580	1590	1600	1610	1620
GATCACCGCC	CTCCTCGGGG	GCAGTGCTGC	CCTCTTCCTG	CCTGAGACCC	TGAATCAGCC
1630	1640	1650	1660	1670	1680
CTTGCCAGAG	ACTATCGAAG	ACCTGGAAAA	CTGGTCCCTG	CGGGCAAAGA	AGCCAAAGCA
1690	1700	1710	1720	1730	1740
GGAGCCAGAG	GTGAAAAGG	CCTCCAGAG	GATCCCTCTA	CAGCCTCACG	GACCAGGCCT
1750	1760	1770	1780	1790	1800
GGGCTCCAGC	TGAGGACAAC	GGAACCCCT	TTCCCTGCC	TCCAGAGACT	GATCCTAGCC
1810	1820	1830	1840	1850	1860
AGGCACCTTA	GGAGTATAGG	GAGGCCCAT	ATAGGTCCAT	CCTCCTAGGA	TGAAGCCTTC
1870	1880	1890	1900	1910	1920
TGAGAGCTTG	GTGAAGGTGT	CTCCATCACC	ACCACCAGAG	CCTCCTGCC	AGCCCTGGCC
1930	1940	1950	1960	1970	1980
AGTTCAAAGG	TTCAGCCATC	CCTGCCCTTG	TTCTCCCTGC	AACCCAGGCC	CTGCCATTCT
1990	2000	2010	2020	2030	2040
TCTGTCTAGC	CCTTCCCCAC	TGGCCACCTT	CCCCACTGT	CCCGGTCCTC	TTCCCTGAG
2050	2060	2070	2080	2090	2100
GTCCCCTGAT	ATCCCCTGGC	TCAGTCCTAA	CAAGACTGAG	TCTTAACAAG	ATGAGAAGTC
2110	2120	2130	2140	2150	2160
CTCCCCTTCT	TGCCTCCAC	ACTTTTCTTT	GATGGGAGGT	TTCAATAAAC	AGCGATAAGA
2170	2180	2190	2200	2210	2220
ACTCTAAAAA	AAAAAAAAA.

10

20

30

40

【表 4】

ATG	ACC	TTC	TCG	GAG	ATC	CTG	GAC	CGT	GTG	GGA	AGC	ATG	GGC	CAT	TTC	CAG	TTC
Met	Thr	Phe	Ser	Glu	Ile	Leu	Asp	Arg	Val	Gly	Ser	Met	Gly	His	Phe	Gln	Phe
CTG	CAT	GTA	GCC	ATA	CTG	GGC	CTC	CCG	ATC	CTC	AAC	ATG	GCC	AAC	CAC	AAC	CTG
Leu	His	Val	Ala	Ile	Leu	Gly	Leu	Pro	Ile	Leu	Asn	Met	Ala	Asn	His	Asn	Leu
CTG	CAG	ATC	TTC	ACA	GCC	GCC	ACC	CCT	GTC	CAC	CAC	TGT	CGC	CCG	CCC	CAC	AAT
Leu	Gln	Ile	Phe	Thr	Ala	Ala	Thr	Pro	Val	His	His	Cys	Arg	Pro	Pro	His	Asn
GCC	TCC	ACA	GGG	CCT	TGG	GTG	CTC	CCC	ATG	GGC	CCA	AAT	GGG	AAG	CCT	GAG	AGG
Ala	Ser	Thr	Gly	Pro	Trp	Val	Leu	Pro	Met	Gly	Pro	Asn	Gly	Lys	Pro	Glu	Arg
TGC	CTC	CGT	TTT	GTA	CAT	CCG	CCC	AAT	GCC	AGC	CTG	CCC	AAT	GAC	ACC	CAG	AGG
Cys	Leu	Arg	Phe	Val	His	Pro	Pro	Asn	Ala	Ser	Leu	Pro	Asn	Asp	Thr	Gln	Arg
GCC	ATG	GAG	CCA	TGC	CTG	GAT	GGC	TGG	GTC	TAC	AAC	AGC	ACC	AAG	GAC	TCC	ATT
Ala	Met	Glu	Pro	Cys	Leu	Asp	Gly	Trp	Val	Tyr	Asn	Ser	Thr	Lys	Asp	Ser	Ile
GTG	ACA	GAG	TGG	GAC	TTG	GTG	TGC	AAC	TCC	AAC	AAA	CTG	AAG	GAG	ATG	GCC	CAG
Val	Thr	Glu	Trp	Asp	Leu	Val	Cys	Asn	Ser	Asn	Lys	Leu	Lys	Glu	Met	Ala	Gln
TCT	ATC	TTC	ATG	GCA	GGT	ATA	CTG	ATT	GGA	GGG	CTC	GTG	CTT	GGA	GAC	CTG	TCT
Ser	Ile	Phe	Met	Ala	Gly	Ile	Leu	Ile	Gly	Gly	Leu	Val	Leu	Gly	Asp	Leu	Ser
GAC	AGG	TTT	GGC	CGC	AGG	CGC	ATC	CTG	ACC	TGC	AGC	TAC	CTG	CTG	CTG	GCA	GCC
Asp	Arg	Phe	Gly	Arg	Arg	Pro	Ile	Leu	Thr	Cys	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Ala	Ala
AGC	GGC	TCC	GGT	GCA	GCC	TTC	AGC	CCC	ACC	TTC	CCC	ATC	TAC	ATG	GTC	TTC	CGC
Ser	Gly	Ser	Gly	Ala	Ala	Phe	Ser	Pro	Thr	Phe	Pro	Ile	Tyr	Met	Val	Phe	Arg
TTC	CTG	TGT	GGC	TTT	GGC	ATC	TCA	GGC	ATT	ACC	CTG	AGC	ACC	GTC	ATC	TTG	AAT
Phe	Leu	Cys	Gly	Phe	Gly	Ile	Ser	Gly	Ile	Thr	Leu	Ser	Thr	Val	Ile	Leu	Asn
GTG	GAA	TGG	GTG	CCT	ACC	CGG	ATG	CGG	GCC	ATC	ATG	TCG	ACA	GCA	CTC	GGG	TAC
Val	Glu	Trp	Val	Pro	Thr	Arg	Met	Arg	Ala	Ile	Met	Ser	Thr	Ala	Leu	Gly	Tyr
TGC	TAC	ACC	TTT	GGC	CAG	TTC	ATT	CTG	CCC	GGC	CTG	GCC	TAC	GCC	ATC	CCC	CAG
Cys	Tyr	Thr	Phe	Gly	Gln	Phe	Ile	Leu	Pro	Gly	Leu	Ala	Tyr	Ala	Ile	Pro	Gln

10

20

30

40

【 0 0 4 0 】

【表 5】

	835		844		853		862		871		880						
TGG	CGT	TGG	CTG	CAG	TTA	ACT	GTG	TCC	ATT	CCC	TTC	TTC	GTC	TTC	CTA	TCA	
Trp	Arg	Trp	Leu	Gln	Leu	Thr	Val	Ser	Ile	Pro	Phe	Phe	Val	Phe	Phe	Leu	Ser
	889		898		907		916		925		934						
TCC	TGG	TGG	ACA	CCA	GAG	TCC	ATA	CGC	TGG	TTG	GTC	TTG	TCT	GGA	AAG	TCC	TCG
Ser	Trp	Trp	Thr	Pro	Glu	Ser	Ile	Arg	Trp	Leu	Val	Leu	Ser	Gly	Lys	Ser	Ser
	943		952		961		970		979		988						
GAG	GCC	CTG	AAG	ATA	CTC	CGG	CGG	GTG	GCT	GTC	TTC	AAT	GGC	AAG	AAG	GAA	GAG
Glu	Ala	Leu	Lys	Ile	Leu	Arg	Arg	Val	Ala	Val	Phe	Asn	Gly	Lys	Lys	Glu	Glu
	997		1006		1015		1024		1033		1042						
GGA	GAA	AGG	CTC	AGC	TTG	GAG	GAG	CTC	AAA	CTC	AAC	CTG	CAG	AAG	GAG	ATC	TCC
Gly	Glu	Arg	Leu	Ser	Leu	Glu	Glu	Leu	Lys	Leu	Asn	Leu	Gln	Lys	Glu	Ile	Ser
	1051		1060		1069		1078		1087		1096						
TTG	GCC	AAG	GCC	AAG	TAC	ACC	GCA	AGT	GAC	CTG	TTC	CGG	ATA	CCC	ATG	CTG	CGC
Leu	Ala	Lys	Ala	Lys	Tyr	Thr	Ala	Ser	Asp	Leu	Phe	Arg	Ile	Pro	Met	Leu	Arg
	1105		1114		1123		1132		1141		1150						
CGC	ATG	ACC	TTC	TGT	CTT	TCC	CTG	GCC	TGG	TTT	GCT	ACC	GGT	TTT	GCC	TAC	TAT
Arg	Met	Thr	Phe	Cys	Leu	Ser	Leu	Ala	Trp	Phe	Ala	Thr	Gly	Phe	Ala	Tyr	Tyr
	1159		1168		1177		1186		1195		1204						
AGT	TTG	GCT	ATG	GGT	GTG	GAA	GAA	TTT	GGA	GTC	AAC	CTC	TAC	ATC	CTC	CAG	ATC
Ser	Leu	Ala	Met	Gly	Val	Glu	Glu	Phe	Gly	Val	Asn	Leu	Tyr	Ile	Leu	Gln	Ile
	1213		1222		1231		1240		1249		1258						
ATC	TTT	GGT	GGG	GTC	GAT	GTC	CCA	GCC	AAG	TTC	ATC	ACC	ATC	CTC	TCC	TTA	AGC
Ile	Phe	Gly	Gly	Val	Asp	Val	Pro	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Ile	Leu	Ser	Leu	Ser
	1267		1276		1285		1294		1303		1312						
TAC	CTG	GGC	CGG	CAT	ACC	ACT	CAG	GCC	GCT	GCC	CTG	CTC	CTG	GCA	GGA	GGG	GCC
Tyr	Leu	Gly	Arg	His	Thr	Thr	Gln	Ala	Ala	Ala	Leu	Leu	Leu	Ala	Gly	Gly	Ala
	1321		1330		1339		1348		1357		1366						
ATC	TTG	GCT	CTC	ACC	TTT	GTG	CCC	TTG	GAC	TTG	CAG	ACC	GTG	AGG	ACA	GTA	TTG
Ile	Leu	Ala	Leu	Thr	Phe	Val	Pro	Leu	Asp	Leu	Gln	Thr	Val	Arg	Thr	Val	Leu
	1375		1384		1393		1402		1411		1420						
GCT	GTG	TTT	GGG	AAG	GGA	TGC	CTA	TCC	AGC	TCC	TTC	AGC	TGC	CTC	TTC	CTC	TAC
Ala	Val	Phe	Gly	Lys	Gly	Cys	Leu	Ser	Ser	Ser	Phe	Ser	Cys	Leu	Phe	Leu	Tyr
	1429		1438		1447		1456		1465		1474						
ACA	AGT	GAA	TTA	TAC	CCC	ACA	GTC	ATC	AGG	CAA	ACA	GGT	ATG	GGC	GTA	AGT	AAC
Thr	Ser	Glu	Leu	Tyr	Pro	Thr	Val	Ile	Arg	Gln	Thr	Gly	Met	Gly	Val	Ser	Asn
	1483		1492		1501		1510		1519		1528						
CTG	TGG	ACC	CGC	GTG	GGA	AGC	ATG	GTG	TCC	CCG	CTG	GTG	AAA	ATC	ACG	GGT	GAG
Leu	Trp	Thr	Arg	Val	Gly	Ser	Met	Val	Ser	Pro	Leu	Val	Lys	Ile	Thr	Gly	Glu
	1537		1546		1555		1564		1573		1582						
GTA	CAG	CCC	TTC	ATC	CCC	AAT	ATC	ATC	TAC	GGG	ATC	ACC	GCC	CTC	CTC	GGG	GGC
Val	Gln	Pro	Phe	Ile	Pro	Asn	Ile	Ile	Tyr	Gly	Ile	Thr	Ala	Leu	Leu	Gly	Gly

10

20

30

40

【表 6】

	1591		1600		1609		1618		1627		1636						
AGT	GCT	GCC	CTC	TTC	CTG	CCT	GAG	ACC	CTG	AAT	CAG	CCC	TTG	CCA	GAG	ACT	ATC
---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---
Ser	Ala	Ala	Leu	Phe	Leu	Pro	Glu	Thr	Leu	Asn	Gln	Pro	Leu	Pro	Glu	Thr	Ile
	1645		1654		1663		1672		1681		1690						
GAA	GAC	CTG	GAA	AAC	TGG	TCC	CTG	CGG	GCA	AAG	AAG	CCA	AAG	CAG	GAG	CCA	GAG
---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---
Glu	Asp	Leu	Glu	Asn	Trp	Ser	Leu	Arg	Ala	Lys	Lys	Pro	Lys	Gln	Glu	Pro	Glu
	1699		1708		1717		1726		1735		1744						
GTG	GAA	AAG	GCC	TCC	CAG	AGG	ATC	CCT	CTA	CAG	CCT	CAC	GGA	CCA	GGC	CTG	GGC
---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---	---
Val	Glu	Lys	Ala	Ser	Gln	Arg	Ile	Pro	Leu	Gln	Pro	His	Gly	Pro	Gly	Leu	Gly
	1753																
TCC	AGC	TGA	3'														
---	---	---	---														
Ser	Ser	***															

10

20

30

40

実施例 6

hOAT3の機能の特定

上記により得られたhOAT3を含むプラスミドから、T7RNAポリメラーゼを用いて、インビトロでcRNA(cDNAに相補的なRNA)をセキネらの方法(Sekine, T., et al., J. Biol. Chem., 272, 18526-9 (1997))に準じて調製した。

得られたhOAT3 cRNAを、既に報告されているセキネらの方法(Sekine, T., et al., J. Biol. Chem., 272, 18526-9 (1997))に従い、アフリカツメガエルの卵母細胞に注入し、この卵母細胞について放射能標識された種々の有機アニオンおよび有機カチオンの取り込み実験を行った。コントロール卵母細胞(hOAT3 cRNAを注入していない卵母細胞)、およびhOAT3 cRNAを注入した卵母細胞を、以下の放射能標識体を含む緩衝液中で1時間培養し、卵母細胞内への放射能標識体の取り込みを測定した。

この結果を図6~図18に示す。各図の白色(open column)の方はコントロール卵母細胞を用いた場合を示し、黒色(closed column)の方はhOAT3 cRNAを注入した卵母細胞を用いた場合を示す。図6は ^{14}C -PAH(パラアミノ馬尿酸)($10\ \mu\text{M}$)、図7は ^3H -エストロン硫酸($50\ \text{nM}$)、図8は ^3H -デヒドロエピアンドロステロン硫酸($50\ \text{nM}$)、図9は ^3H -オクラトキシンA($100\ \text{nM}$)、図10は ^3H -シメチジン($150\ \text{nM}$)、図11は ^3H -エストラジオールグルクロニド($50\ \text{nM}$)、図12は ^3H -プロスタグランジンE2($1\ \text{nM}$)、図13は ^{14}C -タウロコール酸($1\ \mu\text{M}$)、図14は ^{14}C -グルタル酸($10\ \mu\text{M}$)、図15は ^3H -メトトレキセート($100\ \text{nM}$)、図16は ^{14}C -サリチル酸($1\ \mu\text{M}$)、図17は ^{14}C -インドメタシン($10\ \mu\text{M}$)、図18は ^{14}C -コール酸($10\ \mu\text{M}$)の場合をそれぞれ示す。

【0043】

これらの図に示されるように、これらの放射能標識体において、hOAT3を発現した卵母細胞における値は、コントロール卵母細胞に比べ高く、これらの化合物をhOAT3が輸送することが示された。

この結果、hOAT3を発現させた卵母細胞は、 ^{14}C -PAH(パラアミノ馬尿酸)、 ^3H -エストロン硫酸、 ^3H -デヒドロエピアンドロステロン硫酸、 ^3H -オクラトキシンA、 ^3H -シメチジン、 ^3H -エストラジオールグルクロニド、 ^3H -プロスタグランジンE2、 ^{14}C -タウロコール酸、 ^{14}C -グルタル酸、 ^3H -メトトレキセート、 ^{14}C -サリチル酸、 ^{14}C -インドメタシン、 ^{14}C -コール酸の取り込みを示すことが判明した。これに対して、hOAT3は代表的な有機カチオンである ^{14}C -TEA(テトラエチルアンモニウム)を輸送しなかった(図には示さず)。

【0044】

次いで、hOAT3の有機アニオン輸送のミカエリス-メンテン動力学試験を行った。種々の濃度のエストロン硫酸およびメトトレキセートのhOAT3による取り込み量の变化を調べることにより、これらの基質のhOAT3による輸送の濃度依存性を検討した。放射能標識されたエストロン硫酸およびメトトレキセートの取り込み実験は、hOAT3 cRNAを注入した卵母細胞およびコントロール卵母細胞(cRNAを注入していないもの)を用い、前記に記載した方法に準じて実施した。この結果、エストロン硫酸およびメトトレキセートのKm値はそれぞれ $3.08\ \mu\text{M}$ および $2.22\ \mu\text{M}$ であった。

【0045】

hOAT3の基質選択性をさらに検討するために、hOAT3 cRNAを注入した卵母細胞による ^3H -エストロン硫酸の取り込み実験系において、系へ各種アニオン性物質を添加し、その影響を調べた(阻害実験)。

^3H -エストロン硫酸の取り込み実験は、hOAT3 cRNAを注入した卵母細胞を用い、前記に記載した方法に準じて実施した。

即ち、コントロール卵母細胞(hOAT3 cRNAを注入していない卵母細胞)、およびhOAT3 cRNAを注入した卵母細胞を、 $50\ \text{nM}$ ^3H -エストロン硫酸単独、又は $500\ \mu\text{M}$ 若しくは図に表示されている濃度の放射能非標識化合物を含む緩衝液中で

10

20

30

40

50

1時間培養し、 ^3H -エストロン硫酸の取り込みを測定した。結果は、 50 nM ^3H -エストロン硫酸単独を含む緩衝液中でのhOAT3 cRNAを注入した卵母細胞の示す取り込みを100%とし、阻害薬を含む緩衝液中での各々の値を%で表示した。

【0046】

その結果を図19に示す。図19に示すように、これらの化合物は全てhOAT3 cRNAを注入した卵母細胞による ^3H -エストロン硫酸の取り込みを阻害し、これらの化合物がhOAT3と相互作用することが示された。この結果、種々のアニオン性物質(エストロン硫酸、PAH、タウロコール酸、プロベネシド、フロセミド、ジドブジン、ペニシリンG、BSP、グルタル酸、インドメタシン、メトトレキセート)は、hOAT3による ^3H -エストロン硫酸の輸送を有意に阻害することがわかった(図19参照)。一方、代表的な有機カチオンであるテトラエチルアンモニウムは、阻害作用を示さなかった。以上の結果から、本発明のhOAT3は多選択性有機アニオントランスポーターであることが明かとなった。

10

【0047】

本発明は、有機アニオンに対して広い基質選択性を有し、脳や肝臓などに選択的に分布する新規な有機アニオントランスポーターを提供するものである。

本発明の有機アニオントランスポーターは、種々の薬物の細胞への取り込みに関与しており、薬物の生体内での動態にも関与している。したがって、本発明の有機アニオントランスポーターは、細胞の維持や活性化のみならず、薬物の動態をスクリーニングする際にも有用なものである。

20

【図面の簡単な説明】

【0048】

【図1】図1は、本発明のラットOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、有機アニオン取り込み活性を示すものである。

【図2】図2は、本発明のラットOAT3の卵母細胞を用いた、PAH、エストロン硫酸及びオクラトキシンAの輸送の動力学試験の結果を示すものである。

【図3】図3は、本発明のラットOAT3の有機アニオン輸送における、各種有機物質の阻害作用の試験の結果を示すものである。

【図4】図4は、本発明のラットOAT3遺伝子のノーザンブロットィング解析の結果を示す図面に代わる写真である。

30

【図5】図5は、脳型神経伝達物質の種々の代謝物による、ラットOAT3の輸送阻害試験の結果を示すものである。

【図6】図6は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^{14}C -PAH(パラアミノ馬尿酸)の取り込み活性を示すものである。

【図7】図7は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -エストロン硫酸の取り込み活性を示すものである。

【図8】図8は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -デヒドロエピアンドロステロン硫酸の取り込み活性を示すものである。

【図9】図9は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -オクラトキシンAの取り込み活性を示すものである。

40

【図10】図10は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -シメチジンの取り込み活性を示すものである。

【図11】図11は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -エストラジオールグルクロニドの取り込み活性を示すものである。

【図12】図12は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^3H -プロスタグランジンE2の取り込み活性を示すものである。

【図13】図13は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^{14}C -タウロコール酸の取り込み活性を示すものである。

【図14】図14は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、 ^{14}C -グルタル酸の取り込み活性を示すものである。

50

【図15】図15は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、³H-メトトレキサートの取り込み活性を示すものである。

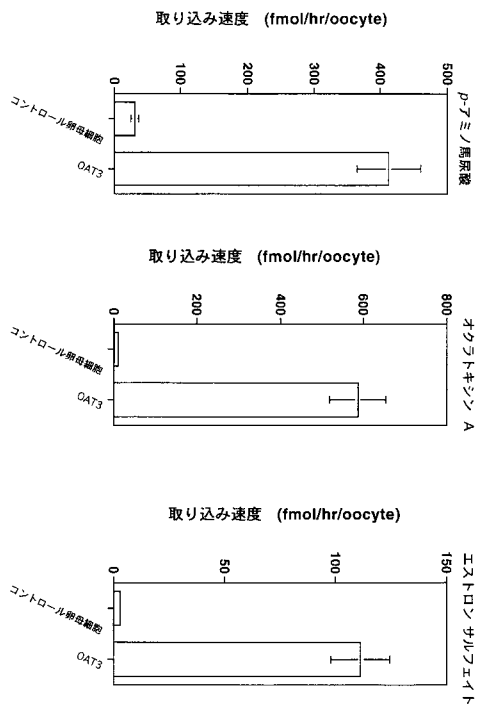
【図16】図16は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、¹⁴C-サリチル酸の取り込み活性を示すものである。

【図17】図17は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、¹⁴C-インドメタシンの取り込み活性を示すものである。

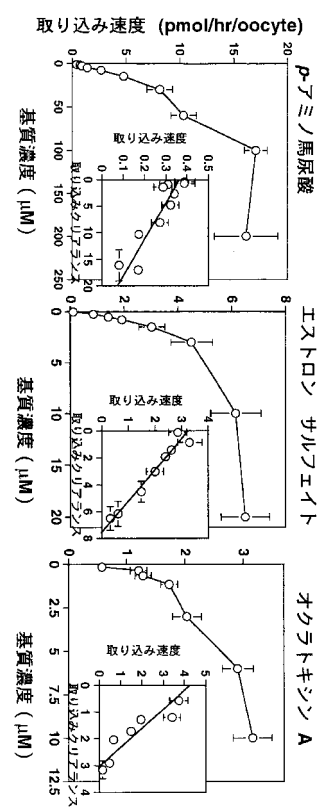
【図18】図18は、本発明のhOAT3をアフリカツメガエルの卵母細胞に発現させた時の、¹⁴C-コール酸の取り込み活性を示すものである。

【図19】図19は、本発明のhOAT3による³H-エストロン硫酸の輸送における、各種有機物質の阻害作用の試験の結果を示すものである。

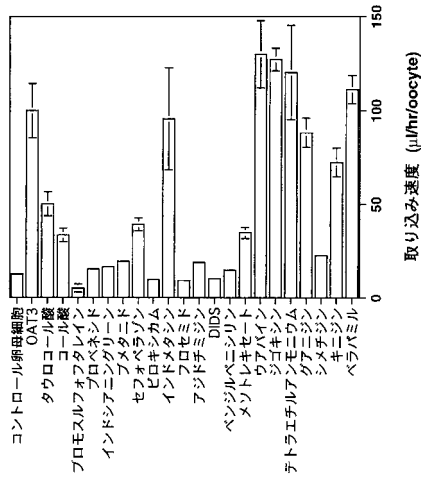
【図1】



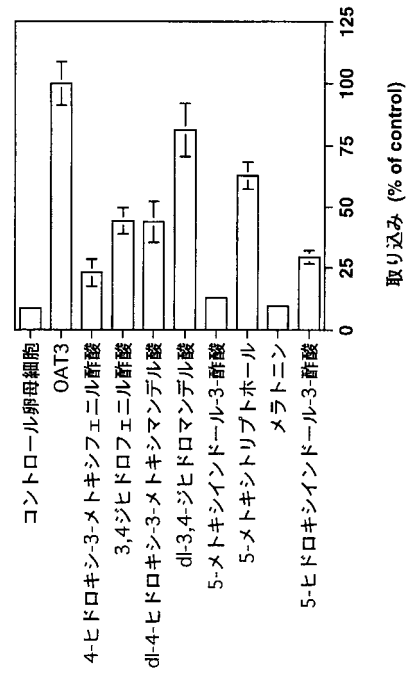
【図2】



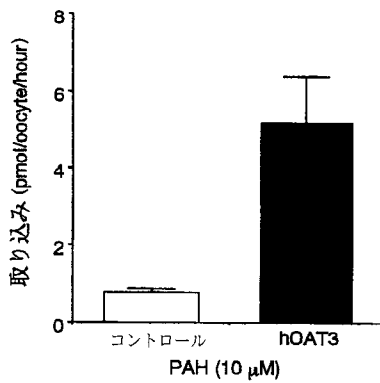
【 図 3 】



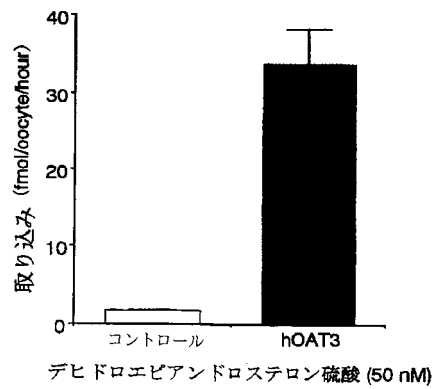
【 図 5 】



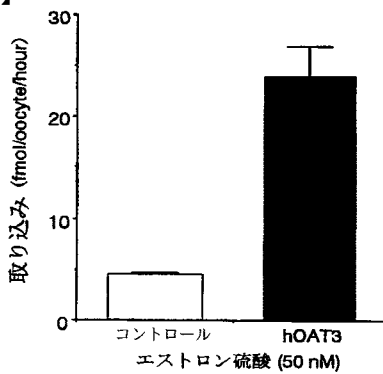
【 図 6 】



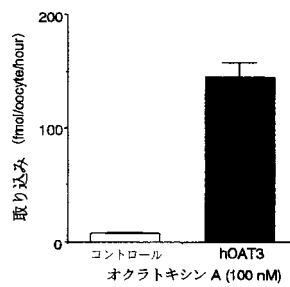
【 図 8 】



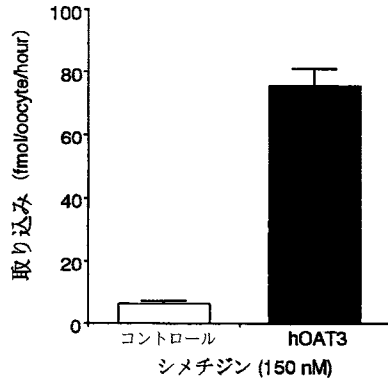
【 図 7 】



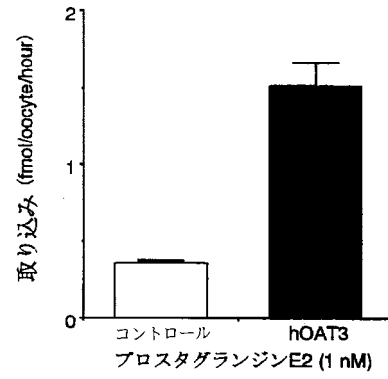
【 図 9 】



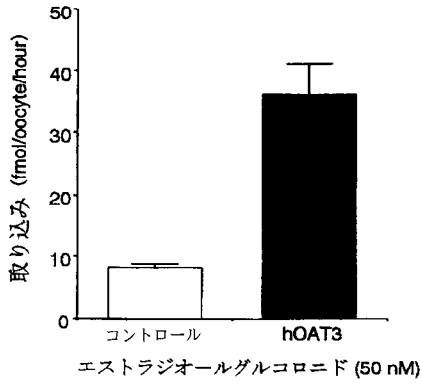
【 図 1 0 】



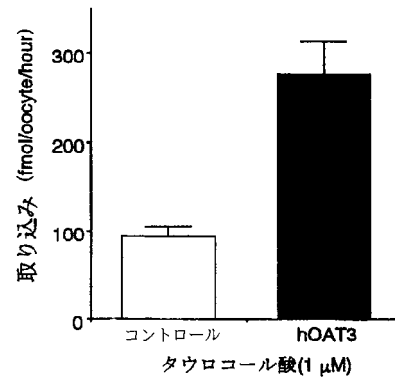
【 図 1 2 】



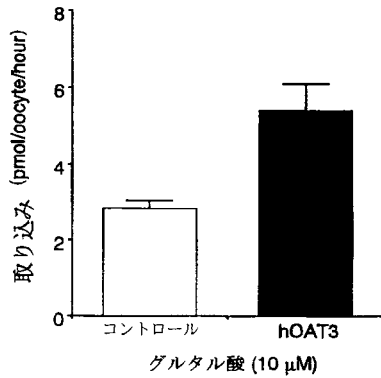
【 図 1 1 】



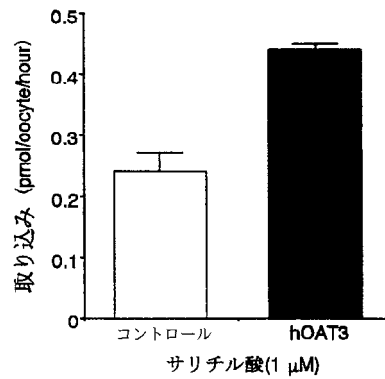
【 図 1 3 】



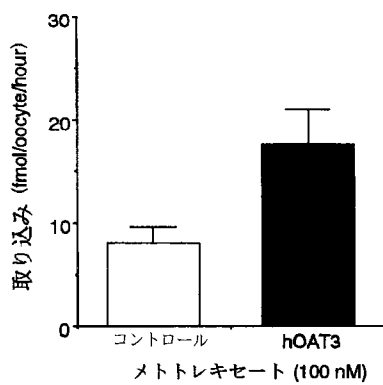
【 図 1 4 】



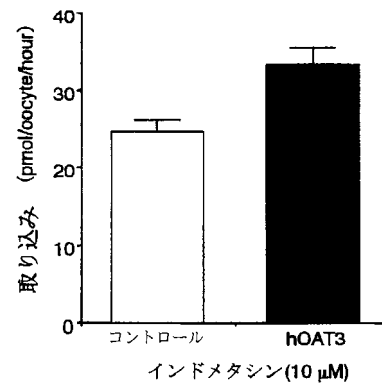
【 図 1 6 】



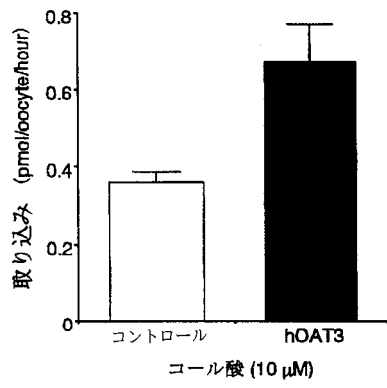
【 図 1 5 】



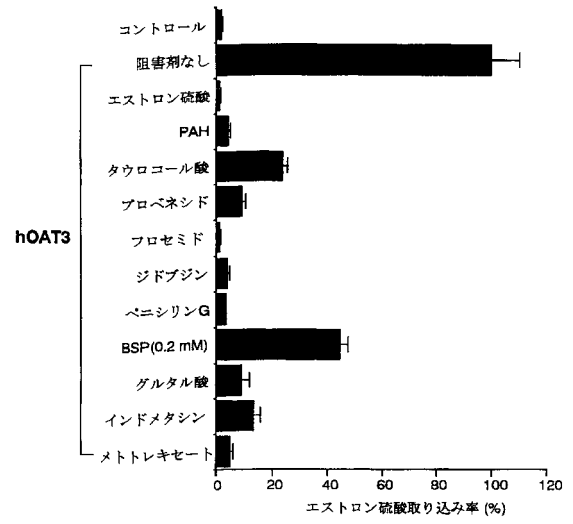
【 図 1 7 】



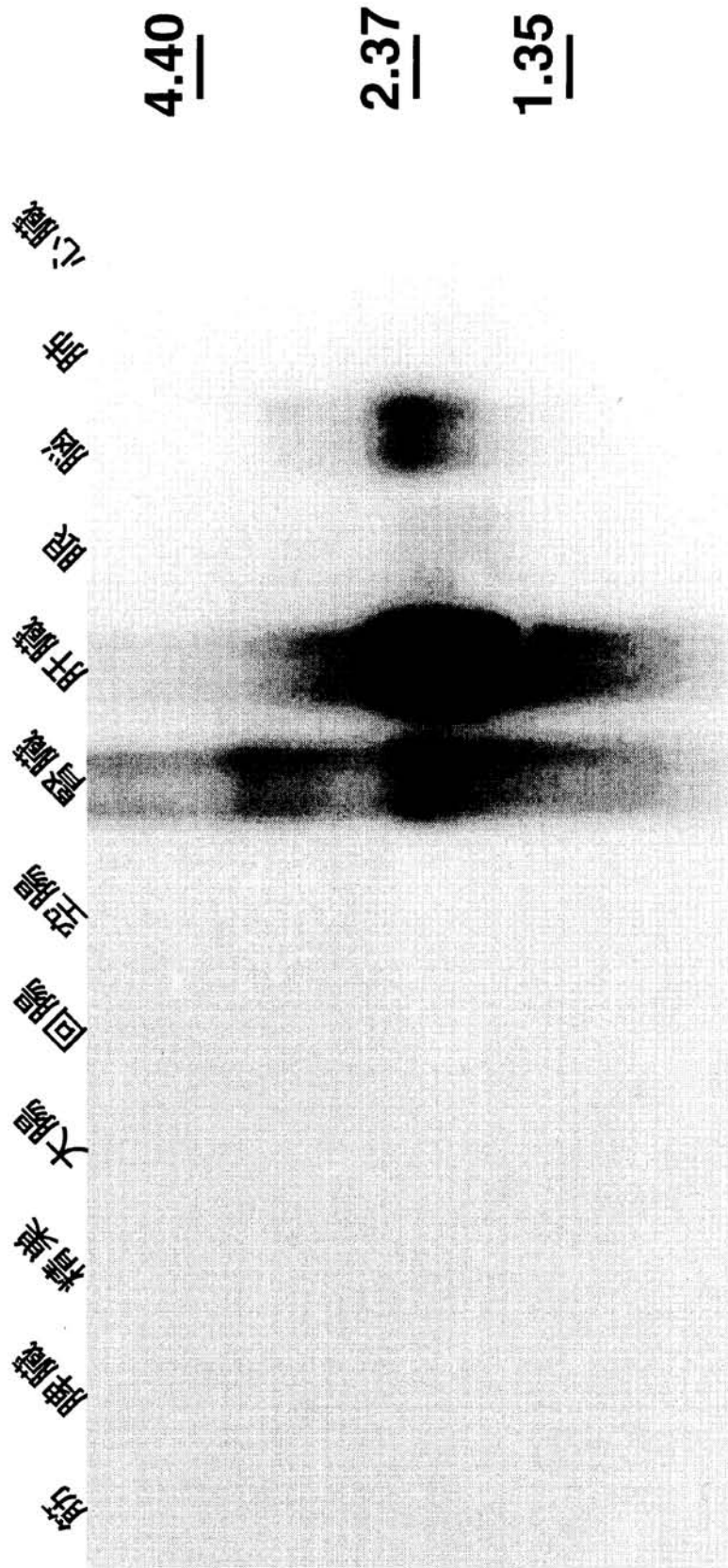
【 図 1 8 】



【 図 1 9 】



【 図 4 】



【 配列表 】

2007209350000001.app

【手続補正書】

【提出日】平成19年6月11日(2007.6.11)

【手続補正1】

【補正対象書類名】特許請求の範囲

【補正対象項目名】全文

【補正方法】変更

【補正の内容】

【特許請求の範囲】

【請求項1】

配列表の配列番号2又は4に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞と化合物とを溶液中で培養することを特徴とする、化合物の前記組み換え細胞への取込能の測定方法。

【請求項2】

少なくとも以下の(1)～(4)の工程；

(1)配列表の配列番号2又は4に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程、

(2)有機アニオントランスポーターOAT3によって前記組み換え細胞内に取り込まれることが確認された化合物を少なくとも2種以上選択し、それぞれを単独で、工程(1)で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、前記組み換え細胞への各化合物の取り込み量を測定する工程、

(3)工程(2)で選択した2種以上の化合物を組み合わせて、工程(1)で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、工程(2)と同一条件下で同一時間培養後、前記組み換え細胞内へのそれぞれの化合物の取り込み量を測定する工程、及び

(4)工程(3)で得られた測定値を工程(2)で得られた測定値と比較することで、選択された2種以上の化合物同士の相互作用を観察する工程、を含むことを特徴とする、請求項1に記載の測定方法。

【請求項3】

少なくとも以下の(1)～(3)の工程；

(1)配列表の配列番号2又は4に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程、

(2)化合物を工程(1)で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、当該細胞内への化合物の取り込み量を測定する工程、及び

(3)工程(2)で得られた測定値がコントロール細胞を用いて同様の操作を行った場合の測定値と比較して有意な差を示した化合物を選択する工程

を含む、有機アニオントランスポーターOAT3によって取り込まれる化合物をスクリーニングする方法。

【請求項4】

少なくとも以下の(1)～(4)の工程；

(1)配列表の配列番号2又は4に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程；

(2)有機アニオントランスポーターOAT3によって前記組み換え細胞内に取り込まれることが確認された化合物を、工程(1)で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、当該組み換え細胞内への当該確認された化合物の取り込み量を測定する工程、

(3)試験化合物を工程(2)で用いたと同一の確認された化合物と共に工程(1)で得

られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、工程（２）と同一条件下で同一時間培養後、当該組み換え細胞内への前記確認された化合物の取り込み量を測定する工程、及び（４）工程（３）で得られた測定値が工程（２）で得られた測定値と比較して有意な差を示した場合の試験化合物を選択する工程、を含む、有機アニオントランスポーターOAT3の有機アニオン取り込み能を促進又は阻害する化合物をスクリーニングする方法。

【請求項５】

配列表の配列番号２又は４に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞と化合物とを溶液中で培養することを特徴とする、化合物の脳細胞への取込量の測定方法。

【請求項６】

前記化合物の脳細胞への取り込み能が、脳細胞内に取り込まれることが既知の２種以上の化合物同士の相互作用に基づく取り込み能であって、少なくとも以下の（１）～（４）の工程を含むことを特徴とする、請求項５に記載の測定方法；

（１）配列表の配列番号２又は４に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程、

（２）脳細胞内に取り込まれることが既知の化合物を少なくとも２種以上選択し、それぞれを単独で、工程（１）で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、前記組み換え細胞への各化合物の取り込み量を測定する工程、

（３）工程（２）で選択した２種以上の化合物を組み合わせて、工程（１）で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、工程（２）と同一条件下で同一時間培養後、前記組み換え細胞内へのそれぞれの化合物の取り込み量を測定する工程、及び

（４）工程（３）で得られた測定値を工程（２）で得られた測定値と比較することで、選択された２種以上の脳細胞内に取り込まれることが既知の化合物同士の相互作用を観察する工程。

【請求項７】

脳細胞に特異的に取り込まれる化合物をスクリーニングする方法であって、少なくとも以下の（１）～（３）の工程を含むスクリーニング方法；

（１）配列表の配列番号２又は４に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程、

（２）化合物を工程（１）で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、当該細胞内への化合物の取り込み量を測定する工程、及び

（３）工程（２）で得られた測定値がコントロール細胞を用いて同様の操作を行った場合の測定値と比較して有意な差を示した化合物を選択する工程

【請求項８】

脳細胞内に取り込まれることが既知の化合物の脳細胞への取り込み能を促進又は阻害する物質をスクリーニングする方法であって、少なくとも以下の（１）～（４）の工程を含むスクリーニング方法；

（１）配列表の配列番号２又は４に示されるアミノ酸配列又はその一個若しくは数個のアミノ酸配列が欠失し、他のアミノ酸で置換若しくは付加されていてもよいアミノ酸配列を有する有機アニオントランスポーターOAT3を発現する組み換え細胞を得る工程；

（２）脳細胞内に取り込まれることが既知の化合物を工程（１）で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、一定時間培養後、当該組み換え細胞内への当該既知の化合物の取り込み量を測定する工程、

（３）試験化合物を、工程（２）で用いたと同一の化合物と共に、工程（１）で得られた組み換え細胞を含む溶液に添加し、工程（２）と同一条件下で同一時間培養後、当該組み換え細胞内への前記確認された化合物の取り込み量を測定する工程、及び

(4) 工程(3)で得られた測定値が工程(2)で得られた測定値と比較して有意な差を示した場合の試験化合物を選択する工程。

【手続補正2】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】0010

【補正方法】変更

【補正の内容】

【0010】

本発明は、有機アニオントランスポーターOAT3に関し、本発明の有機アニオントランスポーターOAT3は、異なる化学構造を持った有機アニオンに対してこれらを輸送する(取り込む能力を有する)、広い範囲の基質選択性を有するトランスポーターであるが、代表的な有機カチオンであるTEA(テトラエチルアンモニウム)を輸送しなかった。したがって、本発明の有機アニオントランスポーターOAT3は、有機アニオンに対する広い範囲の基質選択性を有するが、代表的な有機カチオンであるTEA(テトラエチルアンモニウム)に対する基質選択性は実質的に有さず、主として脳、肝臓などの器官に選択的に分布する有機アニオントランスポーターである。

本発明のタンパク質は、前記した有機アニオントランスポーターOAT3である配列番号2(ヒト)又は4(ラット)で示されたアミノ酸配列を有するもののほか、例えば、配列番号2又は4で示されたアミノ酸配列において1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換もしくは付加されたアミノ酸配列を有するものが挙げられる。

フロントページの続き

Fターム(参考) 4B024 AA20 BA80 CA04 CA09 CA11 CA20 EA04 GA11 HA01
4H045 AA10 AA11 AA20 AA30 BA10 CA40 DA75 EA20 EA50 FA74