

(19) 日本国特許庁 (J P)

(12) 特 許 公 報 (B 2)

(11) 特許番号

特許第3295399号  
(P3295399)

(45) 発行日 平成14年6月24日(2002.6.24)

(24) 登録日 平成14年4月5日(2002.4.5)

(51) Int.Cl. <sup>7</sup>	識別記号	F I
C 1 2 N 1/20	Z N A	C 1 2 N 1/20 Z N A A
		D
		F
B 0 9 B 3/00		C 0 2 F 11/02
C 0 2 F 11/02		C 0 5 F 3/00

請求項の数6(全13頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号 特願平11-288516

(22) 出願日 平成11年10月8日(1999.10.8)

(65) 公開番号 特開2001-103962(P2001-103962A)

(43) 公開日 平成13年4月17日(2001.4.17)

審査請求日 平成11年10月12日(1999.10.12)

特許法第30条第1項適用申請有り 第96回日本畜産学会  
大会講演要旨(平成11年9月20日) 社団法人日本畜産学  
会発行第104頁に発表

微生物の受託番号 F E R M P - 1 7 5 5 9

微生物の受託番号 F E R M P - 1 7 5 5 8

(73) 特許権者 501203344  
独立行政法人 農業技術研究機構  
茨城県つくば市観音台3-1-1

(73) 特許権者 599142914  
黒田 和孝  
茨城県つくば市春日1-11-4 204-814

(73) 特許権者 599142925  
花島 大  
茨城県つくば市吾妻1-17-1 404-510

(74) 代理人 100091096  
弁理士 平木 祐輔 (外2名)

審査官 田村 明照

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 堆肥化処理からのアンモニア発生を低減するアンモニウム耐性細菌

(57) 【特許請求の範囲】

【請求項1】 パチルスsp. TAT105株(FERM P-17558)及びパチルスsp. TAT112株(FERM P-17559)からなる群より選択される菌株であつて、以下の1~5の性質:

1. 高温性細菌である
2. 家畜排泄物に増殖し得る
3. アンモニウム態窒素に高い耐性を示す
4. 高いアンモニウム資化能を有する
5. 堆肥化処理においてアンモニア発生を抑制することができるを有する菌株。

【請求項2】 請求項1記載の菌株の培養物を有効成分として含む、動物排泄物の処理において使用するためのアンモニア発生抑制剤。

【請求項3】 動物排泄物に請求項1記載の菌株を混合

し、該混合物を好気条件下で処理することによりアンモニアの発生を抑制することを特徴とする、堆肥の製造方法。

【請求項4】 前記菌株を10<sup>7</sup>~10<sup>8</sup> CFU/g湿重の濃度で混合する請求項3記載の製造方法。

【請求項5】 動物排泄物に請求項1記載の菌株を作用させることを特徴とする、動物排泄物におけるアンモニアの発生を抑制する方法。

【請求項6】 前記菌株を10<sup>7</sup>~10<sup>8</sup> CFU/g湿重の濃度で作用させる請求項5記載の方法。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【発明の属する技術分野】本発明は、畜産環境対策における微生物の応用に関し、より詳細には、動物排泄物を用いる堆肥化処理においてアンモニアの発生を低減する

ことのできる微生物及び該微生物の使用方法に関する。

【0002】

【従来の技術】家畜排泄物の堆肥化処理は、該排泄物のリサイクルを図るための主要な方法であり、広く行われている。しかし、上記堆肥化処理の過程では、極めて高濃度の悪臭が発生するため、近隣住民からの苦情の対象となることが多い。特に、アンモニアは高濃度で発生し、悪臭の主成分となる。また、アンモニアが発生すると、これに伴って堆肥中の全窒素量が減少することが考えられるため、堆肥の品質にとっても、アンモニアの発生は望ましくない。

【0003】

【発明が解決しようとする課題】本発明の目的は、堆肥化処理において、悪臭の主成分であるアンモニアの発生を低減することのできる微生物及び該微生物を用いた動物排泄物の堆肥化方法を提供することにある。

【0004】

【課題を解決するための手段】本発明者らは、上記課題を解決するために鋭意検討を行った結果、*Bacillus* sp. TAT105株又はTAT112株を動物排泄物に添加して堆肥化処理を行うことにより、アンモニアの発生を低減し、悪臭の発生しない処理を行うことができることを見出し、本発明に至った。すなわち、本発明は、パチルスsp. TAT105株(FERM P-17558)及びパチルスsp. TAT112株(FERM P-17559)からなる群より選択される菌株を提供する。さらに、本発明は、上記菌株の培養物を有効成分として含む、動物排泄物の処理において使用するためのアンモニア発生抑制剤を提供する。

【0005】さらに、本発明は、動物排泄物に上記菌株を混合し、該混合物を好気条件下で処理することによりアンモニアの発生を抑制することを特徴とする、堆肥の製造方法を提供する。前記菌株は $10^7 \sim 10^8$  CFU/g湿重の濃度で混合することが好ましい。また、前記処理は、好ましくは30～65の温度範囲で行い、好ましくはpH5.7～9.0の範囲で行う。さらに、本発明は、動物排泄物に上記菌株を作用させることを特徴とする、動物排泄物におけるアンモニアの発生を抑制する方法を提供する。前記菌株は $10^7 \sim 10^8$  CFU/g湿重の濃度で作用させることが好ましい。また、前記処理は、好ましくは30～65の温度範囲で行い、好ましくはpH5.7～

9.0の範囲で行う。

【0006】なお、本明細書において使用する「CFU」という単位は、コロニー形成単位(Colony Forming Unit)を意味し、対象となる菌株が生育し得る条件下で該菌株の培養を行ったときに形成するコロニーの数を表す。上記の菌株濃度は、表3又は表9に示す組成を有する培地上において、55で2日間培養したときのコロニーの数として表されている。また、「湿重」は、上記菌株で処理しようとする動物排泄物、オガクズ等の含水混合物の全重量を意味する。

【0007】

【発明の実施の形態】以下、本発明を詳細に説明する。

1. 本発明の菌株(*Bacillus* sp. TAT105株及びTAT112株)

熟成した家畜排泄物の堆肥を分離源として、以下のよう  
な基準に基づいて微生物の分離、選抜を行った。

(i) 高温性細菌であること(すなわち、60以上において生存していること)

(ii) 家畜排泄物に増殖し得ること

(iii) アンモニウム態窒素に高い耐性を示すこと

(iv) 高いアンモニウム資化能を有すること

【0008】この結果、数株の高温性細菌が得られ、そのうち、堆肥化試験でアンモニア発生の低減が認められた菌株2株を選抜し、それぞれTAT105株及びTAT112株と命名した。すなわち、本発明の菌株は、これらの*Bacillus* sp. TAT105株及びTAT112株であり、それぞれFERM P-17558(名称:*Bacillus* sp. TAT105)及びFERM P-17559(名称:*Bacillus* sp. TAT112)として、平成11年9月17日付けで工業技術院生命工学工業技術研究所(茨城県つくば市東1丁目1番3号)に寄託されている。

【0009】選抜した2株について、表現形質の調査、及び16S rRNA遺伝子の塩基配列解析を行った。これらの16S rRNA遺伝子の塩基配列を配列番号1(TAT105株)及び配列番号2(TAT112株)に示す。さらに、これらの菌株の性状を表1に、これらの菌株の16S rRNAの塩基配列を図1～4に、パチルス・サーモスファエリクス(*Bacillus thermosphaericus*)及びパチルス・パリダス(*Bacillus pallidus*)との比較において示す。

【0010】

【表1】

表1. *Bacillus* sp. TAT105, TAT112の性状

	TAT105	TAT112	<i>B. pallidus</i>	<i>B. thermosphaericus</i>
細胞の形状	桿菌	桿菌	桿菌	桿菌
Gram染色	+	+	+	+
芽胞形成	+	+	+	+
運動性	+	+	+	+
GC含量(%)	36.6	36.9	39 - 41	36 - 37
生育温度範囲	30 - 65	30 - 65	37 - 70	33 - 64
生育pH範囲	5.7 - 9.0	5.7 - 9.0		
NaCl耐性	~11%	~11%	10%+	
NH <sub>4</sub> Cl耐性	~1.3M	~1.4M		
カタラーゼ活性	+	+	+	+
オキシダーゼ活性	+(weak)	+(weak)	+	
各種糖類からの酸生成				
アラビノース	+	+	-	-
セロビオース	+	+	-	-
フルクトース	+	+	+	-
ガラクトース	+(weak)	+(weak)	-	-
グルコース	+(weak)	+(weak)	+	-
ラクトース	+(weak)	+(weak)	-	-
マルトース	+	+	d	-
マンニトール	-	-	-	-
マンノース	-	-	-	-
ラムノース	+	+	-	-
リボース	+	+	-	-
シュークロース	+(weak)	+(weak)	+	-
トレハロース	+	+	d	-
キシロース	+	+	-	-
デンプン分解性	+(weak)	+(weak)	+(weak)	
カゼイン分解性	+	+	-	
ゼラチン分解性	+	+	-	-
尿素分解性	-	-	-	+
硫化水素生成	+	+		
インドール生成	+(weak)	+(weak)	-	-
硝酸塩還元	+	+	-	-
窒素ガス生成	-	-	-	-
クエン酸利用性	-	-	-	-
エスクリン分解性	+	+	d	+
V-P反応	+(weak)	+(weak)	-	

d: reaction differ

\*空欄はデータ無し。

【0011】その結果、該2株の遺伝子は解析した範囲でほぼ同じであり、同一種と考えられる。また、遺伝子の塩基配列に基づく解析から、系統的にバチルス・サーモスファエリクス、バチルス・パリダス等に近縁の高温性バチルス属細菌であると考えられるが、これらの既報の菌種とは16S rRNA遺伝子にある程度の差異があり、形質もかなり異なることから、該2株の菌株は新規な菌種と考えられる。さらに、これらの菌株は、アンモニウム塩に対して高い耐性を有していることを特徴とする。

【0012】2. 本発明の菌株の培養  
本発明の菌株を培養するための培地は、当業者であれば、上記表1に示す性質から適切なものを選択又は調製することができるため、特に制限されず、また、天然培地及び人工培地のいずれであってもよい。天然培地としては、豚ふん浸出液培地を用いることが好ましく、これは、例えば、豚ふんと蒸留水を重量比1:4の割合で混合し、2層のガーゼで濾過した後に、オートクレーブ

中、120℃で20分間処理することにより調製することができる。また、培地のpHは特に制限されないが、好ましくは5.7~9.0、より好ましくは約7.5に調整する。このようなpH調整は、当業者であれば適切な試薬を用いて行うことができるが、好ましくはNa<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>水溶液を用いて行う。人工培地としては、下記の表2に示す組成を有する培地を用いることが好ましい。

【0013】

【表2】

酵母エキス	5g
Na <sub>2</sub> HPO <sub>4</sub>	1g
CH <sub>3</sub> COONa	1g
NH <sub>4</sub> Cl	10.7g
MnCl <sub>2</sub>	5 μM
蒸留水	1000ml
pH	7.5

・ pH は滅菌後 2N Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> で調整

【0014】さらに、市販の培地を用いることもでき、例えば、Tryptic Soy Broth (Difco) を使用することができる。本発明の菌株の培地への接種量は、菌の培養に通常用いられる量であればよく、特に制限されない。例えば、通常の寒天培地上でリフレッシュした菌株を、1白金耳の量で接種することができる。本発明の菌株を培養する際の温度条件は、特に制限されないが、好ましくは30 ~ 65、より好ましくは約50である。培養時間についても特に制限はないが、培地を交換せずに培養を行う場合には、好ましくは12時間~24時間、より好ましくは約20時間である。必要であれば、培地を交換しながら培養を行うこともできる。

【0015】以上のようにして得られる本発明の菌株の培養物は、動物排泄物の処理の際に添加すると、該処理中におけるアンモニアの発生を抑制することができ、この意味において、上記培養物はアンモニア発生抑制剤として使用することができる。上記の動物排泄物の処理はいずれの処理であってもよく、特に制限されないが、例えば、動物排泄物の堆肥化処理、ペット動物、動物園の飼育動物又は家畜動物の糞尿の廃棄処理等が挙げられ、好ましくは動物排泄物の堆肥化処理である。

【0016】上記アンモニア発生抑制剤の菌体濃度、保存時のpH及び温度は、当業者であれば適切に設定することができるため、特に制限されない。また、上記培養物をそのままアンモニア発生抑制剤として使用してもよいが、必要に応じて、該培養物中に含まれる培地を他の液体又は固体に交換してもよい。さらに、必要に応じて、保存剤等の添加物を含んでもよい。

【0017】3. 本発明の菌株による堆肥化処理  
本発明の堆肥化処理では、動物排泄物に本発明の菌株を混合し、該混合物を通気条件下で処理する。これにより、処理中におけるアンモニアの発生を抑制することができる。上記動物排泄物は、動物の排泄物であればよく、特に制限されないが、好ましくは鳥類又は哺乳類の排泄物、より好ましくは、牛ふん、豚ふん、鶏ふんをはじめとする家畜動物の排泄物、最も好ましくは豚ふんである。上記菌株の混合量は、堆肥化処理においてアンモニアの発生を効果的に抑制できる量であればよく、特に制限されないが、好ましくは動物排泄物の湿重に対して10<sup>7</sup>~10<sup>8</sup> CFU/gの濃度となるように設定する。

【0018】また、上記菌株の他に、水分調整の目的で、必要に応じてオガクズ、籾殻、稲藁等を混合することができる。混合物の含水率は、特に制限されないが、好ましくは60重量%~70重量%、より好ましくは約65重量%とする。これらの混合量は特に制限されるものではなく、必要に応じて当業者が適宜設定することができる。なお、動物排泄物に上記菌株以外のものを混合する場合には、上記菌株の混合量は、上記菌株を除いた全混合物の湿重に対して上記の濃度となるように設定する。

【0019】上記堆肥化処理の温度条件は、上記菌株の生育温度範囲である30~65であることが好ましいが、通常の堆肥化処理においてはこの温度範囲を大幅に逸脱することはないため、特に温度調節を行う必要はない。ただし、必要に応じて、温度調節を行ってもよい。上記堆肥化処理のpH条件は、上記菌株の生育pH範囲であるpH5.7~9.0であることが好ましいが、通常の堆肥化処理においてはこのpH範囲を大幅に逸脱することはないため、特にpH調節を行う必要はない。ただし、必要に応じて、pH調節を行ってもよい。

【0020】上記堆肥化処理の期間は、動物排泄物が十分に堆肥化される期間であればよく、処理する排泄物の量、他の添加物の種類、処理の形態等によっても異なるため、特に制限されない。また、このような期間中、必要であれば、堆肥化処理混合物に含まれる菌株の動物排泄物への作用効率を上げるために、適当な時期に切り返しを行って混合してもよい。

【0021】なお、上記のような堆肥化処理以外の処理において、アンモニア発生を抑制させるために本発明の菌株培養物、すなわち本発明のアンモニア発生抑制剤を用いる場合には、上記のような方法に準じて使用することができる。具体的な手順は処理の目的によって相違するため、特に制限されないが、当業者であれば、処理の目的に応じて適切に本発明のアンモニア発生抑制剤を使用することができる。

【0022】4. 本発明の菌株によるアンモニア発生抑制効果及び該菌株の増殖の確認

本発明の堆肥化処理によるアンモニア発生抑制効果は、当業者に公知の方法を用いて、堆肥から生ずる気体に含まれるアンモニア濃度を測定することにより評価することができる。例えば、図5に示す小型堆肥化実験装置「かぐやひめ」(富士平工業)を用いて、排気経路にガス検知管、例えば北川式ガス検知管(ガステック社製)を挿入してポンプで吸引することにより、排気中のアンモニア濃度の経時変化を測定することができる。

【0023】本発明の堆肥化処理における本発明の菌株の増殖は、当業者に公知の方法を用いて、処理の前後における本発明の菌株の量を比較することにより評価することができる。例えば、本発明の菌株は高温性細菌でありかつ高濃度のアンモニウム態窒素に対する耐性を有す

るため(表1)、塩化アンモニウムを高濃度を含む寒天平板培地上で、処理の前後における堆肥の水懸濁液を高温下で培養し、生じたコロニーを計数することにより上記評価を行うことができる。このような条件下では他の菌株も増殖する可能性があるが、本菌株を添加しない対照実験を行うことにより、そのような他の菌株の影響を排除することができる。上記のような寒天平板培地は、当業者であれば適切に調製することができるため、特定のものに制限されないが、例えば、下記の表3又は表4に示す組成を有する培地を用いることができる。

【0024】

【表3】

アンモニウム耐性菌検出用培地	
豚ふん浸出液	1000ml
NH <sub>4</sub> Cl	53.5g(1mol)
寒天	40g
pH	7.5

・ pH は滅菌後 2N Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> で調整

【0025】

【表4】

アンモニウム耐性菌検出用培地	
酵母エキス	5g
Na <sub>2</sub> HPO <sub>4</sub>	1g
CH <sub>3</sub> COONa	1g
NH <sub>4</sub> Cl	53.5g
蒸留水	1000ml
寒天	40g
pH	7.5

・ pH は滅菌後 2N Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub> で調整

【0026】以上のような方法により、本発明の菌株は、堆肥化処理において旺盛に増殖することができ、さ

TAT105 を用いる堆肥化試験の設定条件

	混合量 (Kg)			装置充填量 (Kg)	通気量 (L/min)
	豚ふん	オガクズ	培養液		
菌添加区	3.0	0.62	0.1 (菌接種)	3.4	0.4
対照区	3.0	0.62	0.1 (無接種)	3.4	0.4

【0030】

【表6】

TAT112 を用いる堆肥化試験の設定条件

	混合量 (Kg)			装置充填量 (Kg)	通気量 (L/min)
	豚ふん	オガクズ	培養液		
菌添加区	3.0	0.4	0.1 (菌接種)	3.4	0.4
対照区	3.0	0.4	0.1 (無接種)	3.4	0.4

【0031】(2)アンモニア発生  
堆肥化処理中のアンモニアの発生は、次のようにしてモニタリングした。堆肥化処理を開始した後、1日1回所定の時刻に、図5の小型堆肥化実験装置のガス採取口に北川式ガス検知管(ガステック社製)を挿入し、ポンプで吸引して排気中のアンモニア濃度の経時変化を測定し

らに、アンモニアの発生を効果的に抑制することができることを確認することができる。

【0027】

【実施例】以下に実施例を挙げて、本発明をより具体的に説明する。ただし、これらの実施例は説明のためのものであり、本発明の技術的範囲を制限するものではない。

〔実施例1〕菌の培養

*Bacillus* sp. TAT105株及びTAT112株を培養するための培地として、豚ふん浸出液培地を次のようにして調製した。まず、豚ふんと蒸留水を重量比1:4の割合で混合し、懸濁状態にした。得られた懸濁液を2層のガーゼで濾過して固形物を除去した後に、濾液をオートクレーブ中で滅菌処理(120、20分間)した。滅菌済みの濾液を、Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>水溶液を用いてpH7.5に調整した。次いで、TAT105株及びTAT112株を別々に、100mlの豚ふん浸出液培地に、寒天培地上でリフレッシュした菌株を1白金耳接種し、50で20時間振とう培養した。

【0028】〔実施例2〕アンモニア発生低減効果を評価

*Bacillus* sp. TAT105株及びTAT112株のそれぞれについて、実験室規模の堆肥化試験装置を用いて堆肥化過程でのアンモニア発生低減効果を評価した。

(1)堆肥化処理

実施例1で得られた菌培養液0.1L、豚ふん3.0kgにオガクズを混合し、全体で含水率65%前後となるように調節した。この混合物3.4kgを小型堆肥化試験装置「かくやひめ」(富士平工業、図5)に充填し、定量通気を行って堆肥化処理した(TAT105株及びTAT112株について、それぞれ表5及び表6参照)。処理開始後1週間目に切り返しを行い、2週間で終了とした。

【0029】

【表5】

た。図6及び図7に、堆肥化試験装置からの排気中のアンモニア濃度の推移を示した。いずれの菌株についても、対照区に比べて菌添加区ではアンモニア濃度が低い傾向を示した。

【0032】(3)堆肥の性状

堆肥化処理の前後の試料について、重量、含水率、有機

物、全窒素及びpHを測定した。含水率は、秤量した試料を105に保った恒温器に入れ、恒量となるまで乾燥させて絶乾重量を測定することにより算出した。有機物は、絶乾重量を測定した試料を電気炉に入れ、600で1~2時間強熱した後に放冷し、減少重量を測定することにより算出した。全窒素は、ケルダール法(土壤養分分析法、第12版、養賢堂、第171頁、1991)及びブレムナーの方法(土壤養分分析法、第12版、養賢堂、第197頁、1991)により、単位量当たりの窒素含

TAT105を用いた堆肥化試験の試料の性状

		重量 (Kg)	含水率 (%)	有機物 (%乾重)	全窒素 (g)	pH
開始時	菌添加区	3.40	65.02	83.13	28.3	8.02
	対照区	3.40	65.02	83.13	28.8	7.99
終了時	菌添加区	2.90	62.88	85.78	25.3	8.78
	対照区	2.85	62.34	85.47	24.1	8.72

【0034】

【表7】

TAT112を用いた堆肥化試験の試料の性状

		重量 (Kg)	含水率 (%)	有機物 (%乾重)	全窒素 (g)	pH
開始時	菌添加区	3.40	64.4	87.34	29.3	6.90
	対照区	3.40	64.4	87.34	29.3	6.95
終了時	菌添加区	2.80	61.97	85.82	26.4	8.50
	対照区	2.77	61.83	85.56	25.2	8.40

【0035】〔実施例3〕堆肥中の高温性アンモニウム耐性細菌の菌数

TAT105株及びTAT112株は高温性細菌であり、かつアンモニウムに対して高い耐性を有していることから、高温下で高濃度のアンモニウム塩を含む培地に増殖しうる。この特性を堆肥中の添加菌の検出に利用した。まず、堆肥10gを生理食塩水90mlに懸濁させ、堆肥懸濁液を調製した。下記の表9に示す組成の培地に適宜希釈した該堆肥懸濁液を接種し、55で2日間培養後、生じたコロニーを高温性アンモニウム耐性細菌として計数した。堆肥化前の混合物についても、同様の試験を行った。その結果を図8及び図9に示した。TAT105株添加区及びTAT112株添加区ではともに、堆肥化終了時で開始時よりも菌数が増加し、かつ、対照区に比較してTAT105株添加区で約40倍、TAT112株添加区で約1000倍と顕著に高い菌数を示した。

【0036】

【表9】

アンモニウム耐性菌検出用培地

豚ふん浸出液	1000ml
NH <sub>4</sub> Cl	53.5g(1mol)
寒天	40g
pH	7.5

・ pHは滅菌後2N Na<sub>2</sub>CO<sub>3</sub>で調整

【0037】以上の結果から、TAT105株およびTAT112株が堆肥化の過程でアンモニウム態窒素を資化しつつ増殖し、その結果、アンモニアの発生が低減されたものと考えられた。

【0038】

【発明の効果】本発明に従って、堆肥化開始時にTAT105株又はTAT112株を添加することにより、アンモニアの発生を抑え、臭気の少ない堆肥化処理を行うことができる。

【0039】

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> Kunio Yokouchi, Director-general of National Institute of Animal Industry, Ministry of Agriculture, Forestry and Fisheries  
Kazutaka Kuroda  
Dai Hanajima  
Yasuyuki Fukumoto

Kiyonori Haga

<;120>; Ammonium Resistant Bacterias Which Can Suppress The Ammonia  
Generation in Composting Process

<;130>; P99-0528

<;160>; 2

<;170>; PatentIn Ver. 2.0

<;210>; 1

<;211>; 1476

<;212>; DNA

<;213>; Bacillus sp. TAT105

<;400>; 1

```

gacgacgctg gcggcgtgct aatacatgca agtcgagcgg accaatagaa aagcttgctt 60
ttcttgaggt tagcggcgga cgggtgagta acacgtgggc aacctacctg taagactggg 120
ataacttacg gaaacgtgag ctaataccgg atagtttcac ttctcgcatg agaagtgaag 180
gaaagatggc ttttagctat cacttacaga tgggcccgcg gcgcattagc tagttggtgg 240
ggtaaaggcc taccaaggcg acgatgcgta gccgacctga gagggtgatc ggccacactg 300
ggactgagac acggcccaga ctacctacggg aggcagcagc agggaaatctt ccgcaatgga 360
cгааагtctg acggagcaac gccgcgtgag cgaagaaggc cttcggatcg taaagctctg 420
ttgttaggga agaacaagta ccggagtaac tgtcggatc ttgacggtac ctaaccagaa 480
agccacggct aactacgtgc cagcagccgc ggtaatacgt aggtggcaag cgttgtccgg 540
aatcatggg cgtaaagcgc gcgcaggcgg tcctttaagt ctgatgtgaa atcttgccgc 600
tcaaccgtaa gcggtcattg gaaactgggg gacttgagtg caggagagga aagcgggaatt 660
ccatgtgtag cggtgaaatg cgtagagata tggaggaaca ccagtggcga aggcggcttt 720
ctggcctgta actgacgctg aggcgcgaaa gcgtggggag caaacaggat tagataacct 780
ggtagtccac gccgtaaacg atgagtgcta agtgttggag ggtttccgcc cttcagtgtc 840
gcagctaacg cattaagcac tccgcctggg gactacggtc gcaagactga aactcaaagg 900
aattgacggg gacccgcaca agcggtgagg catgtggttt aattcgaagc aacgcgaaga 960
accttaccag gtcttgacat ctacctgacca ccctagagat agggctttcc cttcggggac 1020
aggatgacag gtggtgcatg gttgtcgtca gctcgtgtcg tgagatgttg ggtaagtcc 1080
cgcaacgagc gcaaccttg tccttagttg ccagcattca gttgggact ctaaggagac 1140
tgccggctaa aagtcggagg aaggtaggga tgacgtcaaa tcatcatgcc ccttatgacc 1200
tgggctacac acgtgctaca atggatgta caaagggctg cgataccgag aggtggagct 1260
aatcccaaaa aaccattctc agttcggatt gcaggctgca actcgcctgc atgaagccgg 1320
aatcgctagt aatcgagat cagcatgctg cggatgaatac gttcccgggt ctgttacaca 1380
ccgcccgtca caccacgaga gtttgaaca cccgaagtcg gtgaggtaac ccttttggga 1440
gccagccgcc gaagtgggac agatgattgg ggtgaa 1476

```

<;210>; 2

<;211>; 1476

<;212>; DNA

<;213>; Bacillus sp. TAT112

<;400>; 2

```

gacgacgctg gcggcgtgct aatacatgca agtcgagcgg accaatagaa aagcttgctt 60

```

ttcttgaggt tagcggcggg cgggtgagta acacgtggc aacctacctg taagactggg 120  
 ataacttacg gaaacgtgag ctaataccgg atagtttcac ttctcgcag agaatgaag 180  
 gaaagatggc ttttagctat cacttacaga tgggcccgcg gcgcattagc tagttggtg 240  
 ggtaaaggcc taccaaggca acgatgcgta gccgacctga gaggtgatc ggccacactg 300  
 ggactgagac acggcccaga ctctacggg aggcagcagt agggatctt ccgcaatgga 360  
 cgaaagtctg acggagcaac gccgcgtgag cgaagaaggt ctctcgatcg taaagctctg 420  
 ttgttaggga agaacaagta ccggagtaac tgtcgttacc ttgacggtac ctaaccagaa 480  
 agccacggct aactacgtgc cagcagccgc ggtaatacgt aggtggcaag cgttgtccgg 540  
 aatcattggg cgtaaagcgc gcgcaggcgg tcctttaagt ctgatgtgaa atcttgccgc 600  
 tcaaccgtaa gcggtcattg gaaactgggg gacttgagtg caggagagga aagcggatt 660  
 ccatgtgtag cggtgaaatg cgtagagata tggaggaaca ccagtggcga aggcggcttt 720  
 ctggcctgta actgacgctg aggcgcgaaa gcgtggggag caaacaggat tagatacct 780  
 ggtagtccac gccgtaaagc atgagtgcta agtgttggag ggtttccgcc ctctcagtct 840  
 gcagctaacg cattaagcac tccgcctggg gactacggtc gcaagactga aactcaagg 900  
 aattgacggg gacccgcaca agcggtgagg catgtggttt aattcgaagc aacgcgaaga 960  
 acctaccag gtcttgacat ctctgacca ccctagagat agggctttcc ctctggggac 1020  
 aggatgacag gtggtgcatg gttgtcgtca gctcgtgtcg tgagatgtg ggtaaagtcc 1080  
 cgcaacgagc gcaacccttg tccttagttg ccagattca gttgggact ctaaggagac 1140  
 tgccggctaa aagtcggagg aagtgggga tgacgtcaa tcatcatgcc ccttatgacc 1200  
 tgggctacac acgtgctaca atggatgga caaaggctcg cgataccgag aggtggagct 1260  
 aatcccaaaa aaccattctc agttcggatt gcaggctgca actcgcctgc atgaagccgg 1320  
 aatcgtagt aatcgagat cagcatgctg cgggaatac gttcccggg ctgtgtacaca 1380  
 ccgcccgtca caccacgaga gtttgaaca cccgaagtcg gtgaggtaac ccttttggga 1440  
 gccagccgcc gaagtgggac agatgattgg ggtgaa 1476

【図面の簡単な説明】

【図1】本発明の菌株 (TAT105株及びTAT112株) と、バチルス・サーモスファエリクス (*Bacillus thermosphae ricus*) 及びバチルス・パリダス (*Bacillus pallidus*) との、16S rRNA塩基配列の比較図である。

【図2】本発明の菌株 (TAT105株及びTAT112株) と、バチルス・サーモスファエリクス (*Bacillus thermosphae ricus*) 及びバチルス・パリダス (*Bacillus pallidus*) との、16S rRNA塩基配列の比較図である。

【図3】本発明の菌株 (TAT105株及びTAT112株) と、バチルス・サーモスファエリクス (*Bacillus thermosphae ricus*) 及びバチルス・パリダス (*Bacillus pallidus*) との、16S rRNA塩基配列の比較図である。

【図4】本発明の菌株 (TAT105株及びTAT112株) と、バ

チルス・サーモスファエリクス (*Bacillus thermosphae ricus*) 及びバチルス・パリダス (*Bacillus pallidus*) との、16S rRNA塩基配列の比較図である。

【図5】小型堆肥化試験装置「かくやひめ」の概略図である。

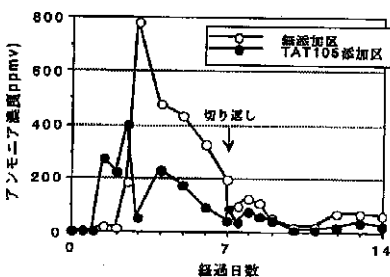
【図6】TAT105を用いて堆肥化試験を行った場合の、排気中アンモニア濃度の推移を示す図である。

【図7】TAT112を用いて堆肥化試験を行った場合の、排気中アンモニア濃度の推移を示す図である。

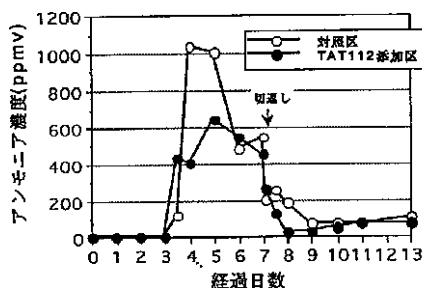
【図8】TAT105を用いて堆肥化試験を行った場合の、高温性アンモニウム耐性菌の推移を示す図である。

【図9】TAT112を用いて堆肥化試験を行った場合の、高温性アンモニウム耐性菌の推移を示す図である。

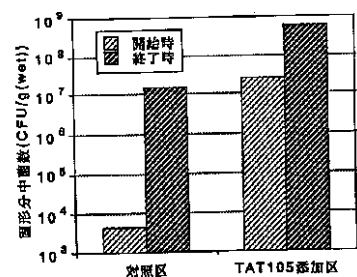
【図6】



【図7】



【図8】





【図1】

	101	201	301	401	501	601	701	801	901	1001
TAT105 16S-DNA	-----	-----	---GACG-AC	GCTGCGCGG	TG-CTAATAC	ATGCAAGTCG	ACGGACCAA	TAGAAAAG-C	TTGCTTTTCT	TGAGGTTAGC
TAT112 16S-DNA	-----	-----	---GACG-AC	GCTGCGCGG	TG-CTAATAC	ATGCAAGTCG	ACGGACCAA	TAGAAAAG-C	TTGCTTTTCT	TGAGGTTAGC
Bacillus thermosphaericus	TGGAGAGTTT	GATCTGGCT	CAGCAGCAAC	GCTGCGCGG	TGCCTAATAC	ATGCAAGTCG	ACGGACCAA	TGGA-AAGCC	TAGCTTTT-CA	TGAGGTTAGC
Bacillus pallidus	oooooooooooo	oooooooooooo	oooooooooooo	oooooooooooo	oooooooooooo	oooooooooooo	oooooooooooo	AG-GGAG-C	TTGC--TCCT	TTAGGTTAGC
	1101	1201	1301	1401	1501	1601	1701	1801	1901	2001
TAT105 16S-DNA	GGCGGACGGG	TGAGTAACAC	GTGGCAACC	T-ACCTGTAA	GACTGGGATA	ACTTACGGAA	ACGTCGAGCTA	ATACCCGGATA	GTTC-ACCT	CTCGCATGAG
TAT112 16S-DNA	GGCGGACGGG	TGAGTAACAC	GTGGCAACC	T-ACCTGTAA	GACTGGGATA	ACTTACGGAA	ACGTCGAGCTA	ATACCCGGATA	GTTC-ACCT	CTCGCATGAG
Bacillus thermosphaericus	GGCGGACGGG	TGAGTAACAC	GTGGTAACC	TGCCCTAT-A	GACTGGGATA	ACTCGGGAA	ACGCTGCTTA	ATACCCGGATA	ACA-CATCAA	AGTGCATGCT
Bacillus pallidus	GGCGGACGGG	TGAGTAACAC	GTGGCAACC	TGCCCTG-CA	GACTGGGATA	ACTTCGGGAA	ACCGGAGCTA	ATACCCGGATA	ACACCCAAA	C-CGCATG-G
	2101	2201	2301	2401	2501	2601	2701	2801	2901	3001
TAT105 16S-DNA	AAGT-GAAGG	AAAGATGGCT	TTTAGCTATC	ACTTACA-GA	TGGGCCCGCG	GCGCATTAGC	TAGTTGGTGG	GGTAAAAGCC	TACCAAAGGCG	ACGATGGCGTA
TAT112 16S-DNA	AAGT-GAAGG	AAAGATGGCT	TTTAGCTATC	ACTTACA-GA	TGGGCCCGCG	GCGCATTAGC	TAGTTGGTGG	GGTAAAAGCC	TACCAAAGGCG	ACGATGGCGTA
Bacillus thermosphaericus	TTGATG-TTG	AAAGATGG-T	TCT-GCTATC	AC-TATAGGA	TGGGCCCGCG	GCGCATTAGC	TTGTTGGTGG	GGTAAAAGCC	TACCAAAGGCG	ACGATGGCGTA
Bacillus pallidus	TTTTGGGTTG	AAAGCGGCT	TTTAGCTGTC	AC-TGCAGGA	TGGGCCCGCG	GCGCATTAGC	TAGTTGGTGA	GGTAAACGCT	CACCAAAGGCG	ACGATGGCGTA
	3101	3201	3301	3401	3501	3601	3701	3801	3901	4001
TAT105 16S-DNA	GCCGACCTGA	GAGGTGATC	GCCCACTG	GGACTGAGAC	ACGGCCACAGA	CTCCTACGGG	AGGGAGCAGT	AGGGAATCTT	CCGCAATGGA	CGAAAGTCTG
TAT112 16S-DNA	GCCGACCTGA	GAGGTGATC	GCCCACTG	GGACTGAGAC	ACGGCCACAGA	CTCCTACGGG	AGGGAGCAGT	AGGGAATCTT	CCGCAATGGA	CGAAAGTCTG
Bacillus thermosphaericus	GCCGACCTGA	GAGGTGATC	GCCCACTG	GGACTGAGAC	ACGGCCACAGA	CTCCTACGGG	AGGGAGCAGT	AGGGAATCTT	CCGCAATGGA	CGAAAGTCTG
Bacillus pallidus	GCCGACCTGA	GAGGTGATC	GCCCACTG	GGACTGAGAC	ACGGCCACAGA	CTCCTACGGG	AGGGAGCAGT	AGGGAATCTT	CCGCAATGGA	CGAAAGTCTG

【図2】

TAT105 16SrDNA	410	420	430	440	450	460	470	480	490	500
	ACGAGCAAC	GCCGGGTGAG	CGAAGAAGGT	CTTCGGATCG	TAAAGCTCTG	TTGTTAGGGA	AGACAAGTA	CCGGAGTAAC	-TGTCCGTAC	CTTGACGGTA
TAT112 16SrDNA	ACGAGCAAC	GCCGGGTGAG	CGAAGAAGGT	CTTCGGATCG	TAAAGCTCTG	TTGTTAGGGA	AGACAAGTA	CCGGAGTAAC	-TGTCCGTAC	CTTGACGGTA
Bacillus thermosphaericus	ATGAGCAAC	GCCGGGTGAG	CGAAGAAGGT	CTTCGGATCG	TAAAGCTCTG	TTGTTAGGGA	AGACAAGTA	CCGGAGTAAC	-TGTCCGTAC	CTTGACGGTA
Bacillus pallidus	ACGAGCAAC	GCCGGGTGAG	CGAAGAAGGT	CTTCGGATCG	TAAAGCTCTG	TTGTTAGGGA	AGACAAGTA	CCGGAGTAAC	-TGTCCGTAC	CTTGACGGTA
TAT105 16SrDNA	510	520	530	540	550	560	570	580	590	600
	CCTAACCCAGA	AAGCCACGGC	TAACTACGTG	CCAGCAGCCG	CGGTAATACG	TAGGTGGCAA	GCGTTGTCCG	GAATCATTTGG	GCGTAAAGCG	CGCGCAGGCG
TAT112 16SrDNA	CCTAACCCAGA	AAGCCACGGC	TAACTACGTG	CCAGCAGCCG	CGGTAATACG	TAGGTGGCAA	GCGTTGTCCG	GAATCATTTGG	GCGTAAAGCG	CGCGCAGGCG
Bacillus thermosphaericus	CCTTACTAGA	AAGCCACGGC	TAACTACGTG	CCAGCAGCCG	CGGTAATACG	TAGGTGGCAA	GCGTTGTCCG	GAATTATTGG	GCGTAAAGCG	CGCGCAGGCG
Bacillus pallidus	CCTGACGAGG	AAGCCACGGC	TAACTACGTG	CCAGCAGCCG	CGGTAATACG	TAGGTGGCAA	GCGTTGTCCG	GAATTATTGG	GCGTAAAGCG	CGCGCAGGCG
TAT105 16SrDNA	610	620	630	640	650	660	670	680	690	700
	GTCCTTTAAG	TCTGATGTGA	AATCTTCCGG	CTCAACC-GT	AAGCGGTCAAT	TGGAAACTCG	GCGACTTTGAG	TGCAGGAGAG	GAAAGCGGAA	TTCATGTGT
TAT112 16SrDNA	GTCCTTTAAG	TCTGATGTGA	AATCTTCCGG	CTCAACC-GT	AAGCGGTCAAT	TGGAAACTCG	GCGACTTTGAG	TGCAGGAGAG	GAAAGCGGAA	TTCATGTGT
Bacillus thermosphaericus	GTCCTTTAAG	TCTGATGTGA	ANGCCCGGG	CTTAAACCAGG	GAG-GGTCAAT	TGGAAACTCG	GAGACTTTGAG	TGCAGGAGAG	GAAAGCGGAA	TTCATGTGT
Bacillus pallidus	GTTCCCTTAAG	TCTGATGTGA	AATCTECCGG	CTCAACC-GC	GAGCGGCCAT	TGGAAACTCG	GGAACTTTGAG	TGCAGGAGAG	GGAAGCGGAA	TTCACATGTGT
TAT105 16SrDNA	710	720	730	740	750	760	770	780	790	800
	AGCGGTGAAA	TCCGTAGAGA	TATGGAGAA	CACCAGTGGC	GAAAGCGGCT	TTCTGGCCCTG	TAACTGACGC	TGAGGCCGGA	AAGCGTGGGG	AGCAAAACAGG
TAT112 16SrDNA	AGCGGTGAAA	TCCGTAGAGA	TATGGAGAA	CACCAGTGGC	GAAAGCGGCT	TTCTGGCCCTG	TAACTGACGC	TGAGGCCGGA	AAGCGTGGGG	AGCAAAACAGG
Bacillus thermosphaericus	AGCGGTGAAA	TCCGTAGAGA	TATGGAGAA	CACCAGTGGC	GAAAGCGGCT	TTCTGGCCCTG	TAACTGACGC	TGAGGCCGGA	AAGCGTGGGG	AGCAAAACAGG
Bacillus pallidus	AGCGGTGAAA	TCCGTAGAGA	TGTGGAGAA	CACCAGTGGC	GAAAGCGGCT	CTCTGGCCCTG	TAACTGACGC	TGAGGCCGGA	AAGCGTGGGG	AGCGAAACAGG

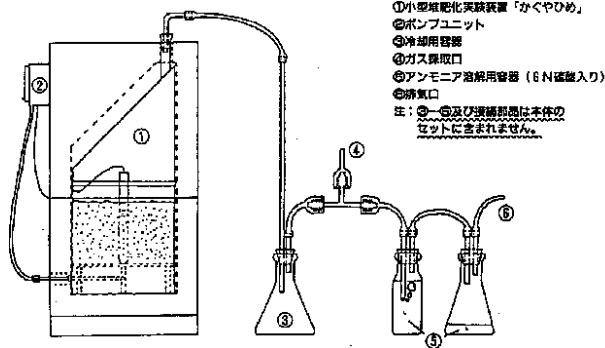
【図3】

TAT105 16S-DNA	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900
	ATTAGATACC	CTGGTAGTCC	ACGCCGTAAA	CGATGATGTC	TAAGTGTGG	AGGGTTCCG	CCCTTCAGTG	CTGCAGCTAA	CGCATTAAAC	ACTCCGCTG
TAT112 16S-DNA	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900
	ATTAGATACC	CTGGTAGTCC	ACGCCGTAAA	CGATGATGTC	TAAGTGTGG	AGGGTTCCG	CCCTTCAGTG	CTGCAGCTAA	CGCATTAAAC	ACTCCGCTG
Bacillus thermosphaericus	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900
	ATTAGATACC	CTGGTAGTCC	ACGCCGTAAA	CGATGATGTC	TAAGTGTGG	AGGGTTCCG	CCCTTCAGTG	CTGCAGCTAA	CGCATTAAAC	ACTCCGCTG
Bacillus pallidus	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900
	ATTAGATACC	CTGGTAGTCC	ACGCCGTAAA	CGATGATGTC	TAAGTGTGG	AGGGTTCCG	CCCTTCAGTG	CTGCAGCTAA	CGCATTAAAC	ACTCCGCTG
TAT105 16S-DNA	910	920	930	940	950	960	970	980	990	1000
	GGGAGTACGG	TCCCAAGACT	GAACTCAA	GGAAATTGACG	GGGACCCGCA	CAAGCCGCTGG	AGCATGTGGT	TAAATTCGAA	GCAACGCGAA	GAACCTTACC
TAT112 16S-DNA	910	920	930	940	950	960	970	980	990	1000
	GGGAGTACGG	TCCCAAGACT	GAACTCAA	GGAAATTGACG	GGGACCCGCA	CAAGCCGCTGG	AGCATGTGGT	TAAATTCGAA	GCAACGCGAA	GAACCTTACC
Bacillus thermosphaericus	910	920	930	940	950	960	970	980	990	1000
	GGGAGTACGG	TCCCAAGACT	GAACTCAA	GGAAATTGACG	GGGACCCGCA	CAAGCCGCTGG	AGCATGTGGT	TAAATTCGAA	GCAACGCGAA	GAACCTTACC
Bacillus pallidus	910	920	930	940	950	960	970	980	990	1000
	GGGAGTACGG	TCCCAAGACT	GAACTCAA	GGAAATTGACG	GGGACCCGCA	CAAGCCGCTGG	AGCATGTGGT	TAAATTCGAA	GCAACGCGAA	GAACCTTACC
TAT105 16S-DNA	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100
	AGGTCCTGAC	ATCTC-CTGA	CCACCCTAGA	GATAGGGC-T	TCCCC-TTCG	GGGACAG-GA	TGCACAGGTGG	TGCATGGTTG	TCCTCAGCTC	GTGTCGTGAG
TAT112 16S-DNA	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100
	AGGTCCTGAC	ATCTC-CTGA	CCACCCTAGA	GATAGGGC-T	TCCCC-TTCG	GGGACAG-GA	TGCACAGGTGG	TGCATGGTTG	TCCTCAGCTC	GTGTCGTGAG
Bacillus thermosphaericus	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100
	AGGTCCTGAC	ATCTC-CTGA	CCACCCTAGA	GATAGGGC-T	TCCCC-TTCG	GGGACAG-GA	TGCACAGGTGG	TGCATGGTTG	TCCTCAGCTC	GTGTCGTGAG
Bacillus pallidus	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100
	AGGTCCTGAC	ATCTC-CTGA	CCACCCTAGA	GATAGGGC-T	TCCCC-TTCG	GGGACAG-GA	TGCACAGGTGG	TGCATGGTTG	TCCTCAGCTC	GTGTCGTGAG
TAT105 16S-DNA	1110	1120	1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190	1200
	ATGTTGGGTT	AAGTCCCGCA	ACGAGCGCAA	CCCTTGCTCT	TAGTTGECAG	CATTGAGTTG	GGCACTCTAA	GGAGACTGCC	GGCTA-AAAG	TCCGGAGGAAG
TAT112 16S-DNA	1110	1120	1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190	1200
	ATGTTGGGTT	AAGTCCCGCA	ACGAGCGCAA	CCCTTGCTCT	TAGTTGECAG	CATTGAGTTG	GGCACTCTAA	GGAGACTGCC	GGCTA-AAAG	TCCGGAGGAAG
Bacillus thermosphaericus	1110	1120	1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190	1200
	ATGTTGGGTT	AAGTCCCGCA	ACGAGCGCAA	CCCTTGCTCT	TAGTTGECAG	CATTGAGTTG	GGCACTCTAA	GGAGACTGCC	GGCTA-AAAG	TCCGGAGGAAG
Bacillus pallidus	1110	1120	1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190	1200
	ATGTTGGGTT	AAGTCCCGCA	ACGAGCGCAA	CCCTTGCTCT	TAGTTGECAG	CATTGAGTTG	GGCACTCTAA	GGAGACTGCC	GGCTA-AAAG	TCCGGAGGAAG

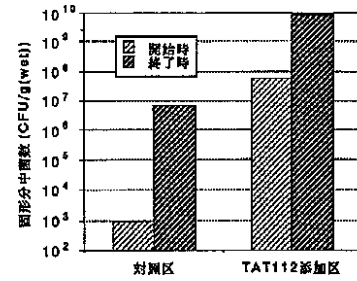
【図4】

TAT105 16S-rDNA	12101	12201	12301	12401	12501	12601	12701	12801	12901	13001
	GTGGGGATGA	CGTCAAATCA	TCATGCCCT	TATGACCTGG	GCTACACAG	TGCTACAATG	GATGGTACAA	AGGCTGCGA	TACCCGGAGG	TGGAGCTAAT
TAT112 16S-rDNA	GTGGGGATGA	CGTCAAATCA	TCATGCCCT	TATGACCTGG	GCTACACAG	TGCTACAATG	GATGGTACAA	AGGCTGCGA	TACCCGGAGG	TGGAGCTAAT
Bacillus thermo-sphaericus	GTGGGGATGA	CGTCAAATCA	TCATGCCCT	TATGACCTGG	GCTACACAG	TGCTACAATG	GATGGTACAA	AGGCTGCGA	TACCCGGAGG	TGGAGCTAAT
Bacillus pallidus	GTGGGGATGA	CGTCAAATCA	TCATGCCCT	TATGACCTGG	GCTACACAG	TGCTACAATG	GATGGTACAA	AGGCTGCGA	TACCCGGAGG	TGGAGCTAAT
TAT105 16S-rDNA	13101	13201	13301	13401	13501	13601	13701	13801	13901	14001
	CCCAAAAAC	CATTCTCACT	TGGGATTGCA	GGCTGCAACT	CGCTGCATG	AAGCCGGAAT	CGCTAGTAAT	CGCAGATCAG	CATGCTGCCG	TGAATACGTT
TAT112 16S-rDNA	CCCAAAAAC	CATTCTCACT	TGGGATTGCA	GGCTGCAACT	CGCTGCATG	AAGCCGGAAT	CGCTAGTAAT	CGCAGATCAG	CATGCTGCCG	TGAATACGTT
Bacillus thermo-sphaericus	CCCAAAAAC	CATTCTCACT	TGGGATTGCA	GGCTGCAACT	CGCTGCATG	AAGCCGGAAT	CGCTAGTAAT	CGCAGATCAG	CATGCTGCCG	TGAATACGTT
Bacillus pallidus	CCCAAAAAC	CATTCTCACT	TGGGATTGCA	GGCTGCAACT	CGCTGCATG	AAGCCGGAAT	CGCTAGTAAT	CGCAGATCAG	CATGCTGCCG	TGAATACGTT
TAT105 16S-rDNA	14101	14201	14301	14401	14501	14601	14701	14801	14901	15001
	CCCAGGCTCT	GTACACACCG	CCCCTCACAC	CACGAGATT	TGTAAACCC	GAAGTCGGTG	AGGTAACCCCT	TTTGGGAGCC	AGCCGCCGAA	-GTGGGACAG
TAT112 16S-rDNA	CCCAGGCTCT	GTACACACCG	CCCCTCACAC	CACGAGATT	TGTAAACCC	GAAGTCGGTG	AGGTAACCCCT	TTTGGGAGCC	AGCCGCCGAA	-GTGGGACAG
Bacillus thermo-sphaericus	CCCAGGCTCT	GTACACACCG	CCCCTCACAC	CACGAGATT	TGTAAACCC	GAAGTCGGTG	AGGTAACCCCT	TTTGGGAGCC	AGCCGCCGAA	-GTGGGACAG
Bacillus pallidus	CCCAGGCTCT	GTACACACCG	CCCCTCACAC	CACGAGATT	TGTAAACCC	GAAGTCGGTG	AGGTAACCCCT	TTTGGGAGCC	AGCCGCCGAA	-GTGGGACAG
TAT105 16S-rDNA	15101	15201	15301	15401	15501	15601				
	ATGATTGGGG	TGAA-----	-----	-----	-----	-----				
TAT112 16S-rDNA	ATGATTGGGG	TGAA-----	-----	-----	-----	-----				
Bacillus thermo-sphaericus	ATGATTGGGG	TGAAAGTCGTA	ACAAGGTAGC	CGTATCGGAA	GGTGGGCTG	GATCACCTCC	TT			
Bacillus pallidus	ATGATTGGGG	TGAAAGTCGTA	ACAAGGTAGC	CGTATCGGAA	GGTGGGCTG	GATCACCTCC	TT			

【図5】



【図9】



フロントページの続き

(51) Int.Cl.7

C 0 5 F 3/00  
11/08

識別記号

F I

C 0 5 F 11/08  
B 0 9 B 3/00

Z A B A

(73)特許権者 599142936  
福本 泰之  
茨城県つくば市吾妻 1 - 1 - 1 603 -  
219

(72)発明者 羽賀 清典  
茨城県つくば市吾妻 3 - 19 - 2 921号  
棟

(73)特許権者 599142947  
羽賀 清典  
茨城県つくば市吾妻 3 - 19 - 2 921号  
棟

(56)参考文献 低コスト環境保全的畜産のための糞尿  
の脱臭・利用技術の開発, 鹿児島県畜産  
試験場成績概要書, 日本, V o l .  
1995, p . 11 - 12

(72)発明者 黒田 和孝  
茨城県つくば市春日 1 - 11 - 4 204 -  
814

久保田豊秋, B S K 菌によるトイレの  
脱臭効果, ビルメンテナンス, 日本, V  
o l . 31, N o . 4, p . 38 - 43

(72)発明者 花島 大  
茨城県つくば市吾妻 1 - 17 - 1 404 -  
510

(58)調査した分野(Int.Cl.7, D B名)

(72)発明者 福本 泰之  
茨城県つくば市吾妻 1 - 1 - 1 603 -  
219

C12N 1/20  
B09B 3/00  
C05F 11/08  
C05F 3/00  
B I O S I S ( D I A L O G )  
W P I ( D I A L O G )  
J I C S T ファイル ( J O I S )