

機能性 RNA による代謝調節の分子基盤の解析

稲田 利文

名古屋大学大学院理学研究科

1. 研究のねらい

1. 代謝ストレスに応答した遺伝子発現制御と新規機能性RNAの探索

私は、環境応答の代表例である大腸菌グルコース効果の分子機構の解析を行い、以下を明らかにした。1) 一般的に受け入れられているcAMPによる制御ではなく、グルコースによる他の糖の輸送障害がグルコース応答の主因である。2) 解糖系中間産物の蓄積という代謝ストレスに応答して機能性RNAが発現し、グルコーストランスポーターの発現が転写後段階で抑制される。本研究では、この研究を真核生物で発展させ、解糖系中間産物の蓄積という代謝ストレスに応答した遺伝子発現、特に機能性RNAを介した翻訳制御について明らかにすることを目標とした。具体的には、申請者が開発した迅速なポリソーム解析法を中心に、解糖系代謝遺伝子の欠損変異株における代謝遺伝子の発現を、翻訳段階での制御を中心に解析し、代謝産物の変化情報に基づく新たな細胞機能の解明を目指した。近年、代謝産物がRNAに直接結合して構造を変化させ、翻訳段階で遺伝子を制御することが原核生物で明らかになり、リボスイッチという概念が提唱されている。リボスイッチは主にシス因子として機能し、代謝産物への結合を介して下流の遺伝子の翻訳開始効率を制御している。真核生物には同様のRNA分子は同定されていなかったため、本研究により特定の代謝産物結合する真核生物におけるリボスイッチが明らかになることが期待された。

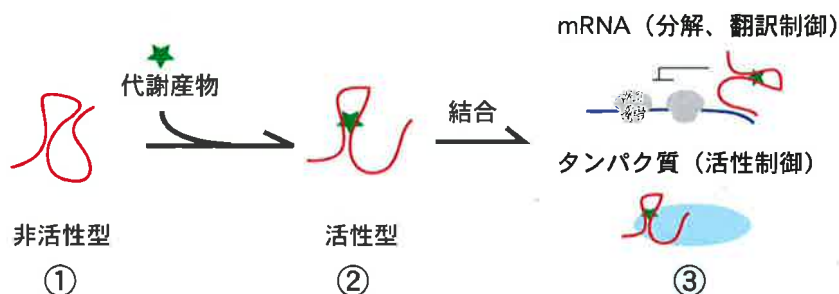


図1 真核生物におけるリボスイッチの概念図

非活性型の機能性 RNA①が代謝産物と結合し、活性化型の構造②に変換する。活性型 RNA が標的 mRNA の 3' UTR と相補対を形成し、翻訳が抑制される (③)。またはタンパク質に結合して、活性を制御する。

2. 遺伝子発現の正確性を保証する品質管理機構の解析

遺伝情報の担い手である mRNA 自身が正確に合成され、正しく局在し制御を受けることは、生命現象の基礎であり極めて重要である。一方 DNA 変異等に起因する異常 mRNA は、生命活動を担うタンパク質の発現量や活性の低下を介して、様々な悪影響を細胞にもたらす可能性がある。最も劇的なアミノ酸配列の変化を引き起こす変異は、塩基の欠失や挿入による読み枠のずれ (フレームシフト変異) であり、かつ多くの場合には正常な位置より上流で翻訳が終結する。また、強制的に翻訳を終結させるナンセンス変異や終止コドンを失った場合にも、異常な長さのタンパク質が発現される。これらの変異の結果として共通する性質は、終止コドンの位置の異常による翻訳終結の異常であり、その遺伝子産物が発現した場合には正常なタンパク質の活性を阻害する可能性がある。しかしながら、細胞の持つ品質管理機構によって異常タンパク質の発現が強く抑制され、細胞は生存可能となる。ナンセンス変異を持った mRNA は、NMD (nonsense-mediated decay; ナンセンス変異依存分解系) と呼ばれる特異的分解系によって速やかに分解される。

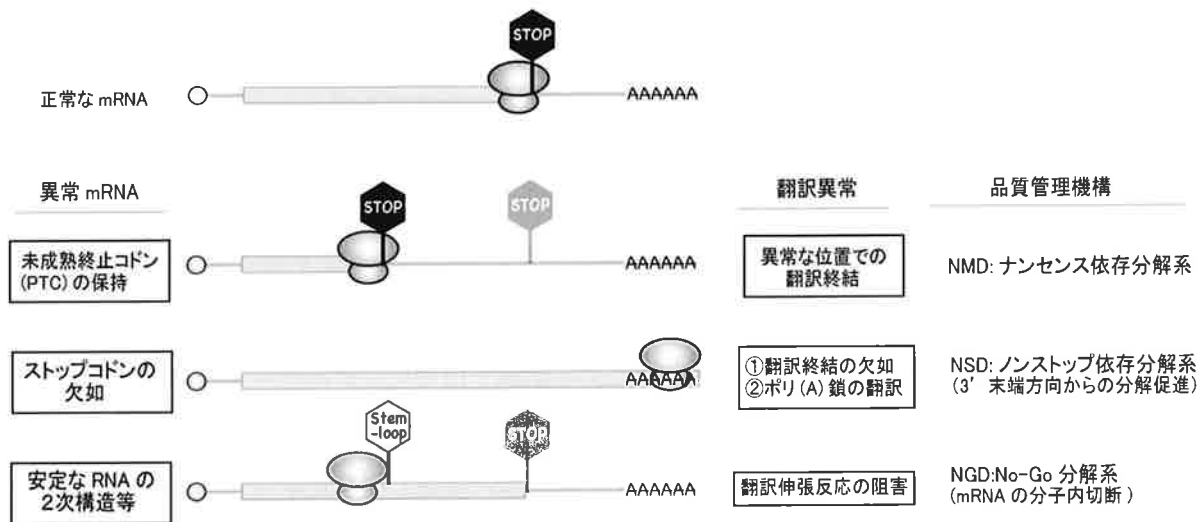


図2 真核生物における mRNA 品質管理機構

ナンセンス変異を持った mRNA は、NMD (nonsense-mediated decay; ナンセンス変異依存分解系) と呼ばれる特異的分解系によって速やかに分解される。また終止コドンを持たない異常 mRNA は、NSD (nonstop decay; ノンストップ分解系) によって分解される。また翻訳伸長阻害に伴って mRNA の分子内切断 NGD (No-Go Decay) が引き起こされる。

終止コドンの位置が異常である mRNA として、最も極端なケースは終止コドン自体を含まない mRNA である。最近真核生物におけるノンストップ mRNA 特異的な分解系 NSD (nonstop decay; ノンストップ分解系) が発見された。申請者は、ノンストップ mRNA の翻訳と分解について解析し、ノンストップ mRNA 由来の翻訳産物が非常に低いレベルに抑制されることを最近明らかにした。また、リボソームの動態を解析することにより、リボソームが mRNA の 3' 端で停滞する結果、ノンストップ mRNA の翻訳効率が顕著に低下することを明らかにした。この品質管理機構における翻訳開始以降の段階での新たな制御機構の分子メカニズムを明らかにすることを目標に解析を行った。

2. 研究成果

1. 代謝ストレスに応答した遺伝子発現制御と新規機能性 RNA の探索

解糖系遺伝子を始めとする多数の代謝系変異株の作成ならびに確認と、アレイを用いた網羅的な翻訳効率の解析条件を確立した。アレイによって候補として挙げられた遺伝子について、網羅的なポリソーム解析を行い、ポリソーム中の mRNA の分布が変化するかについての解析を行い、候補遺伝子を探索した。代謝遺伝子欠損変異株における遺伝子発現制御については、翻訳制御に関する新たな知見は得られなかったため、mRNA 品質管理機構等の発現制御機構と解糖系などの代謝経路との関係の解明が今後の課題である。

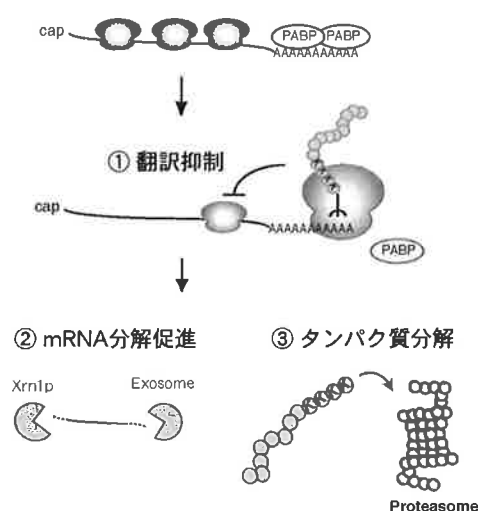
2. 遺伝子発現の正確性を保証する品質管理機構の解析

現在明らかになっている mRNA 品質管理機構は、リボソームによって翻訳終結の異常を認識し、mRNA の分解を促進する機構である。例えば、ナンセンス変異を持った mRNA は、NMD (nonsense-mediated decay; ナンセンス変異依存分解系) と呼ばれる特異的分解系によって速やかに分解される。また終止コドンを持たない異常 mRNA は、NSD (nonstop decay; ノンストップ分解系) によって分解される。また翻訳伸長阻害に伴って mRNA の分子内切断が引き起こされる。しかしながら、細胞内に存在する様々な異常 mRNA 由来の遺伝子産物の発現の抑制機構の全体像は明らかでない。特に、異常な mRNA の翻訳抑制機構や異常タンパク質の安定性制御の役割は全く明らかでなかった。私は、遺伝子発現の正確性を保証する品質管理機構の全体像を明らかにする目的で、代表的な異常 mRNA であるノンストップ mRNA とナンセンス変異をもつ mRNA における翻訳抑制

と異常タンパク質分解機構についても解析を行った。

【結果】

ノンストップ mRNA における翻訳抑制と異常タンパク質分解機構について解析を行った結果、通常翻訳されないポリ(A)鎖が翻訳され、1) 合成中のポリリジンとリボソームとの相互作用による翻訳アレスト(一時停止)と、2) プロテアソームによる異常タンパク質の速やかな分解、を見いだした(論文2)。この結果は、ポリ(A)鎖の翻訳自体が、多段階での発現抑制機構を作動させ、品質管理機構において必須な役割を果たすことを初めて明確に示し、真核生物の mRNA の普遍的な修飾であるポリ(A)鎖が、翻訳開始と mRNA 安定性制御に加えて、品質管理機構にも重要な役割を果たすことを世界に先駆けて明らかにした。



ノンストップ mRNA 品質管理機構におけるポリ(A)鎖の新たな役割

【研究の意義と波及効果】

(1) ポリ(A)鎖の新しい役割の発見

ポリ(A)鎖は真核生物の mRNA の普遍的な修飾であり、ポリ(A)結合因子(PABP)を介して、1) 翻訳開始の促進と、2) mRNA 安定化に極めて重要な役割を果たすことは広く知られている。この研究により、正常な mRNA では決して翻訳されることがないポリ(A)鎖が、終止コドンを持たない異常 mRNA のみで翻訳されることで、翻訳伸張阻害とタンパク質の分解が起こり、ポリ(A)鎖の翻訳自体が発現抑制を引き起こす品質管理機構として働くことが明確に示された。ポリ(A)鎖の新しい機能を明らかにした点で、独創性の高い研究であると考えられる。

(2) 品質管理機構の新しい機構の発見

遺伝子発現の正確性を保証する mRNA 品質管理機構の解析は、世界的にも mRNA 分解のみが解析されてきた。異常タンパク質の認識と分解機構の解明を目的とした本研究は、mRNA 品質管理機構に全く新しい視点をもたらした。さらに翻訳中の遺伝子産物の異常を認識し、積極的に分解する機構の分子実体が明らかになったことは、品質管理機構にとどまらず、遺伝子発現制御機構全体の理解に大きな影響を与えたものと考えられる。

(3) 新生ポリペプチド鎖による翻訳伸長制御の普遍性

さらにポリ(A)鎖由来の連続したリジン残基のみでなく連続したアルギニン残基によっても翻訳アレストが引き起こされることが明らかとなり、塩基性新生ポリペプチド鎖の持つ正の電荷とリボソームトンネルを形成するリボソーマル RNA の負の電荷の間の静電的相互作用による翻訳抑制機構が示唆された。以上の結果は、限定された例のみが報告されている合成途中の新生ポリペプチド鎖とリボソームトンネル(合成途中の新生ポリペプチド鎖が通るリボソーム中のトンネル)との相互作用による翻訳制御が普遍的であることを強く示唆する点で、遺伝子発現制御研究全体に大きな影響を与えるものと考える。

3. 主な発表

論文

- (1) Nukazuka, A. Fujisawa, H. **Inada, T.** Oda, Y. Takagi, S. Semaphorin controls epidermal morphogenesis by stimulating mRNA translation via eIF2 α in *Caenorhabditis elegans*. *Genes Dev.* **22**: 1025-1036. (2008)
- (2) Ito-Harashima, S., Kuroha, K., Tatematsu, T. and ***Inada, T.** Translation of poly(A) tail plays crucial roles in nonstop mRNA surveillance via translation repression and protein destabilization by proteasome in yeast. *Genes Dev.* **21**: 519-524. (2007)

招待講演

- ・ Toshifumi Inada 「Novel roles of a poly(A) tail in nonstop mRNA surveillance system」 RNA2006Izu 平成18年12月
- ・ 稲田利文 「mRNA 品質管理と翻訳制御」 日本分子生物学会シンポジウム 平成18年12月
- ・ 稲田利文 「mRNA 品質管理と疾患」 Wako ワークショップ 平成19年11月
- ・ 稲田利文 「遺伝子発現の正解性を保証する mRNA 品質管理機構」 酵母合同シンポジウム 2008 酵母の挑戦 平成20年6月