

(12) 特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局

(43) 国際公開日
2013年6月20日(20.06.2013)



(10) 国際公開番号
WO 2013/088920 A1

- (51) 国際特許分類:
C12N 1/19 (2006.01) C07K 14/39 (2006.01)
A21D 2/08 (2006.01) C12N 15/09 (2006.01)
A21D 8/04 (2006.01) C12Q 1/02 (2006.01)
A21D 13/00 (2006.01)
- (21) 国際出願番号: PCT/JP2012/080058
- (22) 国際出願日: 2012年11月20日(20.11.2012)
- (25) 国際出願の言語: 日本語
- (26) 国際公開の言語: 日本語
- (30) 優先権データ:
特願 2011-274519 2011年12月15日(15.12.2011) JP
- (71) 出願人: 国立大学法人 奈良先端科学技術大学院大学(NATIONAL UNIVERSITY CORPORATION NARA INSTITUTE OF SCIENCE AND TECHNOLOGY) [JP/JP]; 〒6300192 奈良県生駒市高山町 8 9 1 6 - 5 Nara (JP).
- (72) 発明者: 高木 博史(TAKAGI, Hiroshi); 〒6300192 奈良県生駒市高山町 8 9 1 6 - 5 国立大学法人奈良先端科学技術大学院大学内 Nara (JP). 笹野 佑(SASANO, Yu); 〒6300192 奈良県生駒市高山町 8 9 1 6 - 5 国立大学法人奈良先端科学技術大学院大学内 Nara (JP). 島 純(SHIMA, Jun); 〒6068502 京都府京都市左京区北白川追分町 国立大学法人京都大学内 Kyoto (JP). 灰谷 豊(HAITANI, Yutaka); 〒6068502 京都府京都市左京区北白川追分町 国立大学法人京都大学内 Kyoto (JP).
- (74) 代理人: 鮫島 睦, 外(SAMEJIMA, Mutsumi et al.); 〒5400001 大阪府大阪市中央区城見 1 丁目 3 番 7 号 I M P ビル 青山特許事務所 Osaka (JP).
- (81) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の国内保護が可能): AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KM, KN, KP, KR, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SM, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, ZA, ZM, ZW.
- (84) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の広域保護が可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LR, LS, MW, MZ, NA, RW, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, RS, SE, SI, SK, SM, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:

- 国際調査報告 (条約第 21 条(3))
- 明細書の別個の部分として表した配列リスト (規則 5.2(a))

(54) Title: YEAST HAVING FREEZING STRESS RESISTANCE

(54) 発明の名称: 冷凍ストレス耐性を有する酵母

(57) Abstract: Provided are the following: a yeast the freezing stress resistance of which is increased and which is characterized in that the POG1 gene is inactivated; a method for producing such a yeast; and a method for using the yeast in the production of a food product.

(57) 要約: POG1 遺伝子が不活性化されていることを特徴とする、冷凍ストレス耐性が増強された酵母、および、そのような酵母を生産する方法、さらに該酵母の食品製造への利用方法を提供する。



WO 2013/088920 A1

明 細 書

発明の名称： 冷凍ストレス耐性を有する酵母

技術分野

[0001] 本発明は、酵母育種の分野に関する。さらに、本発明は、冷凍ストレスに対する耐性の高いパン酵母、該酵母の製造方法、該酵母を用いるパン生地、パン等の製造方法、ならびに、これら製造方法によって生産された製品に関する。

背景技術

[0002] パンは、その製品の製造過程でパン酵母の発酵による生地膨張を行う必要があるが、一定した品質のパンを提供するためには、パン酵母、サッカロミセス・セレビシエ(*Saccharomyces cerevisiae*)の発酵の綿密な制御が必要となる。パン酵母細胞は、製パン過程において、凍結、乾燥、高温、および高浸透圧などの多くの環境ストレスに曝されており、(非特許文献1)、これらの環境ストレスは、酵母の発酵力の低下をもたらす。このため、環境ストレスに対する高度な耐性を有する酵母株の作出技術の確立が望まれており、近年、冷凍生地製パン法が急速に普及したことから、該方法で付加される冷凍ストレスに対する耐性を有する酵母株の作出が、特に望まれている。

[0003] 製パン業界及びイースト製造業界では、製パン時にパン酵母に負荷され発酵を制限する環境ストレスに対する取り組みを行っており、その多くは、これら環境ストレスに対する耐性を有するパン酵母の作出によって問題解決を試みている。

[0004] 一方、ストレス耐性機構に対する知見の蓄積に伴い、耐性関連遺伝子を改変することにより耐性を増強する試みもなされている。

例えば、アミノ酸の1つであるプロリンは、冷凍や乾燥・酸化等のストレスから酵母を防御する性質を有し(特許文献1)、変異型の γ -グルタミルキナーゼをコードするPRO1遺伝子を発現し、プロリンオキシダーゼをコードするPUT1遺伝子の破壊株が細胞にプロリンを蓄積することでエタノー

ル耐性となることが知られている（特許文献2）。

また、N-アセチルトランスフェラーゼMpr1は、酵母を、熱ショック、過酸化水素処理、エタノール、および低温などの酸化ストレスから防御し（非特許文献2から4）、変異型Mpr1を効率よく発現した酵母が乾燥、高温に対する耐性を有することが知られている（特許文献3）。

その他にも、CBS2遺伝子の欠損により、乾燥ストレス感受性になること（非特許文献5）、DBF2遺伝子の破壊により、ソルビトールストレス高感受性になること（非特許文献6）、芳香族アミノ酸合成関連の遺伝子（ARO1など）の破壊株で高シヨ糖ストレス耐性が著しく損なわれ、BUD23、GON7、SPT20の遺伝子破壊株が高シヨ糖ストレスに高い感受性を示すこと（非特許文献7）、リン酸タンパク質の脱リン酸化を基質とするホスファターゼをコードするOCA1遺伝子またはOCA2遺伝子、あるいはALD2遺伝子の破壊株では高シヨ糖ストレス耐性が高まること（特許文献4）等が知られている。

冷凍ストレス耐性に関しては、酸性トレハラーゼをコードするATH1遺伝子の破壊株で冷凍生地ストレス耐性及び高シヨ糖ストレス耐性が高まること（特許文献5）、アルギナーゼをコードするCAR1遺伝子の破壊株で、細胞内に極性の高いアミノ酸が著量蓄積され、冷凍ストレス耐性が高まること（特許文献6）、PMR1遺伝子またはSNF5遺伝子の破壊株で冷凍ストレス耐性が損なわれること（非特許文献8）等が知られている。

先行技術文献

特許文献

- [0005] 特許文献1：特開平9-234058号公報
- 特許文献2：特開2006-67806号公報
- 特許文献3：特開2010-183887号公報
- 特許文献4：特開2008-148688号公報
- 特許文献5：特開平11-169180号公報
- 特許文献6：特開2001-238665号公報

非特許文献

- [0006] 非特許文献1 : Attfield, Nat. Biotechnol. 15:1351-1357 (1997)
- 非特許文献2 : Du and Takagi, Appl. Microbiol. Biotechnol. 75:1343-1351 (2007)
- 非特許文献3 : Du and Takagi, J. Biochem. 138:391-397 (2005)
- 非特許文献4 : Nomura and Takagi, Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A. 101:12616-12621 (2004)
- 非特許文献5 : Shima et al., Yeast(2008)25:179-190)
- 非特許文献6 : Makrantonis et al., Microbiology 153:4016-4026 (2007)
- 非特許文献7 : Ando et al., FEMS Yeast Res 6:249-267 (2006)
- 非特許文献8 : Ando et al., FEMS Yeast Res 7:244-253 (2007)

発明の開示

発明が解決しようとする課題

- [0007] しかしながら、ストレス耐性を有するパン酵母の探索はいまだ十分とはいえない。このためにストレス耐性に関与する遺伝子を見出し、より高いストレス耐性を有する酵母または、そのような酵母の育種法の開発が強く求められている。
- [0008] 本発明は、上記問題点に鑑みてなされたものであり、その目的は、冷凍生地製パン法などにおける酵母発酵の環境ストレスである冷凍環境においても十分に発酵力を維持できる酵母、すなわち、十分に高い冷凍ストレス耐性を有する酵母を提供すること、および、そのような酵母の育種法を提供すること、さらに、そのような酵母を用いるパン生地、パンの製造方法を提供することにある。

課題を解決するための手段

- [0009] 本発明者らは、POG1遺伝子に着目した。POG1遺伝子の過剰発現株は塩化リチウム耐性の表現型を示すことが実験室酵母株で知られている (Demae et al., FEMS Microbiol. Lett., 277, 70-78 (2007))。本発明者らは、

酵母において P O G 1 遺伝子を不活性化することによって酵母の冷凍ストレス耐性を増強できることを見出し、本発明を完成させるに至った。すなわち本発明は以下の構成からなるものである。

- [0010] (1) P O G 1 遺伝子が不活性化されていることを特徴とする、冷凍ストレス耐性が増強された酵母。
- (2) P O G 1 遺伝子が以下のいずれかのポリヌクレオチドからなる、上記(1)に記載の酵母：
- (a) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド；
- (b) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列と 80%以上の相同性を有するタンパク質をコードするポリヌクレオチド；
- (c) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列において 1 又は数个以上のアミノ酸残基が欠失、置換、挿入及び／または付加されたアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするポリヌクレオチド；
- (d) 配列番号 2 に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド；
- (e) 上記 (a) ～ (d) のいずれかのポリヌクレオチドと相補的な塩基配列からなるポリヌクレオチドとストリンジентな条件でハイブリダイズするポリヌクレオチド。
- (3) 前記酵母はパン酵母である、上記 (1) ～ (2) のいずれかに記載の酵母。
- (4) 上記 (1) ～ (3) のいずれかに記載の酵母を用いる、パン生地の製造方法。
- (5) 上記 (1) ～ (3) のいずれかに記載の酵母を用いる、パンの製造方法。
- (6) P O G 1 遺伝子を不活性化する工程を含む冷凍ストレス耐性が増強された酵母の作製方法。
- (7) P O G 1 遺伝子が以下のいずれかのポリヌクレオチドからなる、上記(6)に記載の方法：
- (a) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド；

(b) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列と 80%以上の相同性を有するタンパク質をコードするポリヌクレオチド；

(c) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列において 1 又は数個以上のアミノ酸残基が欠失、置換、挿入及び／または付加されたアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするポリヌクレオチド；

(d) 配列番号 2 に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド；

(e) 上記 (a) ～ (d) のいずれかのポリヌクレオチドと相補的な塩基配列からなるポリヌクレオチドとストリンジントな条件でハイブリダイズするポリヌクレオチド。

(8) 上記 (6) または (7) に記載の方法であって、さらに、POG1 遺伝子を不活性化した酵母と POG1 遺伝子を不活性化していない酵母とを冷凍ストレス耐性について比較する工程、を包含する方法。

(9) 上記 (8) に記載の方法であって、さらに、冷凍ストレス耐性の向上した酵母を選択する工程、を包含する方法。

発明の効果

[0011] 本発明により、冷凍ストレスに対しより耐性を有する酵母株を容易に得ることができる。さらに、本発明によって、所定の酵母株を簡便に冷凍ストレス耐性株とすることも可能である。このため本発明の酵母は、冷凍パン生地などの製造に好適である。

図面の簡単な説明

[0012] [図1]図 1 は、POG1 遺伝子破壊株の作製法を示す図である。

[図2]図 2 は、POG1 遺伝子破壊株作製を確認する実験結果を示す図である。

[図3]図 3 は、非ストレス条件およびストレス条件における発酵力を比較した結果を示す図である。a)は非ストレス、b)は冷凍ストレス後 1 週間後に解凍、c)は冷凍ストレス後 3 週間後に解凍の条件での発酵時間当たりの炭酸ガス

発生量(mL)を示す。Wildは野生株、POG1はPOG1遺伝子高発現株、 $\Delta p o g 1$ はPOG1遺伝子破壊株を示す。

[図4]図4は、ストレス条件における発酵力を比較した結果を示す図である。野生株(Wild)の非ストレス条件下での炭酸ガス発生量に対する冷凍ストレス条件下の炭酸ガス発生量の割合を100とし、POG1遺伝子高発現株(POG1)およびPOG1遺伝子破壊株($\Delta p o g 1$)の冷凍ストレス前後での炭酸ガス発生量の変化の割合との相対比較を示す。a)は冷凍ストレス後1週間後に解凍、b)は冷凍ストレス後3週間後に解凍の条件での結果である。

発明を実施するための形態

[0013] 本発明の実施形態について、以下に詳細に説明する。なお、本明細書中に記載された学術文献及び特許文献の全てが、本明細書中において参考として援用される。本明細書において特記しない限り、数値範囲を示す「A～B」は、「A以上B以下」を意味する。

[0014] また、本明細書中で使用される場合、塩基およびアミノ酸の表記は、適宜IUPACおよびIUBの定める1文字表記または3文字表記を使用する。本明細書において使用される場合、用語「タンパク質」は、「ペプチド」または「ポリペプチド」と交換可能に使用される。また、用語「ポリヌクレオチド」は、「遺伝子」、「核酸」又は「核酸分子」と交換可能に使用され、ヌクレオチドの重合体が意図される。ここで、遺伝子は、DNAの形態(例えば、cDNAもしくはゲノムDNA)、又はRNA(例えば、mRNA)の形態で存在し得る。DNA又はRNAは、二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。一本鎖DNA又はRNAは、コード鎖(センス鎖)であっても、非コード鎖(アンチセンス鎖)であってもよい。また、遺伝子は化学的に合成してもよく、コードするタンパク質の発現が向上するように、コドンユーザーページ(Codon usage)を変更してもよい。勿論、同じアミノ酸をコードするコドン同士であれば置換することも可能である。また、遺伝子は、タンパク質をコードするものであれば、遺伝暗号の縮重に基づく任意の塩基配列を

有するDNAが含まれる。

[0015] <1. 用語の定義>

以下に本明細書において特に使用される用語の定義を列挙する。

本明細書において「酵母」とは、大部分の生活環を単細胞で経過する菌類をいう。代表的な酵母としては、*Saccharomyces*属、*Schizosaccharomyces*属に属する酵母、特に*Saccharomyces cerevisiae*、*Saccharomyces ludwigii*、および*Schizosaccharomyces pombe*が挙げられる。

[0016] 本明細書において「パン酵母」とは、パンの製造に使用される、*Saccharomyces cerevisiae*に属し、パンの製造に使用される酵母をいう。

[0017] 本明細書において使用する場合、用語「シヨ糖濃度 (%)」とは、特に単位を記載しない限り、発酵する材料中の小麦粉に対するシヨ糖の相対濃度をいい、より具体的には、小麦粉100gに対して添加されるシヨ糖のグラム数をいう。

[0018] 本明細書において「冷凍ストレス」とは、0℃以下にて酵母を冷凍することをいう。酵母が冷凍される限り、0℃以下の任意の温度が使用されうる。また、「冷凍ストレス耐性」とは、冷凍ストレス条件下で、野生型酵母と比較してより高い発酵力を示す酵母の特性をいう。代表的には、変異型酵母が「冷凍ストレス耐性」を有するか否かについては、冷凍ストレス下における発酵力を酵母が発生する炭酸ガスの発生量を指標として決定する。

[0019] 本明細書において「発酵力」とは、酵母を培養した場合に、糖質を無酸素的に分解した代謝産物を生じる能力をいう。酵母の発酵には、代表的には、アルコール発酵、グリセロール発酵などが挙げられるが、これらに限定されない。発酵力を示す指標としては、例えば、パン生地中の酵母から生じる炭酸ガス量を測定するファーモグラフという機械を使用することで、パン生地の発酵力を測定する方法が使用可能である。その単位としては、例えば、 OD_{600} が100である酵母が発生する炭酸ガス量を $ml / 100 OD_{600}$ として用いることができるが、これに限定されない。上記以外の指標としては、例えば、低糖条件における発酵力(F10)、高糖状態における発酵力(F40

）、およびマルトース発酵力（F_m）などが挙げられるが、これらに限定されない。

[0020] 本明細書において「生地」とは、パン類の発酵に供される材料のみならず、パン類の生地に添加される「種生地」をも含む。本明細書において使用する場合、用語「種生地」とは、パン生地の発酵を行うために添加される種（スタータ）であって、発酵に必要な菌および配合原材料の少なくとも一部を含む生地をいう。

[0021] 本明細書において「発酵」とは、配合原材料中の物質の少なくとも一部が、菌によって分解される現象をいう。

[0022] 本明細書において遺伝子の「不活性化」とは、遺伝子の破壊（例えば、Methods in enzymology, 194, 281-301 (1991))、遺伝子への転移因子の導入（例えば、Methods in enzymology, 194, 342-361 (1991))、遺伝子のアンチセンス遺伝子の導入・発現（例えば、特公平7-40943、23rd European Brewery Conv. Proc., 297-304 (1991))、遺伝子の近傍へのサイレンシングに關与するDNAの導入（例えば、Cell, 75, 531-541 (1993))、遺伝子のコードするポリペプチドに対する抗体の処理（例えば、European J. Biochem., 231, 329-336 (1995))等、遺伝子工学的的手法または生物工学的的手法を用いて、遺伝子または該遺伝子のコードするポリペプチドが本来有する機能を低下または失活させることを意味する。

[0023] 本明細書において「ストリンジエントな条件」とは、いわゆる塩基配列に特異的な2本鎖のポリヌクレオチドが形成され、非特異的な2本鎖のポリヌクレオチドが形成されない条件をいう。換言すれば、相同性が高い核酸同士、例えば完全にマッチしたハイブリッドの融解温度（T_m値）から15℃、好ましくは10℃、更に好ましくは5℃低い温度までの範囲の温度でハイブリダイズする条件ともいえる。例えば、一般的なハイブリダイゼーション用緩衝液中で、68℃、20時間の条件でハイブリダイズする条件を挙げることができる。一例を示すと、0.25M Na₂HPO₄, pH 7.2, 7% SDS, 1mM EDTA, 1×デンハルト溶液からなる緩衝液中で温度が60～6

8℃、好ましくは65℃、さらに好ましくは68℃の条件下で16～24時間ハイブリダイズさせ、さらに20mM Na_2HPO_4 , pH7.2, 1%SDS, 1mMEDTAからなる緩衝液中で温度が60～68℃、好ましくは65℃、さらに好ましくは68℃の条件下で15分間の洗浄を2回行う条件を挙げることができる。他の例としては、25%ホルムアミド、より厳しい条件では50%ホルムアミド、4×SSC（塩化ナトリウム／クエン酸ナトリウム）、50mMHEPES pH7.0、10×デンハルト溶液、20μg/ml変性サケ精子DNAを含むハイブリダイゼーション溶液中、42℃で一晩プレハイブリダイゼーションを行った後、標識したプローブを添加し、42℃で一晩保温することによりハイブリダイゼーションを行う。その後の洗浄における洗浄液および温度条件は、「1×SSC、0.1%SDS、37℃」程度で、より厳しい条件としては「0.5×SSC、0.1%SDS、42℃」程度で、さらに厳しい条件としては「0.2×SSC、0.1%SDS、65℃」程度で実施することができる。このようにハイブリダイゼーションの洗浄の条件が厳しくなるほどプローブ配列と高い相同性を有するDNAの単離を期待し得る。ただし、上記SSC、SDSおよび温度の条件の組み合わせは例示であり、当業者であれば、ハイブリダイゼーションのストリンジェンシーを決定する上記若しくは他の要素（例えば、プローブ濃度、プローブの長さ、ハイブリダイゼーション反応時間など）を適宜組み合わせることにより、上記と同様のストリンジェンシーを実現することが可能である。例えば、当業者であれば、Molecular Cloning (Sambrook and Russell, Molecular Cloning :A Laboratory Manual 3rd ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Woodbury, NY (2001))等を参照することにより、こうした遺伝子を容易に取得することができる。

[0024] 本明細書において配列（核酸配列、アミノ酸配列など）の「相同性」とは、2以上の配列の、互いに対する同一性の程度をいう。また、本明細書において配列（核酸配列、アミノ酸配列など）の「同一性」とは、2以上の対比可能な配列の、互いに対する同一の配列（個々の核酸、アミノ酸など）の程度

をいう。従って、ある2つの遺伝子の相同性が高いほど、それらの配列の同一性または類似性は高い。配列（例えば、核酸配列、アミノ酸配列など）の「類似性」とは、上記相同性において、保存的置換を同一とみなした場合の、2以上の遺伝子配列の、互いに対する同一性の程度をいう。2種類の遺伝子が相同性を有するか否かは、配列の直接の比較、または核酸の場合ストリンジেন্টな条件下でのハイブリダイゼーション法によって調べ得る。アミノ酸配列および塩基配列の同一性および相同性の比較は、配列分析用ツールである、FASTA検索やBLAST検索により決定することができる。

[0025] <2. 冷凍ストレス耐性が増強された酵母>

本発明における酵母では、POG1遺伝子が不活性化されている。POG1遺伝子は、DNA配列から推定すると、分子量約39kDaのタンパク質Pog1をコードしている。これまで転写因子として酵母の細胞周期制御に関わるという報告があるが(Maria, A. et al., Genetics, 151;531-543 (1999))、アミノ酸配列上に転写因子の特徴であるDNA結合モチーフは見出されず、実際に遺伝子の転写を制御しているという報告もないため、その機能は未だに不明のままである。またこれまでに、推定アミノ酸配列レベルで相同性のある遺伝子は、酵母のみならず、すべての生物種で見つかっていない。POG1遺伝子は酵母ユビキチンリガーゼRsp5変異株のストレス感受性を相補するマルチコピーサプレッサーとして取得され、同遺伝子の過剰発現株が塩化リチウム耐性の表現型を示すことが実験室酵母株で知られているが(Demae et al., FEMS Microbiol. Lett., 277, 70-78 (2007))、POG1遺伝子の不活性化によって冷凍ストレス耐性の向上が得られたことは全く予想外であった。

[0026] POG1遺伝子は、上記のように定義づけされるものであれば、特に限定しないが、好ましくは以下のいずれかのポリヌクレオチドからなる：

- (a) 配列番号1に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド；
- (b) 配列番号1に記載のアミノ酸配列と80%以上の相同性を有するタンパク質をコードするポリヌクレオチド；

(c) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列において 1 又は数個以上のアミノ酸残基が欠失、置換、挿入及び／または付加されたアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするポリヌクレオチド。

(d) 配列番号 2 に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド；

(e) 上記 (a) ～ (d) のいずれかのポリヌクレオチドと相補的な塩基配列からなるポリヌクレオチドとストリンジントな条件でハイブリダイズするポリヌクレオチド。

[0027] 上記 (b) のポリヌクレオチドは、配列番号 1 で表されるアミノ酸配列と一定以上の相同性を有しているものである。一定以上の相同性とは、配列番号 1 で表されるアミノ酸配列と少なくとも 80% 以上、好ましくは 85% 以上、より好ましくは 90% 以上、さらに好ましくは、95%、96%、97%、98%、99%、99.5% 以上の配列の同一性をいう。

[0028] 上記 (c) のポリヌクレオチドにおいて、欠失、置換、若しくは付加されてもよいアミノ酸の数としては、その機能を失わせない限り、その個数は制限されないが、部位特異的突然変異誘発法等の公知の変異導入法により欠失、置換、若しくは付加できる程度の数をいう。通常は、30 アミノ酸以内であり、好ましくは 20 アミノ酸以内であり、さらに好ましくは 10 アミノ酸以内であり、最も好ましくは 5 アミノ酸以内（例えば、5, 4, 3, 2, 1 アミノ酸）である。変異を導入したタンパク質が酵母に所望の形質を付与するかどうかは、そのタンパク質をコードする遺伝子を不活性化し、その酵母の冷凍ストレス耐性が増強されているかどうか調べることにより判断できる。また、ここでいう「変異」は、主には部位特異的突然変異誘発法等により人為的に導入された変異を意味するが、天然に存在する同様の変異であってもよい。

[0029] 変異するアミノ酸残基においては、アミノ酸側鎖の性質が保存されている別のアミノ酸に変異されることが好ましい。例えばアミノ酸側鎖の性質としては、疎水性アミノ酸 (A, I, L, M, F, P, W, Y, V)、親水性アミノ酸 (R, D, N, C, E, Q, G, H, K, S, T)、脂肪族側鎖を有す

るアミノ酸 (G、A、V、L、I、P)、水酸基含有側鎖を有するアミノ酸 (S、T、Y)、硫黄原子含有側鎖を有するアミノ酸 (C、M)、カルボン酸及びアミド含有側鎖を有するアミノ酸 (D、N、E、Q)、塩基含有側鎖を有するアミノ酸 (R、K、H)、芳香族含有側鎖を有するアミノ酸 (H、F、Y、W) を挙げることができる。さらに、例えば、変異マトリクス (mutational matrix) によってアミノ酸を分類することも周知である (Taylor 1986, J. Theor. Biol. 119, 205-218; Sambrook and Russell, Molecular Cloning 3rd ed. A7.6-A7.9, Cold Spring Harbor Laboratory Press, 2001)。この分類を以下に要約すると、脂肪族アミノ酸 (L、I、V)、芳香族アミノ酸 (H、W、Y、F)、荷電アミノ酸 (D、E、R、K、H)、正荷電アミノ酸 (R、K、H)、負荷電アミノ酸 (D、E)、疎水性アミノ酸 (H、W、Y、F、M、L、I、V、C、A、G、T、K)、極性アミノ酸 (T、S、N、D、E、Q、R、K、H、W、Y)、小型アミノ酸 (P、V、C、A、G、T、S、N、D)、微小アミノ酸 (A、G、S) 及び大型 (非小型) アミノ酸 (Q、E、R、K、H、W、Y、F、M、L、I) が挙げられる。なお、上記括弧内はいずれもアミノ酸の一文字標記を表す。

- [0030] あるアミノ酸配列に対する 1 又は複数個のアミノ酸残基の欠失、付加及び／又は他のアミノ酸による置換により修飾されたアミノ酸配列を有するポリペプチドがその生物学的活性を維持することはすでに知られている。さらに、標的アミノ酸残基は、共通した性質をできるだけ多く有するアミノ酸残基に変異させることがより好ましい。
- [0031] また、上記 (e) のポリヌクレオチドは、上記 (d) のポリヌクレオチド (配列番号 2 に記載の塩基配列) と相同性において少なくとも 80% 以上、好ましくは 85% 以上、より好ましくは 90% 以上、さらに好ましくは、95%、96%、97%、98%、99% 以上の配列の同一性を有することが好ましい。
- [0032] 酵母は、特に限定されないが、好ましくは *Saccharomyces cerevisiae* に属する酵母であり、より好ましくは、パン酵母であり、さらに好ましくは二倍体

パン酵母である。

[0033] このような酵母は、実施例において示すように、冷凍ストレスに対して耐性を有し、冷凍ストレスの存在下において、P O G 1 遺伝子を不活性化しない野生株と比較して、発酵力が増強している。

[0034] また、本発明の冷凍ストレス耐性が増強された酵母は、自然変異により P O G 1 遺伝子が不活性化されているものであってもよい。

[0035] < 3. 冷凍ストレス耐性が増強された酵母の作製方法 >

本発明の冷凍ストレス耐性が増強された酵母の作製方法は遺伝子組換え技術を用いて、P O G 1 遺伝子を不活性化させる工程を含む。

[0036] P O G 1 遺伝子の不活性化に用いる、遺伝子工学または生物工学に関する基本的操作については、市販の実験書、例えば、Molecular Cloning, Cold Spring Harbor Laboratory (1982)、Molecular Cloning: A Laboratory Manual 3rd ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Woodbury, NY (2001)、Methods in Enzymology, 194 (1991)、実験医学別冊・酵母による遺伝子実験法羊土社(1994)等に記載された方法に従って行うことができる。

[0037] P O G 1 遺伝子を酵母内で不活性化させる方法は、P O G 1 遺伝子または P O G 1 遺伝子がコードするタンパク質 P o g 1 の機能を低下、失活させる方法であれば、遺伝子の破壊（例えば、Methods in enzymology, 194, 281-301 (1991))、遺伝子への転移因子の導入（例えば、Methods in enzymology, 194, 342-361 (1991))、遺伝子のアンチセンス遺伝子の導入・発現（例えば、特公平7-40943、23rd European Brewery Conv. Proc., 297-304 (1991))、遺伝子の近傍へのサイレンシングに關与するDNAの導入（例えば、Cell, 75, 531-541 (1993))、遺伝子のコードするポリペプチドに対する抗体の処理（例えば、European J. Biochem., 231, 329-336 (1995))等、いずれの手法を用いてもよい。

[0038] P O G 1 遺伝子の不活性化に用いられる酵母としては、特に限定されないが、好ましくはSaccharomyces cerevisiaeに属する酵母であり、より好ましくは、パン酵母である。

[0039] P O G 1 遺伝子の破壊とは、P O G 1 遺伝子と相同的な塩基配列を有するが付加、欠失、置換などの変異を起こしてP O G 1 遺伝子として働き得ないDNAを、酵母の細胞中へ導入して相同的組換えを起こさせ、この変異をゲノム上の遺伝子に取込ませることをいう。

[0040] 遺伝子の破壊に用いるDNAの作製方法としては、例えば制限酵素等により低温感受性を相補する遺伝子を切断して、DNAを付加、欠失、置換等を行う方法または低温感受性を相補する遺伝子を細胞外で変異（インビトロ・ミュータジェネシス）させる方法などが用いられる。DNAを付加、置換する方法としては、マーカー遺伝子を挿入する方法などを用いてもよい。

[0041] P O G 1 遺伝子を破壊するには、P O G 1 遺伝子のプロモーター部分、オープン・リーディング・フレーム（ORF）部分、ターミネーター部分等いずれの部位を破壊してもよく、各部位を組み合わせて破壊してもよい。また、P O G 1 遺伝子全体を欠失させることによっても遺伝子を破壊することができる。

P O G 1 遺伝子を破壊するには、例えば、P O G 1 遺伝子を破壊するためのプラスミドあるいはプラスミドの断片を酵母に形質転換し、形質転換されたプラスミドあるいはプラスミドの断片に含まれるDNA断片が酵母のゲノム上の遺伝子と相同組換えを起こすことによって行うことができる。相同組換えを起こすDNA断片としては、P O G 1 遺伝子の破壊用プラスミドまたはその断片と酵母のゲノム上のP O G 1 遺伝子とが、相同組換えを起こせる程度に相同性を持っていればよい。相同組換えを起こすDNA断片であるかどうかは、該DNA断片を酵母に導入し、相同組換えを起こした株が分離できるかどうか、すなわち発酵力が冷凍ストレス耐性を示す株が分離できるかどうかで確認することができる。

[0042] P O G 1 遺伝子の破壊用プラスミドを作製するために用いるベクターとしては、酵母中で保持することが可能なベクター、例えば、Y E p、Y C p、Y I pなどの他、大腸菌中で保持することが可能なベクター、例えばp G E M - T、p U C、p B l u e s c r i p t など、いずれを用いてもよい。

マーカー遺伝子としては、酵母において用いることのできるマーカー遺伝子であれば、例えばURA3、TRP1、LEU2、HIS3等の栄養要求性変異を相補する遺伝子、G418、ヒグロマイシンB、セルレニン、パラフルオロフェニルアラニン等の化学物質に対する耐性遺伝子(例えば、J. Ferment. Bioeng., 76, 60-63 (1993)、Enzyme and Microb. Technol., 15, 874-876 (1993))等など、いずれを用いてもよい。

[0043] 酵母のゲノム上のPOG1遺伝子の破壊は、POG1遺伝子の破壊用プラスミドで酵母を形質転換することによって行うことができる。酵母の形質転換は、遺伝子工学ないし生物工学の分野で慣用されている方法、例えばスフェロプラスト法(Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 84, 1929(1978))、酢酸リチウム法(J. Bacteriol., 153, 163(1983), Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 75, 1929(1978))、エレクトロポレーション法(Methods. Enzymol., 194, 182(1990))等によって行うことができる。

[0044] POG1遺伝子の破壊用プラスミドにマーカー遺伝子を導入することにより、そのマーカーを指標にして、容易に形質転換体を分離することができる。また、酵母のゲノム上のPOG1遺伝子が破壊されると冷凍ストレス下で発酵力が増強することを指標にして、形質転換体を分離することもできる。POG1遺伝子が破壊された株の冷凍ストレス耐性の確認は、当該酵母の冷凍ストレス下での発酵力を調べることによって行うことができる。

[0045] 上記POG1遺伝子破壊株の作製は、すべて酵母の遺伝子からなり、外来遺伝子を一切含まないセルフクローニング技術で作製されることが好ましい。セルフクローニング技術で作製された酵母は、通常の商品微生物と同様に扱うことが出来るためである。このとき、導入するURA3等のマーカー遺伝子は、セルフクローニングを達成するためにサッカロミセス・セレビスエ、特にパン酵母のものが好ましい。

[0046] また、POG1遺伝子破壊株は、変異処理を行なった酵母の中から選択して得ることもできる。すなわち、本発明の方法においては、変異処理によりPOG1遺伝子を破壊してもよい。変異処理の方法は特に限定されず、紫外線

照射、放射線照射等の物理的変異処理、及びエチルメタンサルホン酸等の変異剤で処理する化学的変異処理のいずれであってもよい。変異処理により得られた変異株の中から、冷凍ストレス下で発酵力が増強することを指標として、POG1遺伝子破壊株を選択することができる。

[0047] 本発明に係る酵母は好ましくは二倍体である。POG1遺伝子の二倍体ホモ接合型変異株は、周知の常法により得ることができる。例えば、(1) POG1遺伝子の一倍体変異株を異なる接合型の一倍体(a型及び α 型)より作製し、それらの一倍体変異株を交雑して二倍体変異株を作製する方法、および、(2) 異なる2つの選択マーカーを用い、第一の選択マーカーを用いて第一の対立遺伝子に変異を導入し、その後、その変異株を用いて、第二の選択マーカーを用いて第二の対立遺伝子に変異を導入する方法、が挙げられるがこれらに限定されない。

[0048] 以上の操作によって、冷凍ストレス耐性が増強された酵母を作製することができる。

[0049] <4. パン生地の製造方法、パンの製造方法>

本発明の酵母は、POG1遺伝子が不活性化されており、冷凍ストレス耐性、特に冷凍パン生地における冷凍ストレス耐性にきわめてすぐれている。したがって、本発明に係るパン酵母は、冷凍パン生地において、冷凍ストレスによく耐え、発酵させたときに、良くその能力を発揮し、これを焼き上げたときに、美味な各種パンを得ることができる。本発明に係る冷凍生地は、POG1遺伝子が不活性化された冷凍ストレス耐性パン酵母を使用するほかは、定法にしたがって製造すればよく、パンの製造もPOG1遺伝子が不活性化された冷凍ストレス耐性パン酵母を使用するほかは、定法にしたがっておこなえばよい。

[0050] 本発明は、以上説示した各構成に限定されるものではなく、明細書に記載した範囲で種々の変更が可能であり、異なる実施形態にそれぞれ開示された技術的手段を適宜組み合わせ得られる実施形態についても本発明の技術的範囲に含まれる。また、本明細書中に記載された文献の全てが参考として援用

される。以下、実施例を示して本発明をさらに詳細に説明するが、本発明はかかる実施例のみに限定されるものではない。

実施例

[0051] 以下に実施例を示して本発明をさらに詳しく説明するが、この発明は以下の例に限定されるものではない。

[0052] (1) 実用酵母を用いる P O G 1 遺伝子破壊二倍体酵母の作製：

P O G 1 遺伝子破壊株の作製法を図 1 に示す。U R A 3 遺伝子領域を増幅するために、正方向プライマーとして核酸配列 (CTAGGGAAGACAAGCAACGAAACG:配列番号 3) を有する URA3up-Fw プライマー、および、逆方向プライマーとして核酸配列 (GGGCGGGTTATCAGATATTATCAGG:配列番号 4) を有する URA3down-Rv プライマーを用いた。S. cerevisiae のパン酵母株の染色体 DNA を鋳型としてこれらプライマー対を用いて、U R A 3 遺伝子領域を増幅した。増幅断片を鋳型として、5'末端に P O G 1 遺伝子の一部を付加した正方向プライマーとして核酸配列 (CCTGCGCTTAACTCATACAAAAAGGCGCAAAACATTTCAAGAGTCCCACGATT AATTGCAGAAATTGAAAgattcggtaatctccgag:配列番号 5) を有する POG1+URA3-Fw プライマー、および、同じく 5'末端に P O G 1 遺伝子の一部を付加した逆方向プライマーとして核酸配列 (TGAAGTGAAGTAAGGTGGACGGATGCATCGAATGAAGGT TAGGAAGGGATATAGTTTTAGAAATTAGGTGgtaataactgatataattaaattg:配列番号 6) を有する POG1+URA3-Rv プライマーを用いて、P O G 1 遺伝子破壊用断片を増幅した。増幅断片をパン酵母一倍体ウラシル要求性株 (3346 U r a 3⁻、3347 U r a 3⁻) に形質転換し、P O G 1 遺伝子破壊株を、ウラシル非要求性を指標に単離した。P O G 1 遺伝子破壊株が作製されたことを、POG 1upstream-Fw プライマー (TTAAAGGCTACGCAGAAGAGG:配列番号 7) および URA3 ORF-Rv プライマー (GGCCTCTAGGTTCCCTTTGTTACTTC:配列番号 8) を用いる PCR によって確認した。a 型と α 型それぞれの一倍体において作製した P O G 1 遺伝子破壊株同士を接合させることにより二倍体株を作製した。二倍体株が作製出来たことは、孢子形成培地上 (0.05% グルコース、0.1% Yeast extract、1% 酢酸カリウム、2% 寒天) での孢子形成に

より確認した。

[0053] (2) P O G 1 遺伝子破壊二倍体酵母の冷凍ストレス耐性：

実施例 1 において作製した変異株の冷凍ストレス耐性の評価を行った。

野生株、P O G 1 遺伝子破壊株、および P O G 1 遺伝子高発現株を、廃糖蜜培地（5.88%廃糖蜜、0.214%尿素、0.051%リン酸二水素カリウム）で定常期まで培養した後培養した細胞を、磁器乾燥版（ニッカトー株式会社）を使用して、含水量が66%になるまで脱水した。この酵母をパン生地用小麦粉100gに対して5gのショ糖、2gの塩化ナトリウム、水68mLを含む高糖パン生地に4g加えた。これら混合物をスワンソンプミキサー（National Mfg. Co., Ltd.）を用いて100rpmで3分間攪拌した後、40gずつに小分けし、スクリュウキャップボトルに封をして入れ、30℃、120分間の前発酵を行い、その後パン生地ごと-20℃で冷凍した。冷凍後1及び3週間後、30℃で30分間解凍した後、炭酸ガス発生量をファーマグラフII（アトー株式会社）にて測定した。結果をそれぞれ図3b）、c）および図4a）、b）に示す。また、冷凍を行わずに前発酵後すぐに炭酸ガス発生量を測定した結果は図3a）に示す。

[0054] 表 1 本発明の P O G 1 遺伝子破壊株の野生株に対する発酵力の比

菌株名	前発酵2時間 冷凍ストレス1週間	前発酵2時間 冷凍ストレス3週間
野生株	100	100
P O G 1 遺伝子 高発現株	67.7	22.6
P O G 1 遺伝子 破壊株	155.5	171.5

[0055] その結果、P O G 1 遺伝子を破壊した実用パン酵母二倍体株は、冷凍後のパン生地中での発酵力が野生株と比較して1週間後では約56%、3週間後では約72%有意に高かった。このことから、P O G 1 遺伝子破壊は冷凍生地耐性実用パン酵母の作製に適する方法であることが示された。

産業上の利用可能性

[0056] 本発明の酵母を用いることによって、冷凍ストレス条件下であっても高い発酵力を発揮する酵母を単離することが可能となる。そのような酵母を用いることによって、従来、十分な発酵を行うことが困難であった冷凍生地製パン法などの冷凍環境での発酵の効率を高めることが可能となる。

配列表フリーテキスト

[0057] 配列番号 3～8: プライマー

請求の範囲

- [請求項1] P O G 1 遺伝子が不活性化されていることを特徴とする、冷凍ストレス耐性が増強された酵母。
- [請求項2] P O G 1 遺伝子が以下のいずれかのポリヌクレオチドからなる、請求項1に記載の酵母：
- (a) 配列番号1に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド；
 - (b) 配列番号1に記載のアミノ酸配列と80%以上の相同性を有するタンパク質をコードするポリヌクレオチド；
 - (c) 配列番号1に記載のアミノ酸配列において1又は数個以上のアミノ酸残基が欠失、置換、挿入及び／または付加されたアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするポリヌクレオチド；
 - (d) 配列番号2に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド；
 - (e) 上記(a)～(d)のいずれかのポリヌクレオチドと相補的な塩基配列からなるポリヌクレオチドとストリンジントな条件でハイブリダイズするポリヌクレオチド。
- [請求項3] 前記酵母はパン酵母である、請求項1～請求項2のいずれかに記載の酵母。
- [請求項4] 請求項1～請求項3のいずれかに記載の酵母を用いる、パン生地の製造方法。
- [請求項5] 請求項1～請求項3のいずれかに記載の酵母を用いる、パンの製造方法。
- [請求項6] P O G 1 遺伝子を不活性化する工程を含む冷凍ストレス耐性が増強された酵母の作製方法。
- [請求項7] P O G 1 遺伝子が以下のいずれかのポリヌクレオチドからなる、請求項6に記載の方法：
- (a) 配列番号1に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド；

(b) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列と 80%以上の相同性を有するタンパク質をコードするポリヌクレオチド；

(c) 配列番号 1 に記載のアミノ酸配列において 1 又は数個以上のアミノ酸残基が欠失、置換、挿入及び／または付加されたアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするポリヌクレオチド；

(d) 配列番号 2 に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド；

(e) 上記 (a) ～ (d) のいずれかのポリヌクレオチドと相補的な塩基配列からなるポリヌクレオチドとストリンジントな条件でハイブリダイズするポリヌクレオチド。

[請求項8]

請求項 6 または 7 に記載の方法であって、さらに、

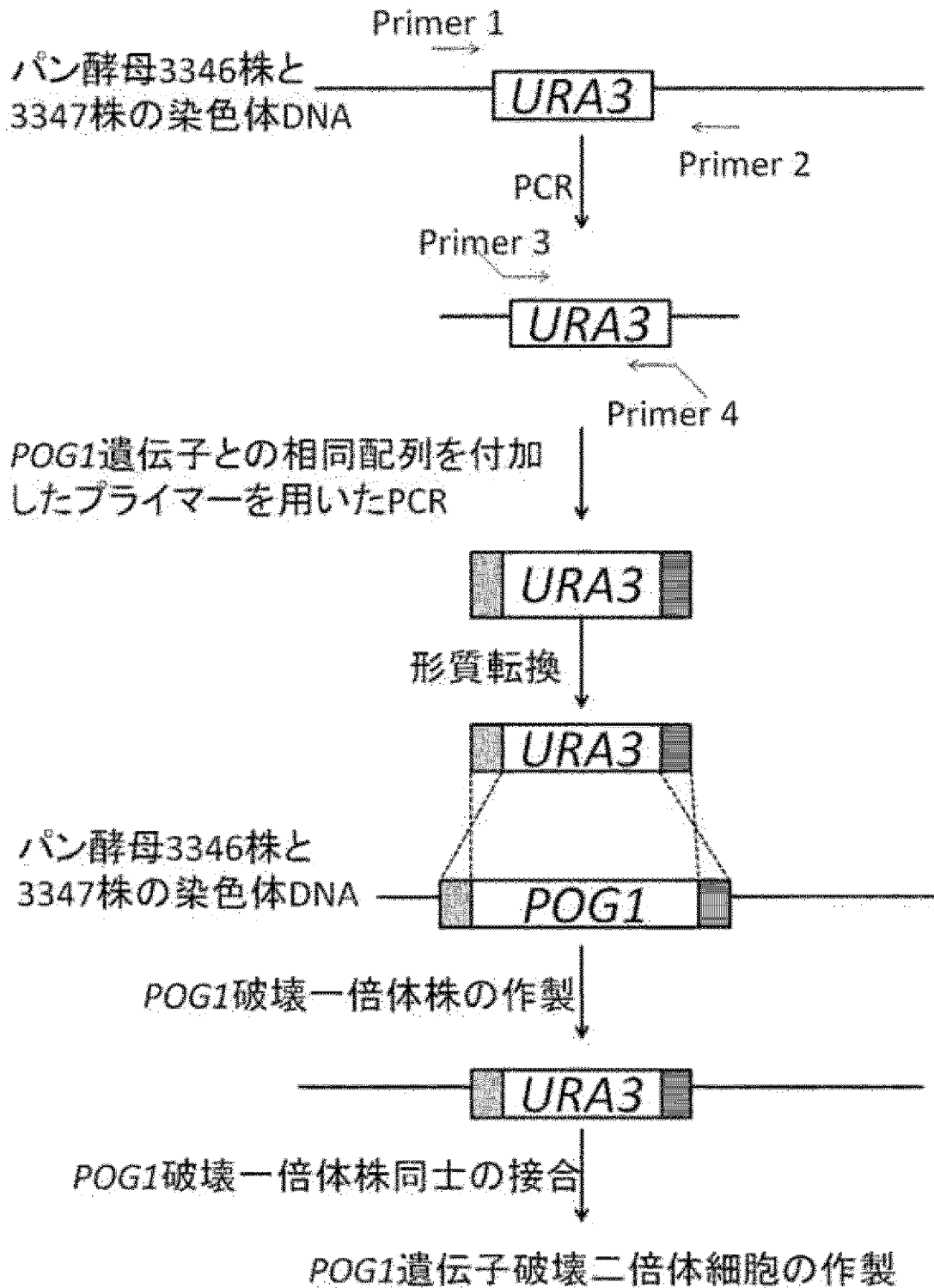
POG1 遺伝子を不活性化した酵母と POG1 遺伝子を不活性化していない酵母とを冷凍ストレス耐性について比較する工程、
を包含する方法。

[請求項9]

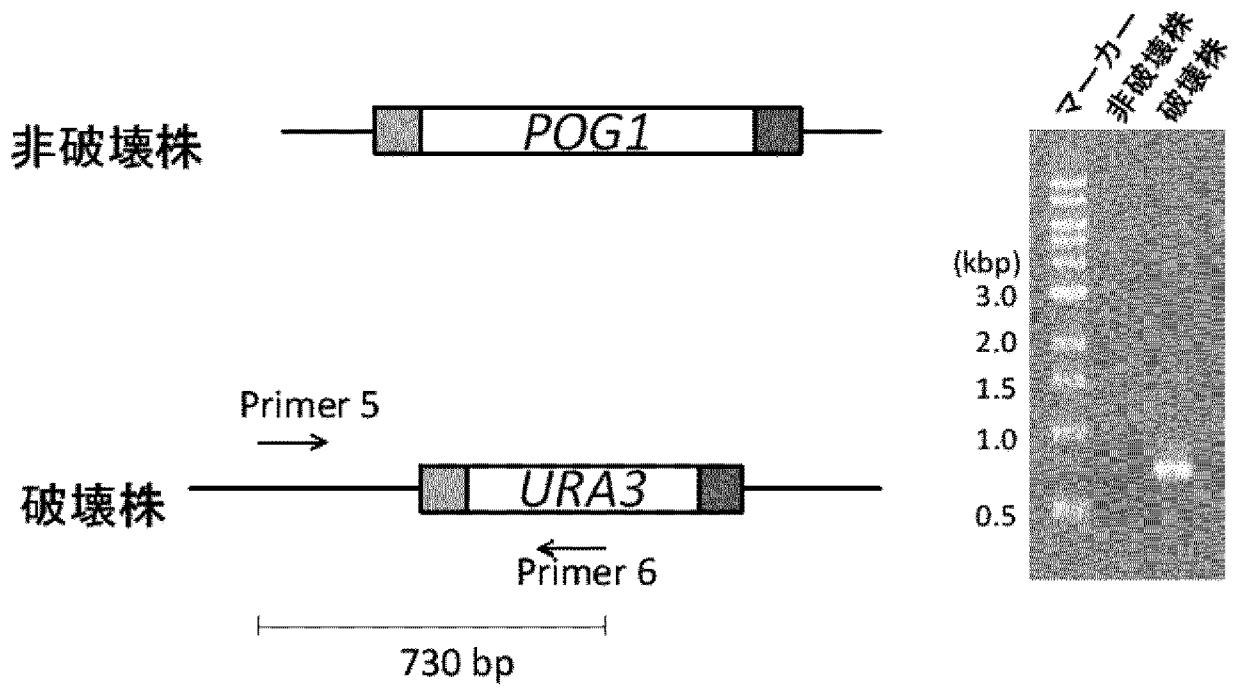
請求項 8 に記載の方法であって、さらに、

冷凍ストレス耐性の向上した酵母を選択する工程、
を包含する方法。

[図1]

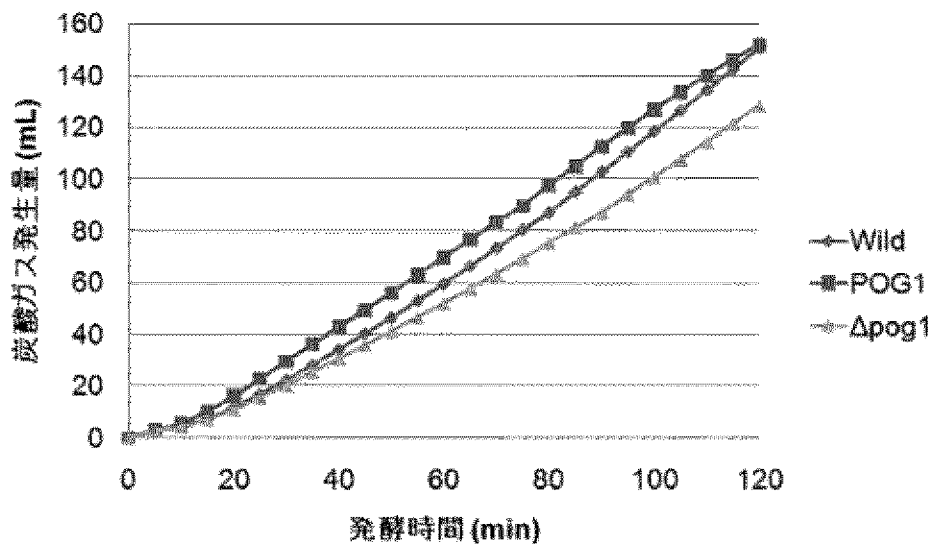


[図2]

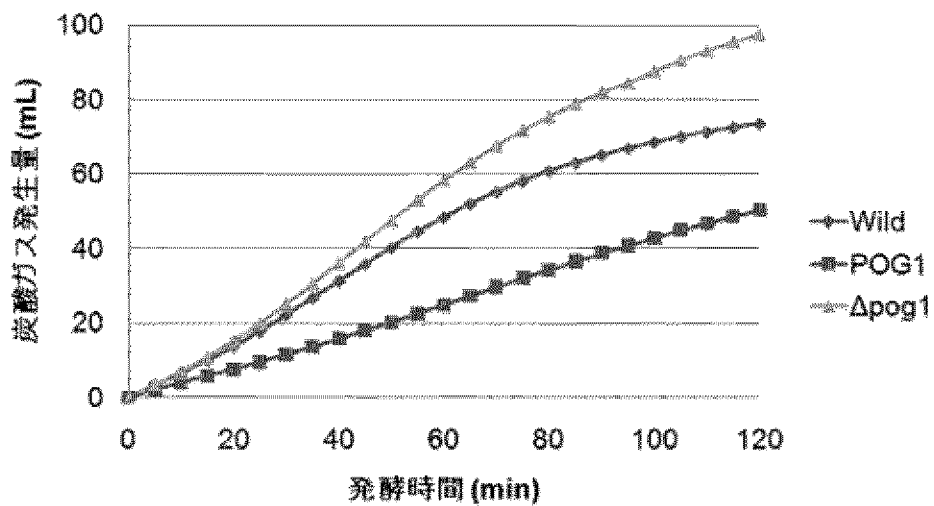


[図3]

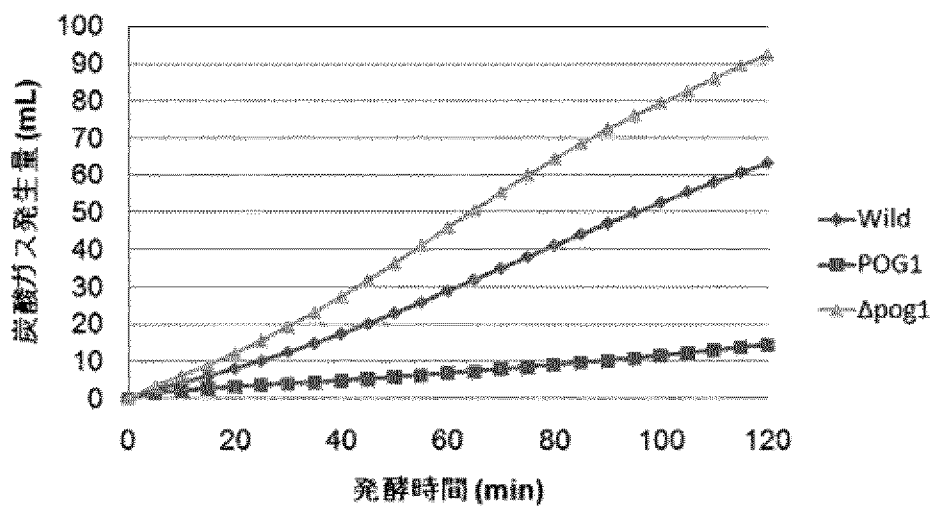
a)



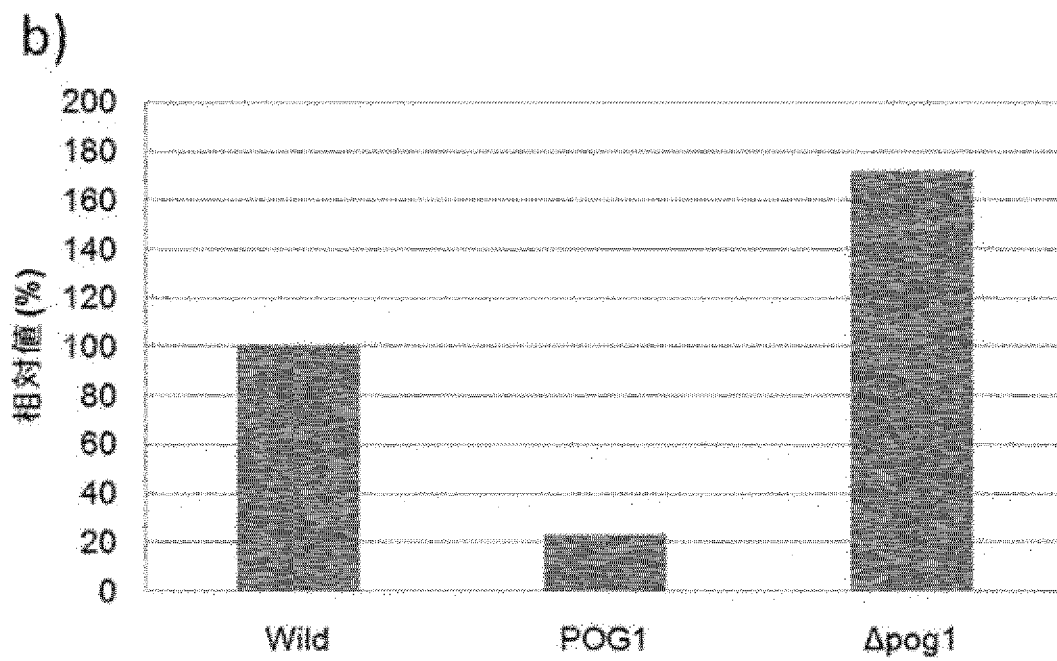
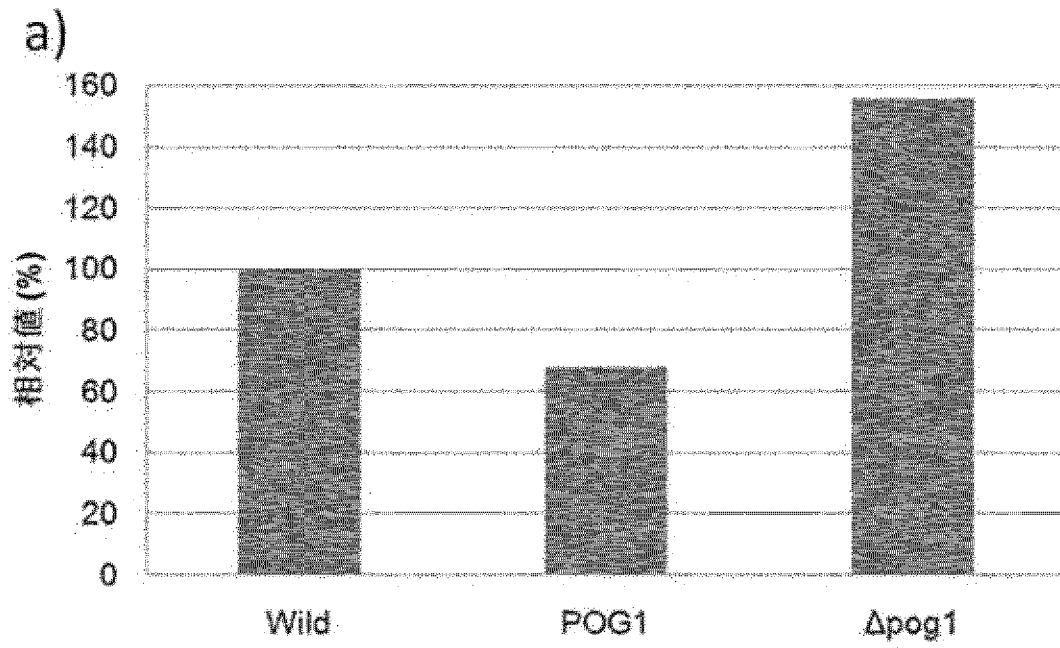
b)



c)



[図4]



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2012/080058

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

C12N1/19(2006.01) i, A21D2/08(2006.01) i, A21D8/04(2006.01) i, A21D13/00(2006.01) i, C07K14/39(2006.01) n, C12N15/09(2006.01) n, C12Q1/02(2006.01) n

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

C12N1/19, A21D2/08, A21D8/04, A21D13/00, C07K14/39, C12N15/09, C12Q1/02

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Jitsuyo Shinan Koho	1922-1996	Jitsuyo Shinan Toroku Koho	1996-2012
Kokai Jitsuyo Shinan Koho	1971-2012	Toroku Jitsuyo Shinan Koho	1994-2012

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

CA/BIOSIS/MEDLINE/WPIDS (STN), JSTPlus/JMEDPlus/JST7580 (JDreamII), GenBank/EMBL/DDBJ/GeneSeq, PubMed, Wiley, InterScience, CiNii

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
<u>X</u> A	LEZA, M, A. and ELION, E, A., POG1, a Novel Yeast Gene, Promotes Recovery From Pheromone Arrest via the G1 Cyclin CLN2, Genetics, 1999. 02, Vol. 151(2), pp. 531-543, RESULTS	<u>1-7</u> 8, 9
<u>X</u> A	DEMAE, M., et al., Overexpression of two transcriptional factors, Kin28 and Pogl, suppresses the stress sensitivity caused by the rsp5 mutation in Saccharomyces cerevisiae, FEMS Microbiology Letters, 2007.12, Vol. 277, No. 1, pp. 70-78, entire text	<u>1-7</u> 8, 9

Further documents are listed in the continuation of Box C.

See patent family annex.

* Special categories of cited documents:

- "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance
- "E" earlier application or patent but published on or after the international filing date
- "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)
- "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means
- "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

- "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
- "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
- "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art
- "&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search
05 December, 2012 (05.12.12)

Date of mailing of the international search report
18 December, 2012 (18.12.12)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))

Int.Cl. C12N1/19(2006.01)i, A21D2/08(2006.01)i, A21D8/04(2006.01)i, A21D13/00(2006.01)i, C07K14/39(2006.01)n, C12N15/09(2006.01)n, C12Q1/02(2006.01)n

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))

Int.Cl. C12N1/19, A21D2/08, A21D8/04, A21D13/00, C07K14/39, C12N15/09, C12Q1/02

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

日本国実用新案公報	1922-1996年
日本国公開実用新案公報	1971-2012年
日本国実用新案登録公報	1996-2012年
日本国登録実用新案公報	1994-2012年

国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)

CA/BIOSIS/MEDLINE/WPIDS(STN), JSTPlus/JMEDPlus/JST7580(JDreamII), GenBank/EMBL/DBJ/GeneSeq, PubMed, Wiley InterScience, Cnii

C. 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求項の番号
X A	LEZA, M, A. and ELION, E, A., POG1, a Novel Yeast Gene, Promotes Recovery From Pheromone Arrest via the G1 Cyclin CLN2, Genetics, 1999.02, Vol. 151(2), pp. 531-543, RESULTS 参照	1-7 8,9
X A	DEMAE, M., et al., Overexpression of two transcriptional factors, Kin28 and Pogl, suppresses the stress sensitivity caused by the rsp5 mutation in Saccharomyces cerevisiae, FEMS Microbiology Letters, 2007.12, Vol. 277, No. 1, pp. 70-78, 全文	1-7 8,9

C欄の続きにも文献が列挙されている。

パテントファミリーに関する別紙を参照。

* 引用文献のカテゴリー

「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの
 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの
 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す)
 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

の日の後に公表された文献
 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの
 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
 「&」同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日

05.12.2012

国際調査報告の発送日

18.12.2012

国際調査機関の名称及びあて先

日本国特許庁 (ISA/J P)
 郵便番号100-8915
 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官 (権限のある職員)

太田 雄三

電話番号 03-3581-1101 内線 3448

4B

3959